

Guía del usuario

Histolog[®]
Viewer

versión 2.1.1



SamanTree Medical (Switzerland) SA

Avenue de Provence 12

1007 Lausana

Suiza

Tel.: +41 21 625 0940

Atención al cliente:

Tel: +41 21 623 0073

contact@samantree.com

Copyright © 2015–2026

Esta publicación está protegida por derechos de autor y todos los derechos están reservados. Ninguna parte de este manual puede reproducirse ni transmitirse de ninguna manera ni por ningún medio, electrónico o mecánico, lo que incluye la fotocopia o la grabación para ningún propósito aparte de para el uso personal del comprador sin permiso de SamanTree Medical.

Histolog es una marca registrada de SamanTree Medical.

Consulte www.samantree.com/ip para obtener más información sobre la propiedad intelectual.

El software Histolog[®] Viewer puede contener componentes o módulos que sean programas de software de código abierto o comerciales. Para obtener información sobre el copyright y otros avisos e información sobre licencias en relación con dichos programas de software utilizados en el software Histolog[®] Viewer, consulte el contenido de la carpeta de «licencia» instalada por el instalador del Histolog[®] Viewer en el sistema de archivos de su ordenador, en la misma ubicación en la que se instaló el software Histolog[®] Viewer.

1. Historial de revisiones

Versión	Fecha	Descripción de los cambios
1.0	2020-12-18	Nuevo documento para Histolog® Viewer versión 2.0.0 e Histolog® Guide versión 1.1.1.
1.1	2021-03-12	Versión mejorada del documento con explicaciones más detalladas de las funciones del Histolog Viewer.
1.2	2025-05-19	Nueva versión del documento con actualizaciones para Histolog® Viewer versión 2.1.0.
1.3	2025-05-27	Actualización de las notas de los apartados 8 y 12. Información añadida sobre la notificación de incidentes en el apartado 4. Revisión de los datos de contacto de la persona responsable en el Reino Unido.
1.4	2026-06-22	Actualizaciones para Histolog® Viewer versión 2.1.1. - Se ha actualizado el apartado 5.1.1. «Requisitos de la estación de trabajo». - Se ha añadido el apartado 6.3 «Elegir una fuente de datos» y el apartado 7 «Trabajar con fuentes de datos» para introducir nuevas funciones de trabajo con varias fuentes de datos. - Se ha añadido el apartado 6.6 «Cambiar el idioma de la interfaz de usuario» para introducir nuevas funciones de cambio del idioma de la interfaz gráfica de usuario. - Añadidas instrucciones sobre el trazado de navegación en el mapa de navegación en la sección 12.1. - Se han actualizado las figuras para presentar la interfaz gráfica de usuario con las nuevas funciones: Fuentes de datos, idioma de la interfaz gráfica de usuario y criterios de clasificación de «Perfil de la aplicación» en la Galería. - Eliminación del sistema de gestión de licencias

2. Índice

1. Historial de revisiones	3
2. Índice	4
3. Explicación de los símbolos	6
4. Información del producto	7
4.1. Indicaciones	7
5. Instrucciones de seguridad	8
5.1. Precauciones	8
6. Instalación y desinstalación	9
6.1. Requisitos del sistema	9
6.1.1. Requisitos de la estación de trabajo	9
6.1.2. Requisitos del monitor	9
6.2. Instalación de Histolog® Viewer	9
6.3. Desinstalación de Histolog® Viewer	12
7. Iniciar y salir	13
7.1. Iniciar el Histolog® Viewer	13
7.2. Elegir una fuente de datos	13
7.3. Inicio de sesión	13
7.3.1. Creación de un nuevo usuario e inicio de sesión	14
7.3.2. Inicio de sesión con un usuario existente	15
7.3.3. Cierre de sesión	16
7.4. Visualización de la información del producto (en la ventana Acerca de)	16
7.5. Cambiar el idioma de la interfaz de usuario	17
7.6. Exportar archivos de registro	19
7.7. Salir del Histolog® Viewer	20
8. Trabajar con fuentes de datos	22
8.1. Crear una nueva fuente de datos	22
8.2. Añadir una fuente de datos existente	23
8.3. Editar el nombre de una fuente de datos existente	25
8.4. Eliminar una fuente de datos existente	25
9. Gestionar cuentas de usuario	26
9.1. Crear una nueva cuenta de usuario	26
9.1.1. Crear una nueva cuenta de usuario al iniciar sesión	26
9.1.2. Gestionar la contraseña de usuario	27
9.2. Eliminar una cuenta de usuario	28
9.3. Cambiar la cuenta de usuario	28
10. Importar imágenes	30
10.1. Seleccionar la ubicación de los datos a importar	30
10.1.1. Importación automática (desde USB)	30
10.1.2. Importar desde la ubicación seleccionada	30
10.2. Seleccionar datos para importar	31
11. Gestionar imágenes	33
11.1. Organizar el contenido de la galería: clasificación/filtro	33
11.1.1. Ordenar imágenes	33
11.1.2. Filtrar imágenes	33
Filtrar por palabra clave	33
Filtrar por categorías	33
11.2. Seleccionar imágenes	34
11.2.1. Seleccionar/deseleccionar todo	34

11.2.2. Seleccionar/deseleccionar sesiones	34
11.2.3. Seleccionar/deseleccionar imágenes	34
11.3. Eliminar imágenes	35
11.4. Restaurar imágenes eliminadas	35
11.5. Eliminar permanentemente las imágenes	35
11.6. Configurar el diseño	35
11.7. Panel de información	36
12. Visualización de imágenes	37
12.1. Panel de información y mapa de navegación	37
12.2. Navegación: Zoom y panorámica	37
12.3. Mapa de colores, ajuste de contraste	37
12.3.1. Mapa de colores	37
12.3.2. Ajuste del contraste	38
Ajuste manual	38
Ajuste automático	38
12.4. Configurar el diseño	38
12.5. Instantánea	39
13. Anotar imágenes	40
13.1. Añadir anotaciones	40
13.1.1. Chincheta	40
13.1.2. Forma libre	40
Nueva forma libre	40
Modificar una forma libre	41
13.1.3. Medir	42
13.2. Descripción del texto	42
13.3. Clases de anotación	43
13.4. Etiquetas	44
13.5. Seleccionar anotaciones	45
13.6. Eliminación de anotaciones	46
13.7. Mostrar/ocultar anotaciones	46
13.8. Versiones permanentes:	47
13.8.1. Crear una versión permanente	47
13.8.2. Clonación	47
13.8.3. Eliminar una versión permanente	47
14. Exportar imágenes	49
14.1. Formatos de exportación	49
14.2. Exportar una selección de imágenes desde la Galería de imágenes	49
14.3. Exportar la imagen mostrada actualmente	51
15. Solución de problemas	52
15.1. Póngase en contacto con SamanTree Medical	52
15.2. Exportar archivos de registro	52

3. Explicación de los símbolos

	Fabricante
	Consultar las guía del usuario
	Cuando va seguido de « PRECAUCIÓN », este símbolo significa «¡Precaución! El incumplimiento podría ocasionar daños al equipo, pérdida de tiempo o esfuerzo, o la necesidad de suspender el uso del dispositivo.»
NOTA	La señal de NOTA en esta guía llama la atención sobre información útil acerca de una función o procedimiento.

4. Información del producto

Esta guía se aplica a Histolog[®] Viewer versión 2.1.1. La versión es compatible con las imágenes del software del Histolog[®] Scanner versión 3.1.2 y posteriores, hasta nuevo aviso.

El Histolog[®] Viewer es para uso diagnóstico in vitro por parte de profesionales sanitarios.

 **PRECAUCIÓN** No intente utilizar el Histolog[®] Viewer con las imágenes originadas en versiones incompatibles del software del Histolog[®] Scanner. Intentar esto supondrá una pérdida de tiempo y esfuerzo.

 **PRECAUCIÓN** Esta guía contiene instrucciones esenciales para un uso seguro y eficaz del Histolog[®] Viewer. En particular, contiene una descripción detallada de la interfaz gráfica de usuario (GUI) del producto. Antes de utilizar el producto, lea estas instrucciones y asegúrese de comprender completamente cómo utilizar la interfaz gráfica de usuario. Si no se comprende la interfaz gráfica de usuario, es posible que no se pueda completar el procedimiento esperado con el Histolog[®] Viewer.

4.1. Indicaciones

El Histolog[®] Viewer es un programa informático de uso general diseñado para acceder, mostrar, anotar, gestionar, almacenar y compartir conjuntos de imágenes digitales del Histolog[®] Scanner y sus metadatos asociados.

El Histolog[®] Viewer no está diseñado para alterar las imágenes originales del Histolog[®] Scanner, ni la información del paciente y del operador definida inicialmente en el Histolog[®] Scanner (si está presente).

 **PRECAUCIÓN** El Histolog[®] Viewer está indicado para utilizarse únicamente con imágenes originadas en exploraciones realizadas en el Histolog[®] Scanner. No intente utilizar el Histolog[®] Viewer para trabajar con imágenes no originadas en el Histolog[®] Scanner. Intentar esto supondrá una pérdida de tiempo y esfuerzo.

5. Instrucciones de seguridad

Utilice el Histolog[®] Viewer solo para el propósito descrito en esta guía del usuario.

Notifique cualquier incidente grave relacionado con el Histolog[®] Viewer a [SamanTree Medical \(Switzerland\) SA](#) y a la autoridad competente de su país.

5.1. Precauciones

PRECAUCIÓN

- Esta guía contiene instrucciones esenciales para un uso seguro y eficaz del Histolog[®] Viewer. En particular, contiene una descripción detallada de la interfaz gráfica de usuario (GUI) del producto. Antes de utilizar el producto, lea estas instrucciones y asegúrese de comprender completamente cómo utilizar la interfaz gráfica de usuario. Si no se comprende la interfaz gráfica de usuario, es posible que no se pueda completar el procedimiento esperado con el Histolog[®] Viewer.
- No utilice el Histolog[®] Viewer con una estación de trabajo o con un monitor que no cumpla los requisitos «mínimos» especificados. Si no se sigue esta indicación, el rendimiento del Histolog[®] Viewer se verá afectado.
- El Histolog[®] Viewer está indicado para utilizarse únicamente con imágenes obtenidas de exploraciones realizadas en el Histolog[®] Scanner. No intente utilizar el Histolog[®] Viewer para trabajar con imágenes no originadas en el Histolog[®] Scanner. Intentar esto supondrá una pérdida de tiempo y esfuerzo.
- No intente utilizar el Histolog[®] Viewer con imágenes originadas en versiones incompatibles del software del Histolog[®] Scanner. Intentar esto supondrá una pérdida de tiempo y esfuerzo.
- Asegúrese de que la duración del flujo de trabajo de revisión de imágenes remotas (incluida la exportación/importación) sea aceptable antes de utilizar el Histolog[®] Viewer por primera vez. Esto es especialmente importante cuando se utiliza el Histolog[®] Viewer como medio principal para ver/revisar las imágenes del Histolog[®] Scanner durante un procedimiento del paciente (p. ej., intraoperatoriamente).

6. Instalación y desinstalación

6.1. Requisitos del sistema

Revise la información de este apartado antes de instalar el Histolog[®] Viewer.

6.1.1. Requisitos de la estación de trabajo

Antes de instalar el Histolog[®] Viewer, asegúrese de que su estación de trabajo cumpla los siguientes requisitos «mínimos»:

	Recomendado	Mínimo
Procesador	CPU Intel Core i7 de 6ª generación o equivalente	-
Tipo de disco	SSD recomendado para un rendimiento óptimo	-
Espacio libre en disco	Las necesidades varían según el flujo de trabajo. Una imagen tiene un tamaño aproximado de 1GB. Se recomienda >50 GB.	
Memoria (RAM)	16 GB	8 GB
Sistemas operativos compatibles	Microsoft Windows 10 (64 bits) o posterior	Microsoft Windows 7 (64 bits)
Puerto USB	Puerto USB 3.0 (con privilegios de acceso completos a las unidades USB)	Puerto USB (con privilegios de acceso completos a las unidades USB)
Conectividad de red	Ethernet gigabit (1000 Mbps), Wi-Fi 5 (802.11ac) o Wi-Fi 6 (802.11ax)	Ethernet rápido (100 Mbps) o Wi-Fi 4 (802.11n)
Dispositivos de entrada	Ratón y teclado	Ratón (o panel táctil) y teclado

6.1.2. Requisitos del monitor

Antes de instalar el Histolog[®] Viewer, asegúrese de que su monitor cumpla los siguientes requisitos «mínimos»:

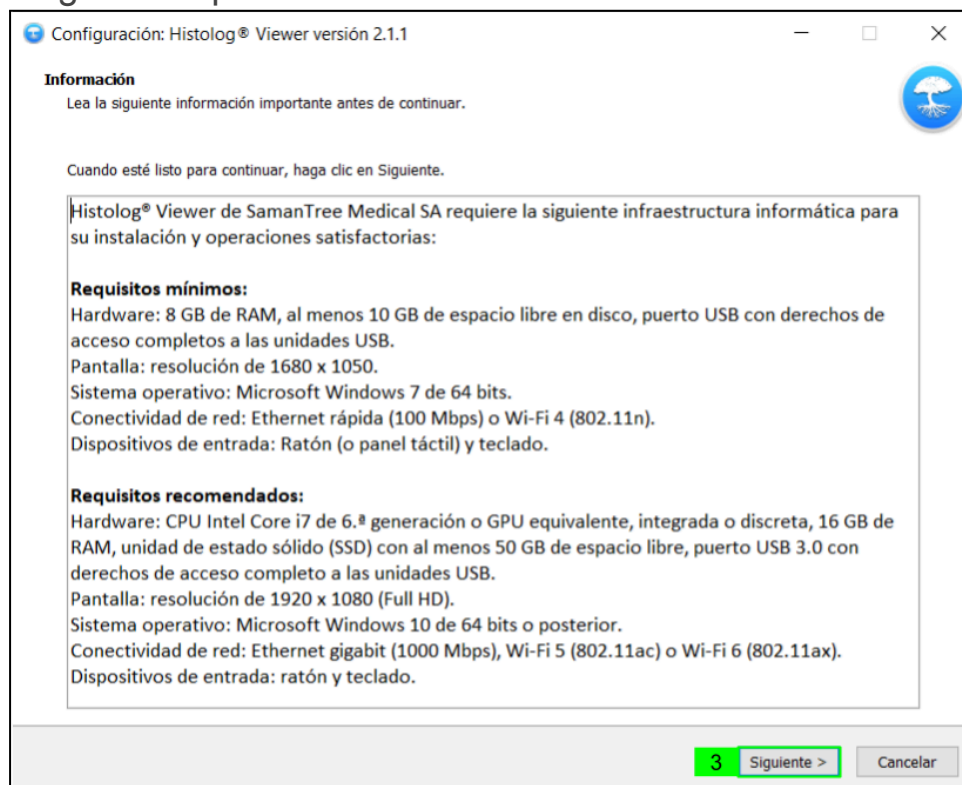
	Recomendado	Mínimo
Resolución	1920 x 1080 píxeles (Full HD)	1680 x 1050 píxeles
Factor de escala (Pantalla del sistema operativo)	Debe configurarse al 100 %	Debe configurarse al 100 %

 **PRECAUCIÓN** No utilice el Histolog[®] Viewer con una estación de trabajo o con un monitor que no cumpla los requisitos «mínimos» especificados. Si no se sigue esta indicación, el rendimiento del Histolog[®] Viewer se verá afectado.

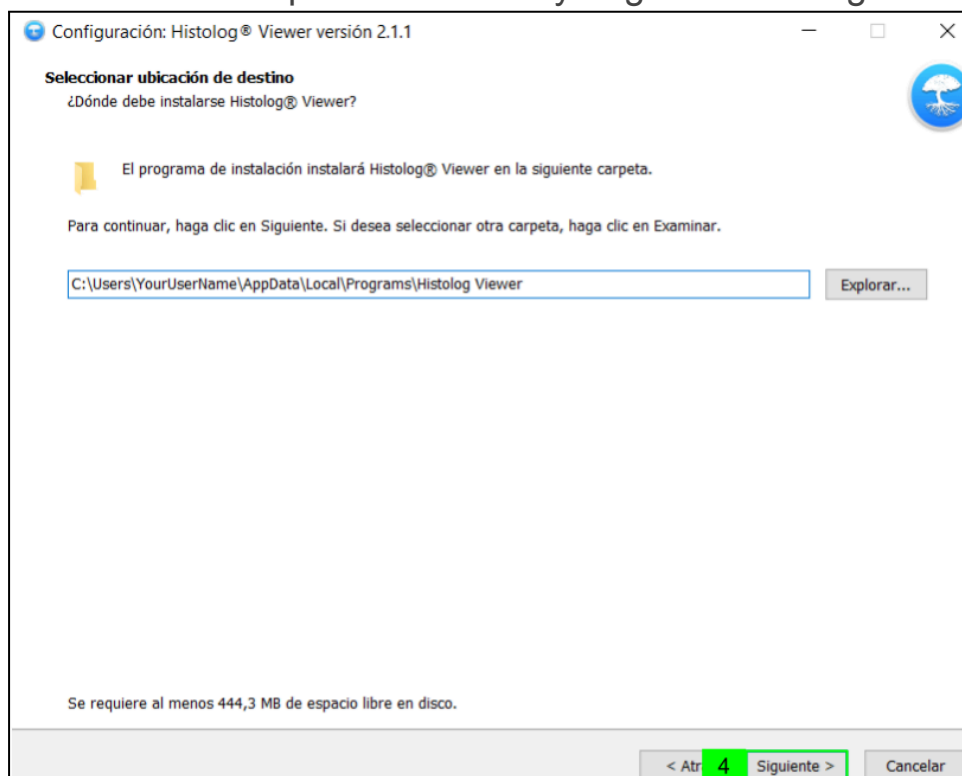
6.2. Instalación de Histolog[®] Viewer

Instale el Histolog[®] Viewer siguiendo los pasos que se indican a continuación:

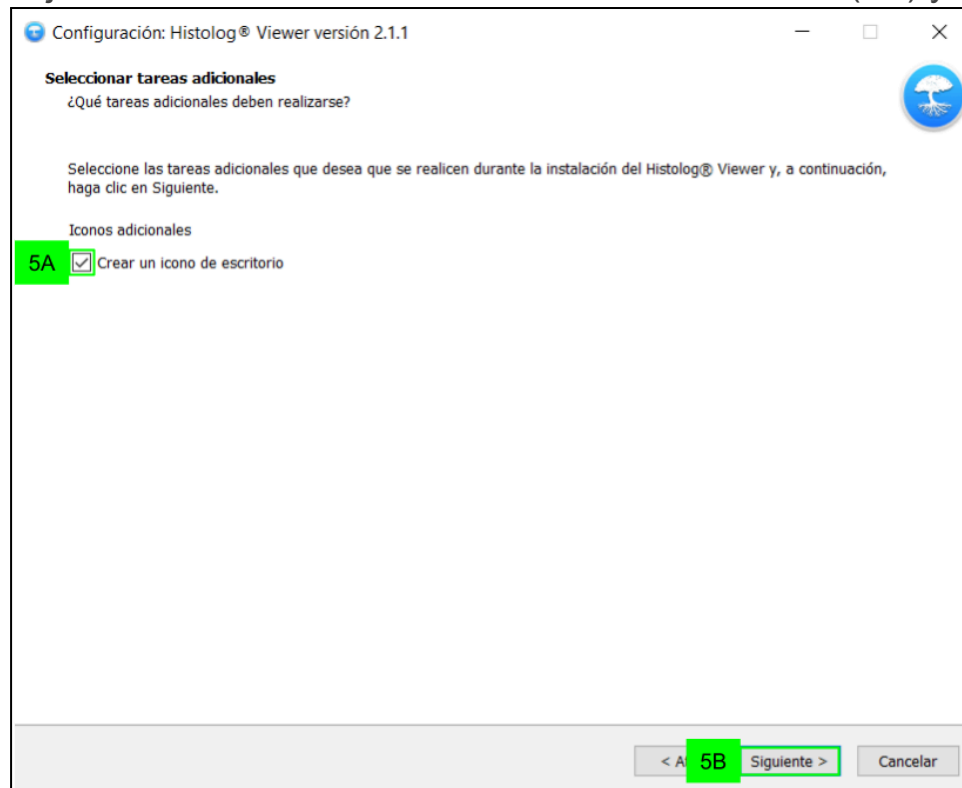
1. Obtenga de su contacto autorizado el archivo de instalación del Histolog® Viewer (.exe en Microsoft Windows)
2. Haga doble clic en el archivo de instalación para iniciar el asistente de instalación
3. Revise la información sobre los requisitos mínimos y recomendados y, a continuación, haga clic en «Siguiente» para continuar



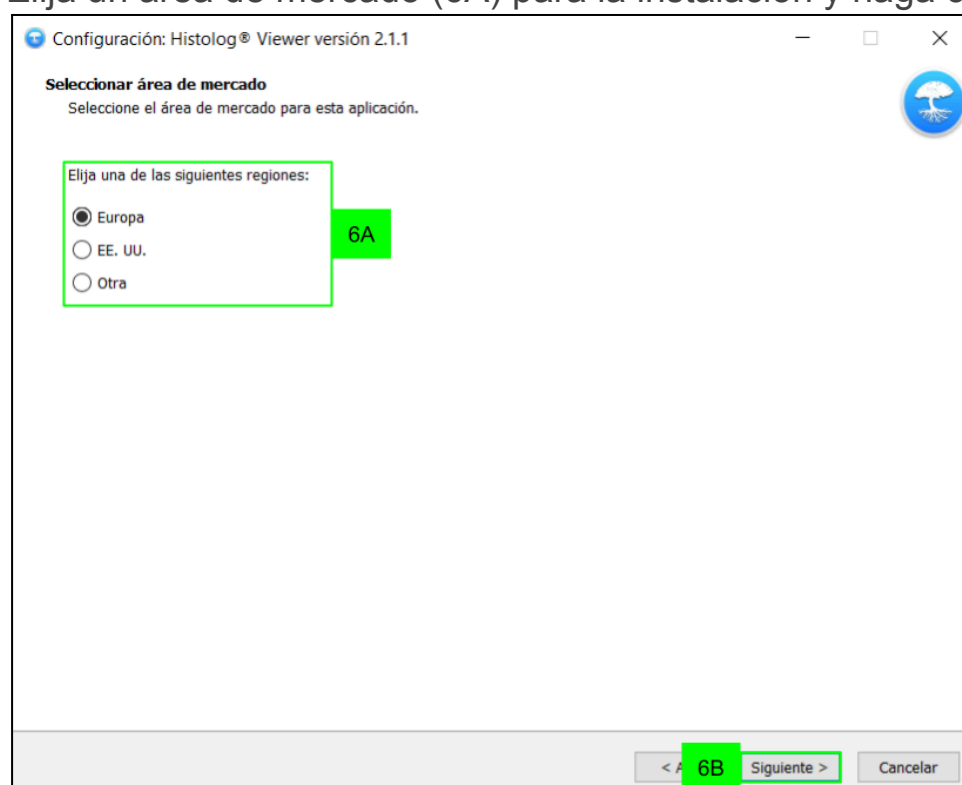
4. Seleccione la carpeta de destino y haga clic en «Siguiente» para continuar



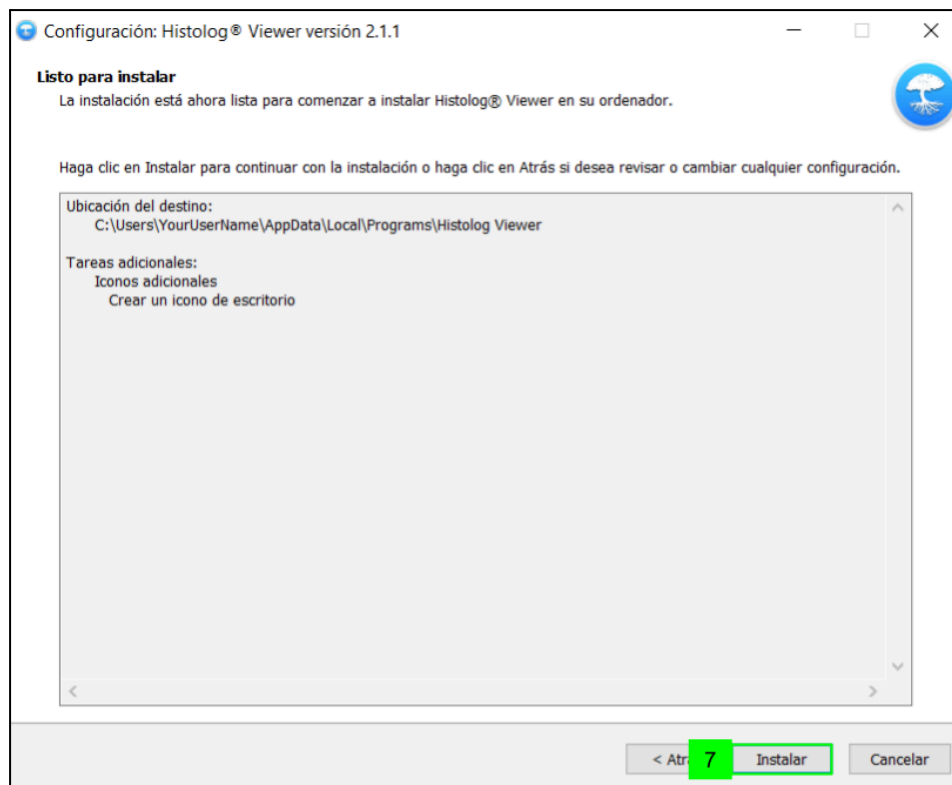
5. Elija si desea crear un acceso directo de escritorio (5A) y haga clic en «Siguiente» (5B) para continuar



6. Elija un área de mercado (6A) para la instalación y haga clic en «Siguiente» (6B)



7. Haga clic en «Install» (Instalar)



8. Termine de instalar el Histolog® Viewer haciendo clic en el botón «Finish» (Finalizar) (8A), marcando la opción «Iniciar Histolog Viewer» (8B) o sin iniciar la aplicación.



NOTAS

- Antes de instalar Histolog® Viewer, asegúrese de que la estación de trabajo y el monitor cumplen los requisitos mínimos del apartado [Requisitos del sistema](#).
- Antes de la instalación, el instalador del Histolog® Viewer verificará que se cumplen los requisitos mínimos del apartado [Requisitos del sistema](#) antes de continuar con la instalación.
- Si durante la instalación ve mensajes de su sistema operativo o en el software de terceros, debe consultar a su administrador de red para obtener ayuda para resolver estos problemas antes de continuar.

6.3. Desinstalación de Histolog® Viewer

Para Microsoft Windows:

Para desinstalar el Histolog® Viewer, siga las instrucciones de desinstalación de aplicaciones de su sistema operativo.

7. Iniciar y salir

7.1. Iniciar el Histolog[®] Viewer

Para Microsoft Windows:

Haga doble clic en el acceso directo del Histolog[®] Viewer

o

Haga clic en el «Logotipo de Windows» de la barra de tareas de Windows y seleccione «Histolog Viewer».

7.2. Elegir una fuente de datos

Después de iniciar el Histolog[®] Viewer, aparece una ventana de diálogo para elegir una fuente de datos.

1. Elija entre las fuentes de datos disponibles seleccionando la fuente de datos «local», añadiendo una fuente de datos existente (2) o creando una nueva fuente de datos (3).

En el primer inicio del Histolog[®] Viewer, solo aparecerá una fuente de datos («local») (1). Esta es la base de datos local que pertenece al Histolog[®] Viewer instalado. Esta fuente de datos no se comparte con otras instalaciones del Histolog[®] Viewer.

Dependiendo de los privilegios de acceso asignados a sus ubicaciones, las fuentes de datos añadidas y creadas pueden utilizarse desde otras instalaciones del Histolog[®] Viewer.

Consulte el [apartado 8](#) «Trabajar con fuentes de datos» para obtener más detalles.



7.3. Inicio de sesión

Aparece la ventana de inicio de sesión del usuario para que el usuario se conecte a la fuente de datos seleccionada.

7.3.1. Creación de un nuevo usuario e inicio de sesión

1. Haga clic en el cuadro de texto
2. Escriba el nombre del nuevo usuario

NOTA Al escribir el nombre, se añadirá como usuario a la lista con la marca «Nuevo»

3. Elija el nuevo usuario de la lista siguiente
4. Haga clic en «Siguiente» para continuar o en «Atrás» para volver a la pantalla de Origen de datos

5. Se muestra el formulario «Crear contraseña para el nuevo usuario»
6. Haga clic en el cuadro de texto «Introducir contraseña»
7. Introduzca la nueva contraseña

NOTA La contraseña puede ser de cualquier longitud y distingue entre mayúsculas y minúsculas

8. Haga clic en el cuadro de texto «Confirmar contraseña»
9. Confirme la contraseña
10. Haga clic en el icono «Ver/ocultar» para ver/comparar contraseñas (opcional)
11. Haga clic en el botón «Crear»

7.3.2. Inicio de sesión con un usuario existente

1. Seleccione el usuario en la lista

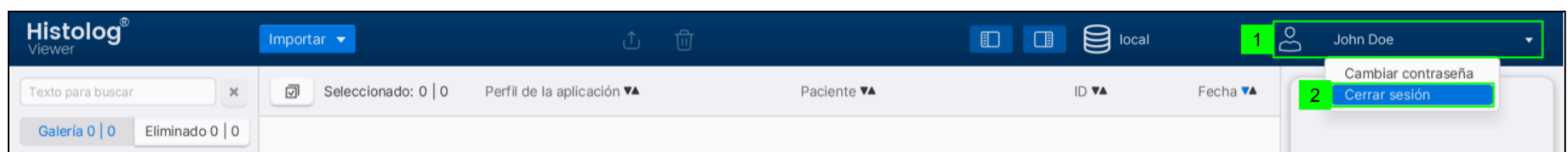
NOTA Al escribir una cadena de caracteres en el cuadro de texto (A), se filtrará el contenido de la lista para mostrar solo los nombres de usuario que contengan esa cadena de caracteres.

2. Haga clic en «Siguiente» o haga doble clic en el nombre del usuario
3. Se abre el formulario «Introducir contraseña»

4. Introduzca la contraseña
5. Haga clic en el icono «Ver/ocultar» para ver la contraseña introducida
6. Haga clic en «Iniciar sesión»

7.3.3. Cierre de sesión

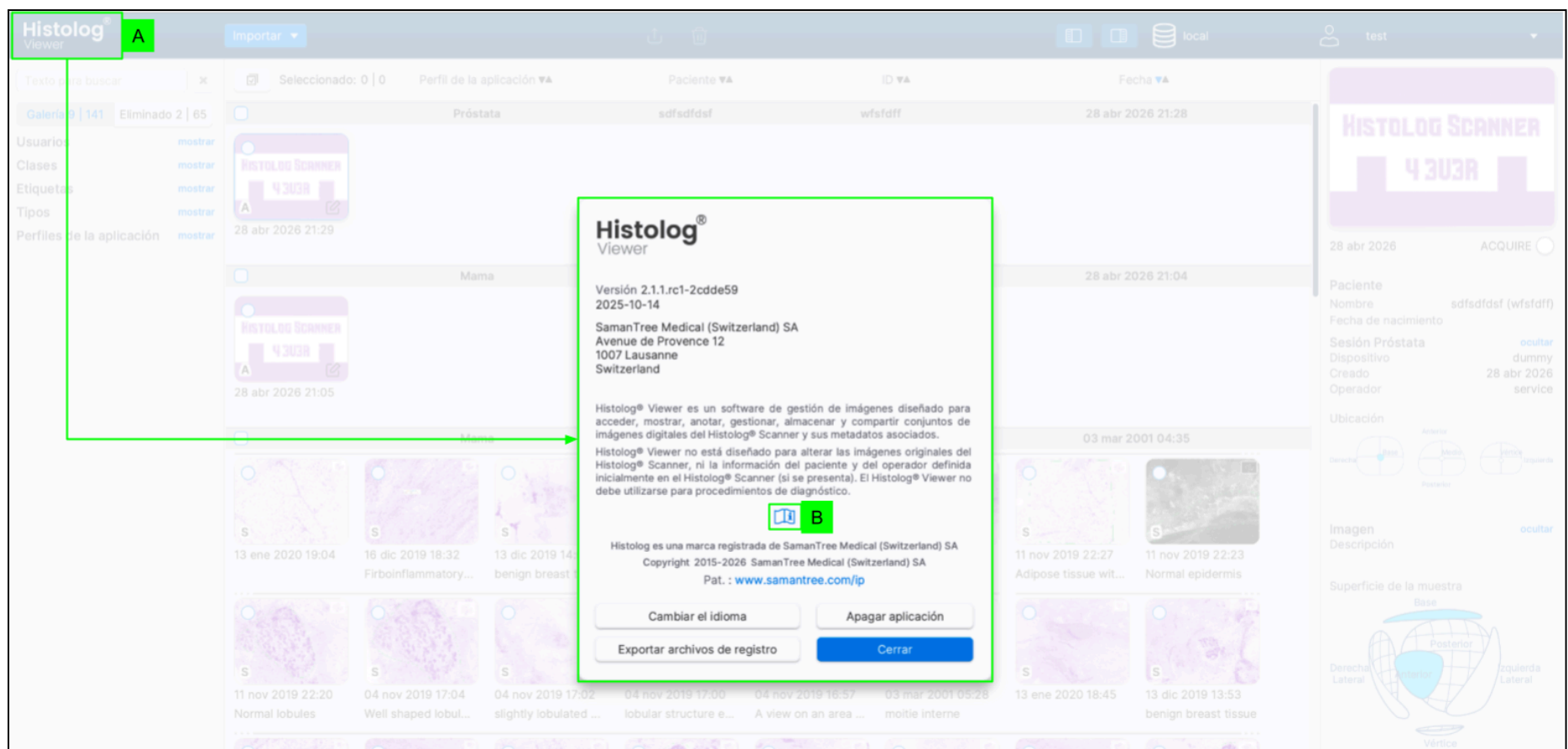
Utilice esta opción del menú de Cuenta de usuario cuando inicie sesión en la aplicación del Histolog[®] Viewer.



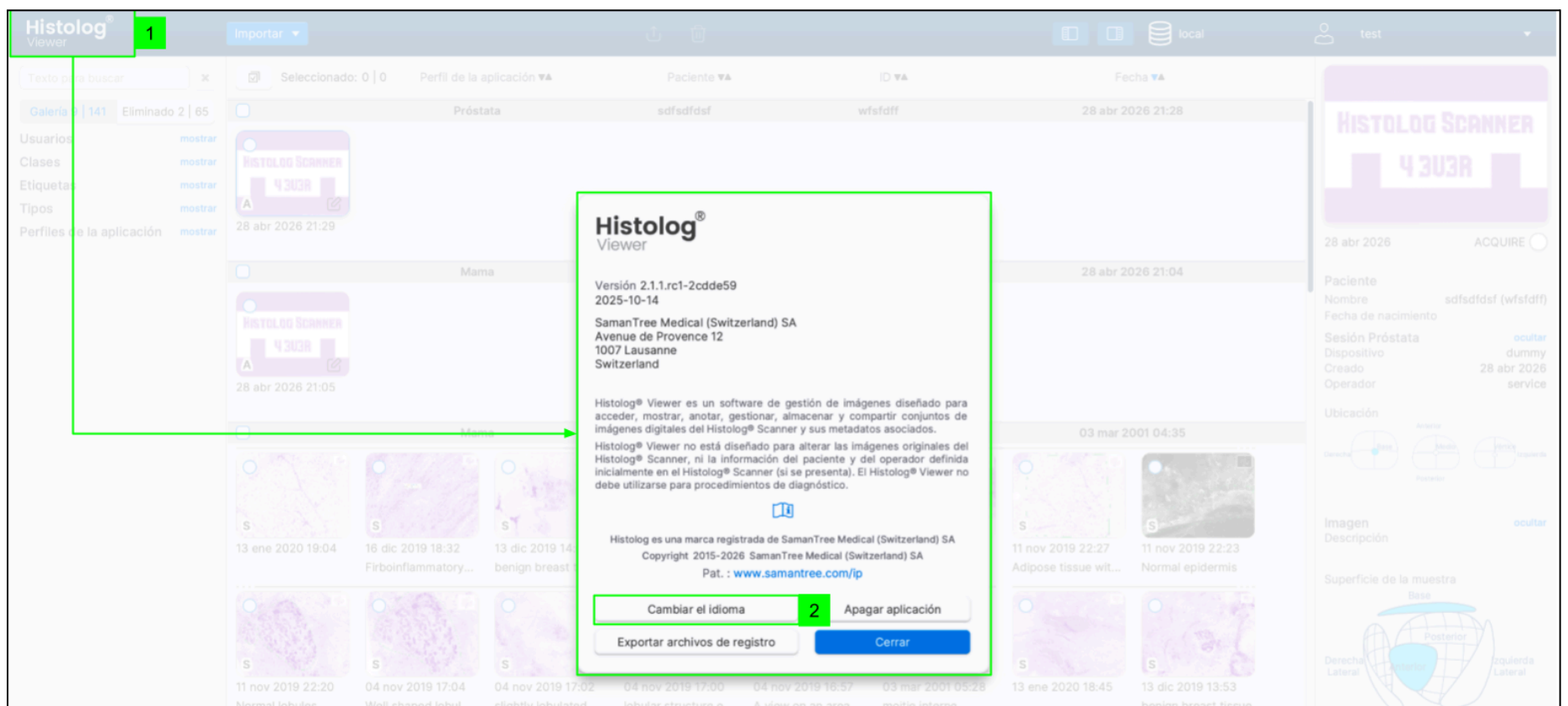
1. Haga clic en el menú «Cuenta de usuario»
2. Elija la opción «Cerrar sesión»
3. Se abre la ventana de inicio de sesión del usuario

7.4. Visualización de la información del producto (en la ventana Acerca de)

La información sobre el Histolog[®] Viewer está disponible durante el procedimiento de inicio cuando se inicia el software o al hacer clic en el logotipo del Histolog[®] Viewer (A). El usuario puede abrir la guía del usuario haciendo clic en el icono correspondiente (B).



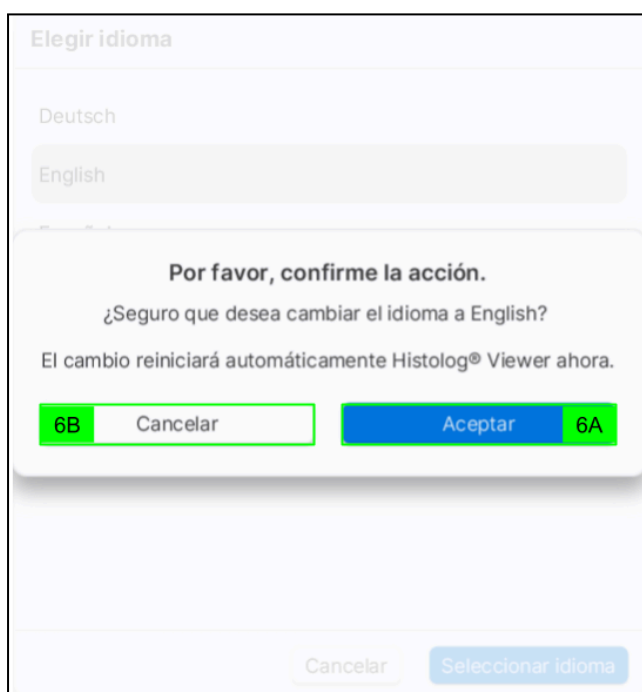
7.5. Cambiar el idioma de la interfaz de usuario



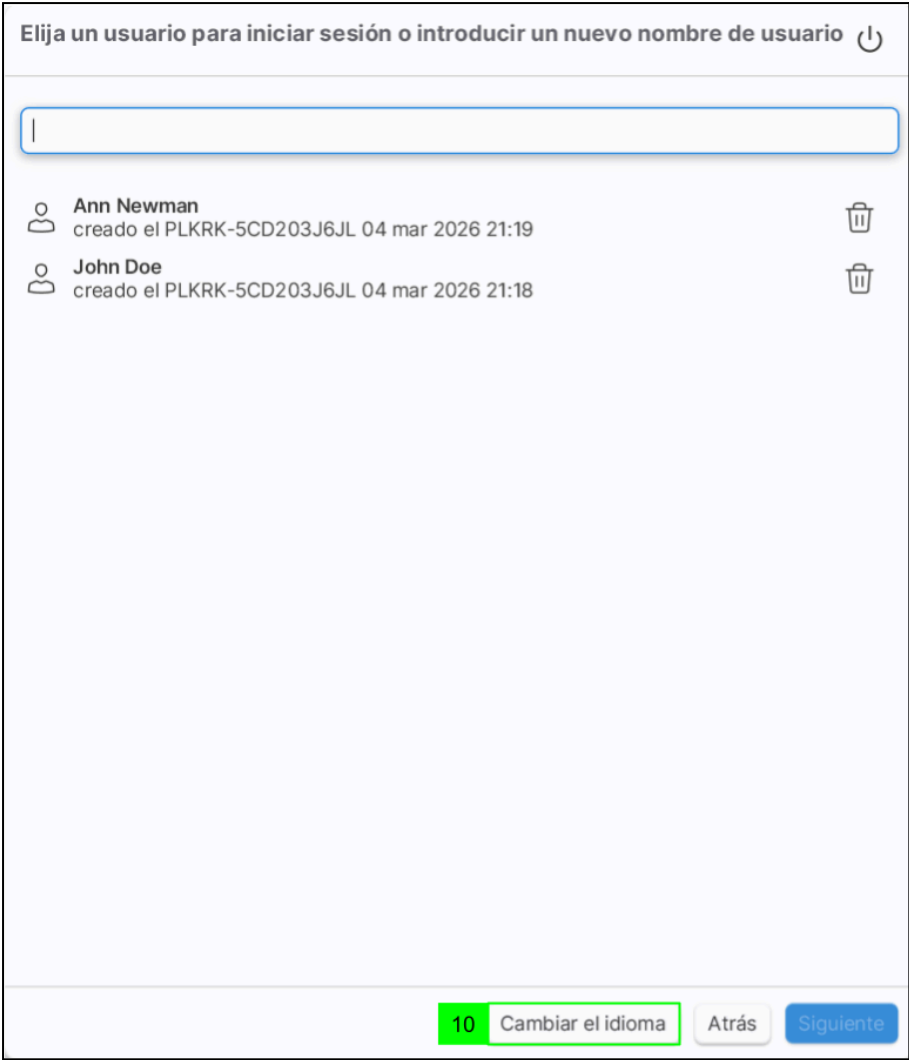
1. Haga clic en el logotipo de «Histolog® Viewer» para abrir la ventana «Acerca de»
2. Haga clic en el botón «Cambiar el idioma»
3. Se muestran las opciones de idioma de la interfaz de usuario disponibles
4. Elija el idioma necesario
5. Seleccione el idioma elegido (5A) o cancele el cambio de idioma (5B)



6. Se abre el cuadro diálogo de confirmación con una advertencia que indica que es necesario reiniciar la aplicación después de cambiar el idioma. Confirme la acción (6A) o vuelva a la lista de idiomas (6B)

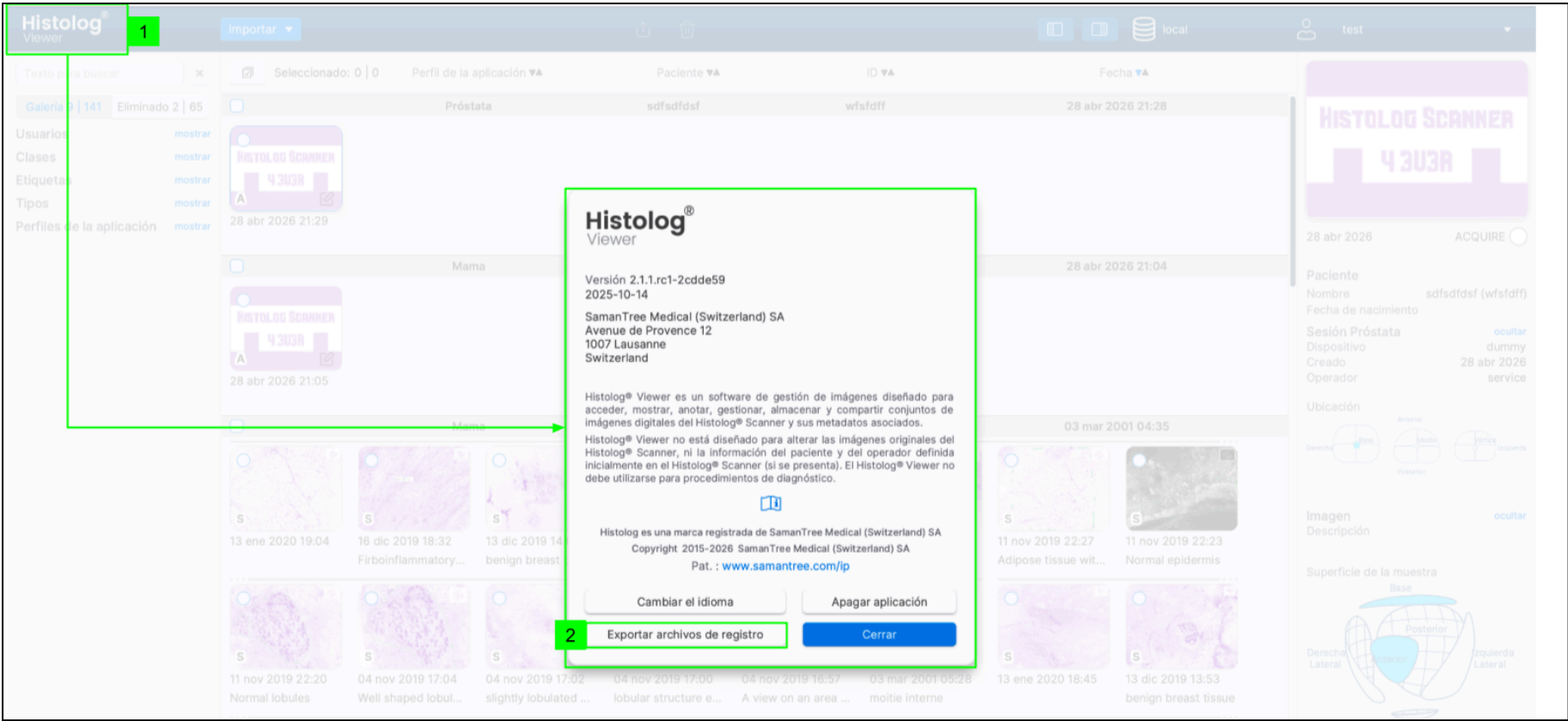


7. Compruebe que la aplicación se reinicia con su interfaz de usuario en el idioma elegido
- O bien,
8. Elija la opción «Cambiar el idioma» de la lista de usuarios en la pantalla de «Inicio de sesión»



9. Siga los pasos 3-6

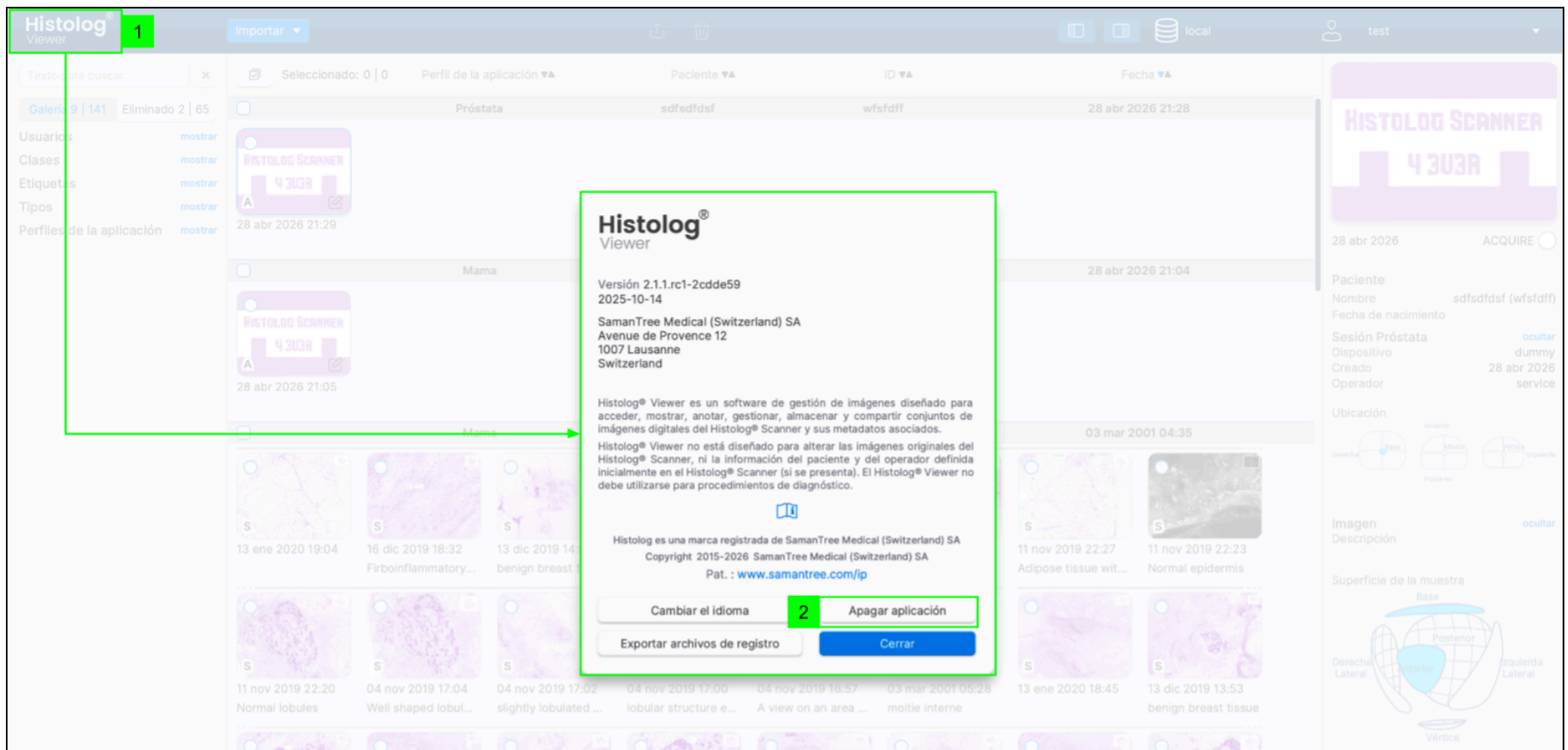
7.6. Exportar archivos de registro



- El usuario puede exportar el registro a una carpeta local o a SamanTree Medical :
1. Haga clic en el logotipo de «Histolog® Viewer» para abrir la ventana Acerca de
 2. Elija la opción «Exportar archivos de registro»
 3. Elija la opción « Exportar al almacenamiento local » o « Exportar a SamanTree Medical »
 4. Seleccione la carpeta para guardar los registros (solo al exportar al almacenamiento local)
 5. Se muestra el proceso de exportación
- NOTA** El usuario puede interrumpir el proceso de exportación anulándolo con la opción correspondiente.

NOTA El usuario puede encontrar los registros exportados en la carpeta seleccionada.

7.7. Salir del Histolog® Viewer



Hay tres opciones para salir de la aplicación del Histolog® Viewer:

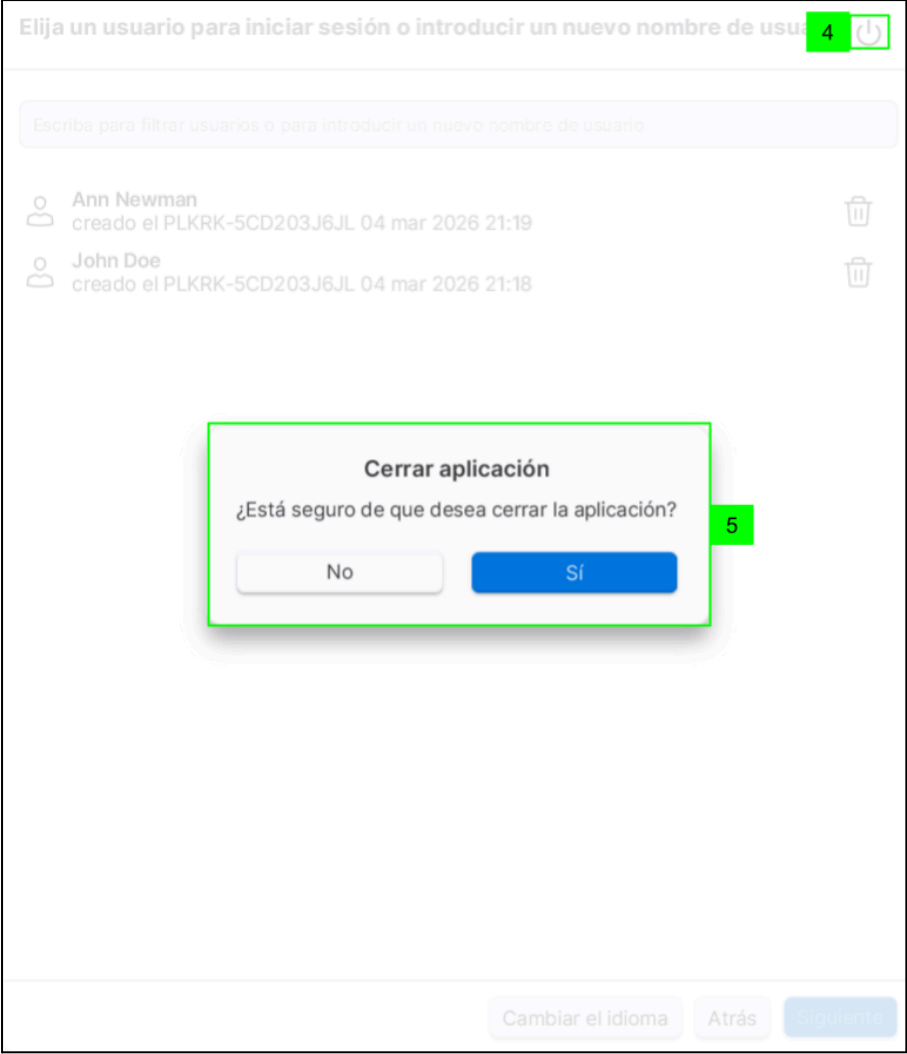
1. Haga clic en el logotipo del Histolog® Viewer para abrir la ventana Acerca de
2. Haga clic en «Apagar aplicación».

O bien,

3. Haga clic en el botón X de la esquina superior derecha (para Microsoft Windows) del Histolog® Viewer para cerrarla.

O bien,

4. Haga clic en el icono de «Encendido» en la pantalla de inicio de sesión
5. Confirme la salida de la aplicación



8. Trabajar con fuentes de datos

La aplicación del Histolog[®] Viewer permite a los usuarios trabajar con diferentes fuentes de datos alternativas. Una fuente de datos presenta una recopilación de imágenes Histolog[®] con sus metadatos. En el apartado 6.3 se describe la elección inicial de la fuente de datos local. En este apartado se indicará a los usuarios cómo trabajar con varias fuentes de datos desde una única instalación de Histolog[®] Viewer.

8.1. Crear una nueva fuente de datos

Un usuario de Histolog[®] Viewer puede crear una nueva fuente de datos. Dicha nueva fuente de datos no depende de una instalación particular del Histolog[®] Viewer. Puede utilizarse desde el Histolog[®] Viewer donde se creó, o bien desde otros Histolog[®] Viewers.

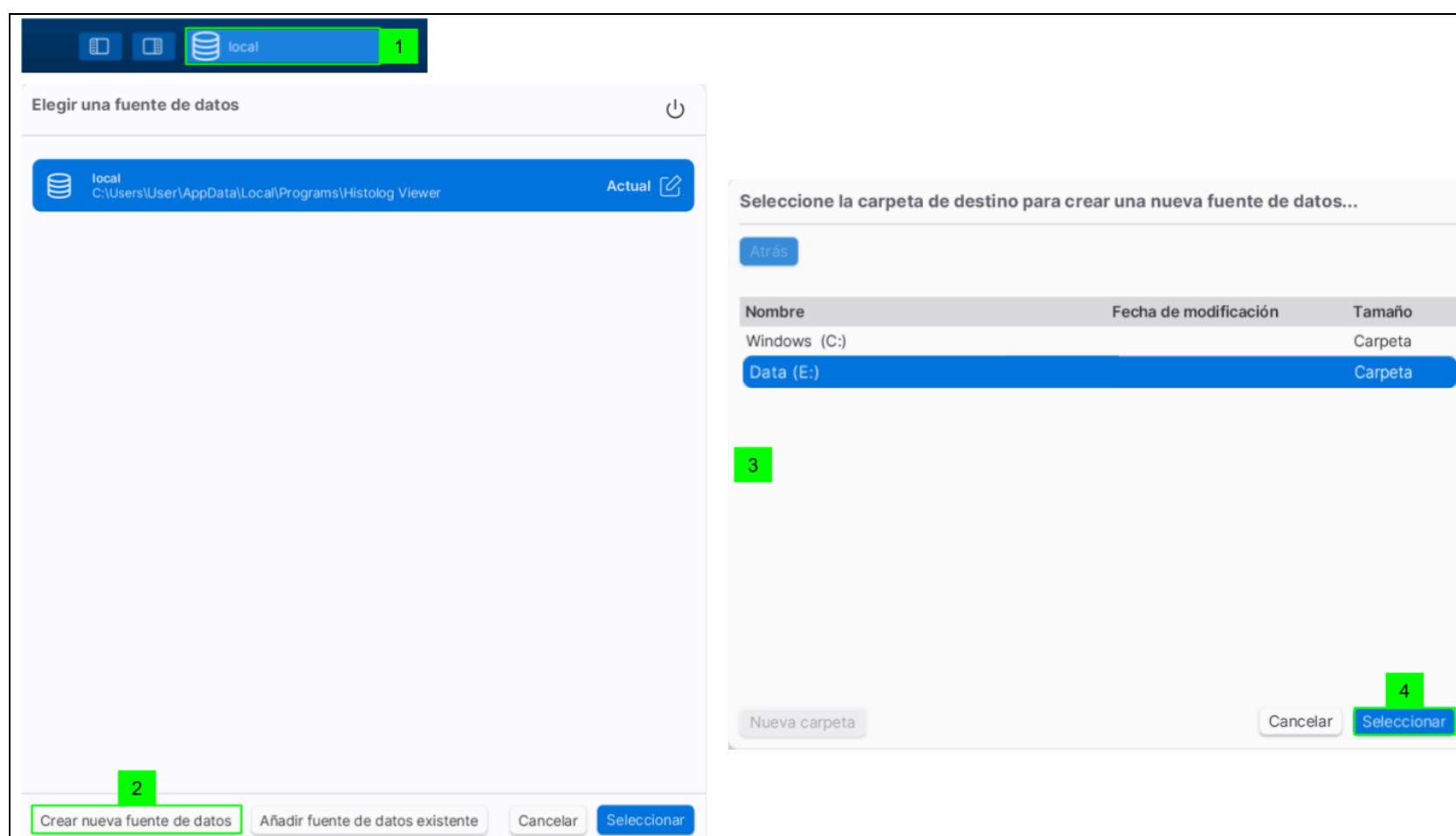
NOTA Solo un Histolog[®] Viewer puede utilizarse en una fuente de datos determinada a la vez. Si más de un Histolog[®] Viewer intenta conectarse a la misma fuente de datos, el primero de ellos ocupará la conexión y el otro recibirá un mensaje de advertencia que informará a sus usuarios que la fuente de datos está ocupada en ese momento.

Para crear una nueva fuente de datos:

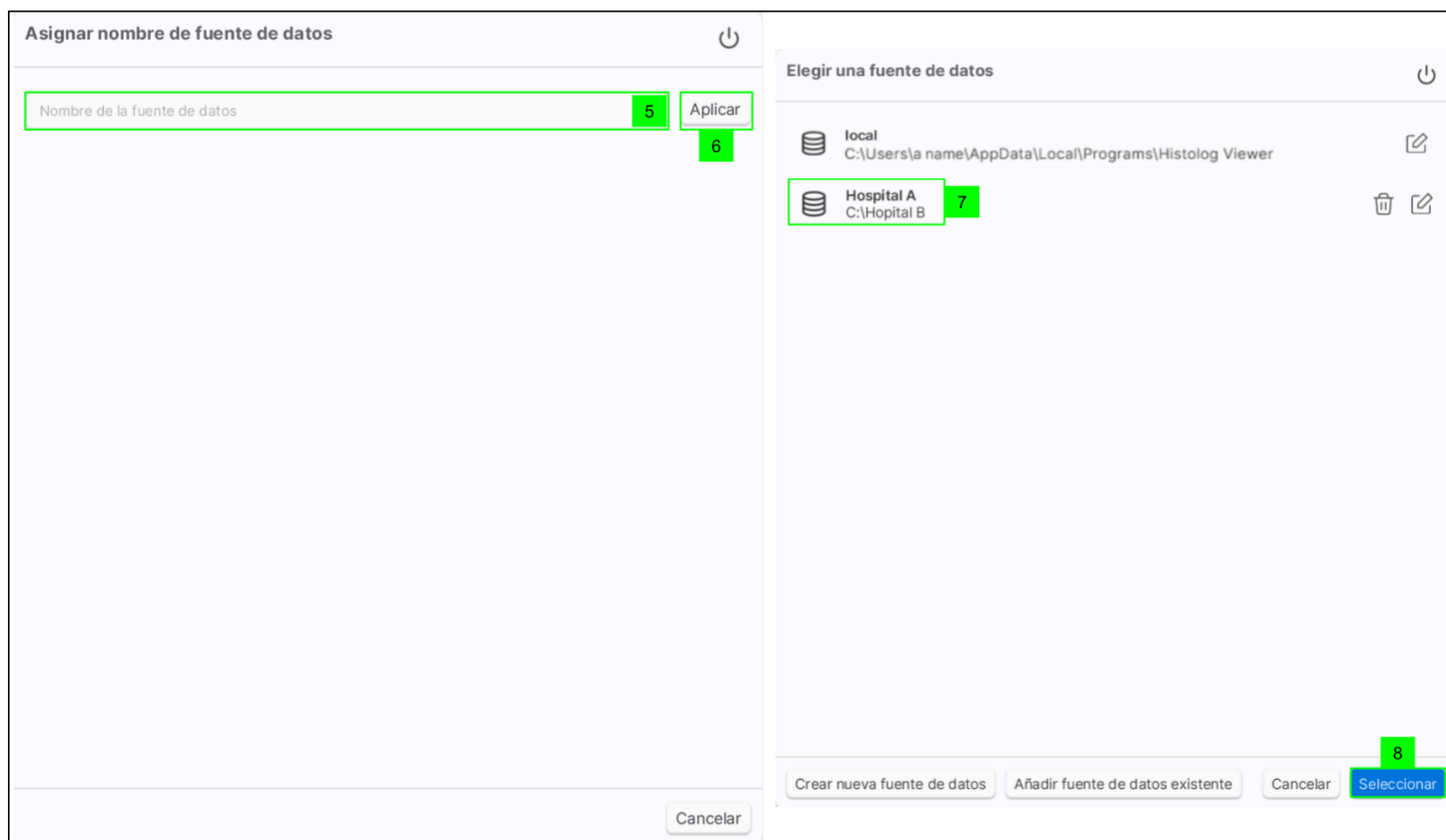
1. Haga clic en el botón que indica la fuente de datos conectada actualmente. La aplicación mostrará un cuadro de diálogo para elegir una fuente de datos a la que se conectará el Histolog[®] Viewer.
2. Haga clic en el botón «Crear nueva fuente de datos». La aplicación mostrará una ventana de diálogo para seleccionar una carpeta en la que se debe crear la nueva fuente de datos.
3. Utilice la ventana de diálogo de selección de carpetas para seleccionar una carpeta en el sistema de archivos donde se debe crear la nueva fuente de datos. La carpeta puede seleccionarse o crearse en una unidad local o en otra unidad conectada al ordenador en el que está instalado el Histolog[®] Viewer (p. ej., en una unidad de red compartida o en una unidad USB).

NOTA Trabajar con fuentes de datos ubicadas en unidades de red compartidas solo es compatible con ordenadores que ejecuten Microsoft Windows.

4. Haga clic en el botón «Seleccionar». Una vez seleccionada la carpeta, la aplicación mostrará un cuadro de diálogo para dar un nombre a la nueva fuente de datos.



5. Escriba el nombre de la fuente de datos que desee en el campo de texto correspondiente. Este nombre se utilizará para referirse a la nueva fuente de datos solo en la instalación actual del Histolog® Viewer. Otros Histolog® Viewers podrán definir sus propios nombres para la misma fuente de datos.
6. Haga clic en el botón «Aplicar». El Histolog® Viewer creará la nueva fuente de datos. Una vez creada la fuente de datos, aparecerá en la lista de fuentes de datos disponibles.
7. Seleccione la fuente de datos recién creada.
8. Haga clic en el botón «Seleccionar» para conectarse a la fuente de datos recién creada.



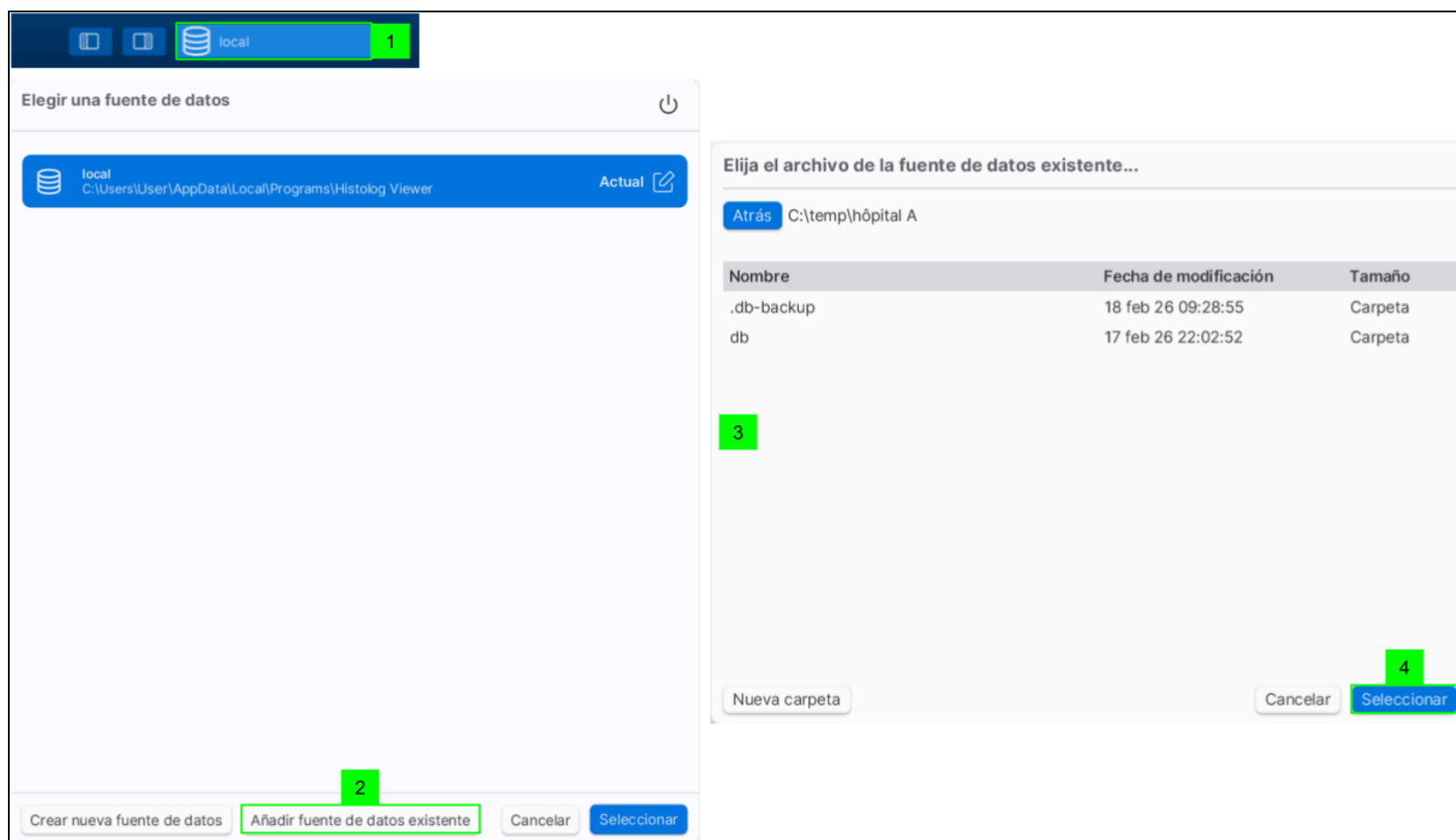
8.2. Añadir una fuente de datos existente

Un usuario de un Histolog® Viewer puede añadir una fuente de datos existente a la lista de fuentes de datos que están disponibles para su uso en el Histolog® Viewer. Para añadirla, un Histolog® Viewer debe haber creado previamente una fuente de datos existente.

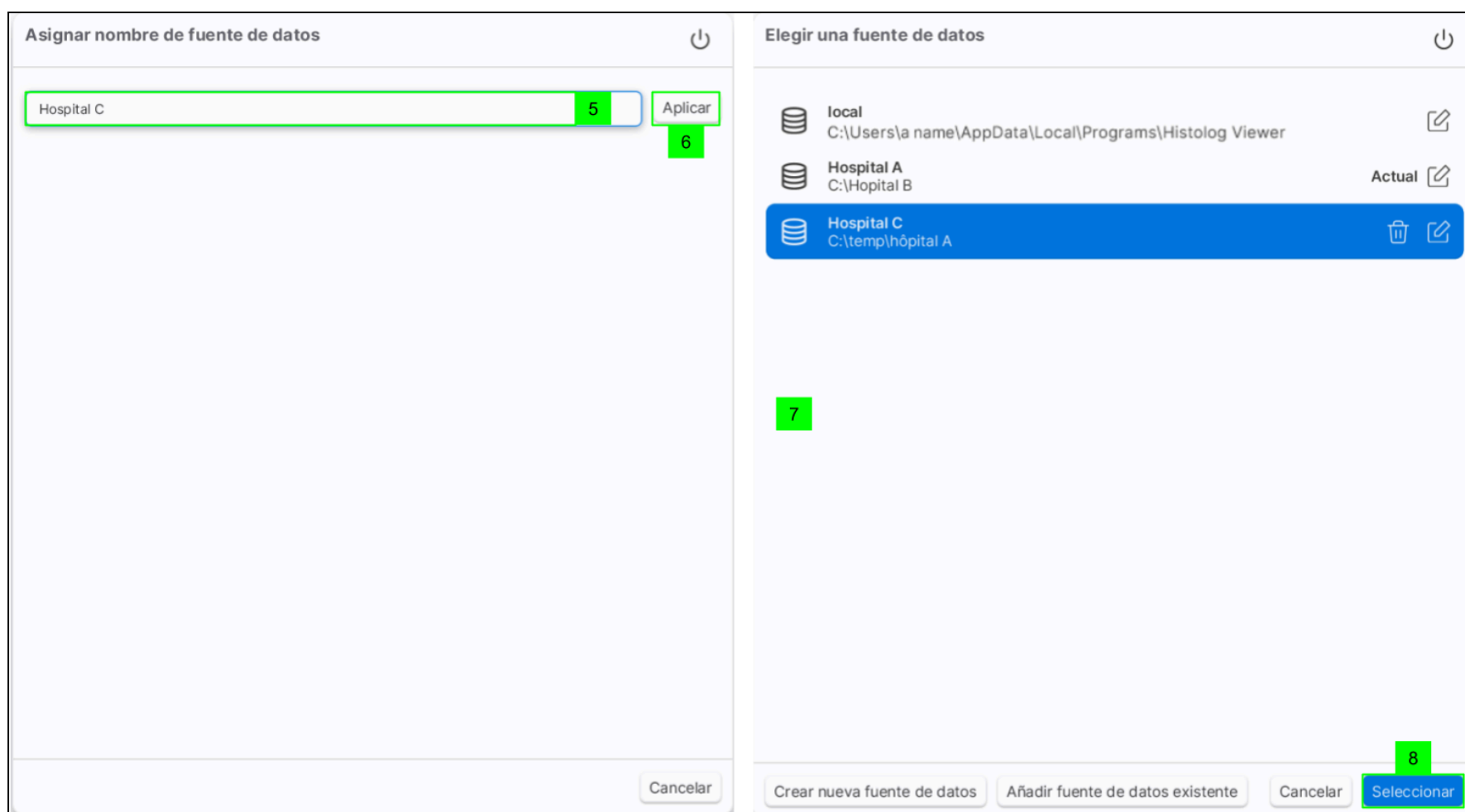
Para añadir una fuente de datos existente:

1. Haga clic en el botón que indica la fuente de datos conectada actualmente. La aplicación mostrará un cuadro de diálogo para elegir una fuente de datos a la que se conectará el Histolog® Viewer.
2. Haga clic en el botón «Añadir fuente de datos existente». La aplicación mostrará una ventana de diálogo para seleccionar una carpeta en la que se encuentre la fuente de datos existente que debe añadirse.
3. Utilice la ventana de diálogo de selección de carpetas para seleccionar una carpeta en el sistema de archivos donde se encuentra la carpeta 'db' de la fuente de datos existente. La carpeta puede seleccionarse en una unidad local o en otra unidad conectada al ordenador en el que está instalado el Histolog® Viewer (p. ej., en una unidad de red compartida o en una unidad USB).

NOTA Trabajar con fuentes de datos ubicadas en unidades de red compartidas solo es compatible con ordenadores que ejecuten Microsoft Windows.



4. Haga clic en el botón «Seleccionar». Una vez seleccionada la carpeta, la aplicación mostrará un cuadro de diálogo para dar un nombre a la fuente de datos que se está añadiendo.
5. Escriba el nombre de la fuente de datos que desee en el campo de texto correspondiente. Este nombre se utilizará para referirse a la fuente de datos recién añadida solo en la instalación actual del Histolog® Viewer. Otros Histolog® Viewers podrán definir sus propios nombres para la misma fuente de datos.
6. Haga clic en el botón «Aplicar». El Histolog® Viewer añadirá la fuente de datos. Una vez añadida la fuente de datos, aparecerá en la lista de fuentes de datos disponibles.
7. Seleccione la fuente de datos recién añadida.
8. Haga clic en el botón «Seleccionar» para conectarse a la fuente de datos recién añadida.



NOTA Si una fuente de datos que se añadió a un Histolog® Viewer ya no está disponible (por ejemplo, está ubicada en un dispositivo de almacenamiento USB que ya no está conectado al ordenador), la entrada correspondiente en la lista de fuentes de datos disponibles se muestra en color gris, lo que indica que

actualmente es imposible conectarse a la fuente de datos. La entrada se muestra en color negro, con la posibilidad de conectarse, tan pronto como la fuente de datos vuelva a estar disponible.

8.3. Editar el nombre de una fuente de datos existente

Un usuario puede cambiar los nombres de las fuentes de datos a las que se puede conectar desde el Histolog[®] Viewer. Para editar el nombre de una fuente de datos, haga clic en el  botón situado junto a la fuente de datos. Este nombre se utilizará para referirse a la fuente de datos solo en la instalación actual del Histolog[®] Viewer. Otros Histolog[®] Viewers podrán definir sus propios nombres para la misma fuente de datos.

8.4. Eliminar una fuente de datos existente

Un usuario puede eliminar una fuente de datos de la lista de fuentes de datos a las que se puede conectar desde el Histolog[®] Viewer. Para eliminar una fuente de datos, haga clic en el botón  situado junto a la fuente de datos.

NOTAS

- La fuente de datos conectada actualmente y la fuente de datos local no se pueden eliminar de la lista.
- Eliminar una fuente de datos existente solo la suprime localmente de la lista de fuentes de datos disponibles para la conexión desde la instalación actual de Histolog[®] Viewer. Esto no tiene ningún impacto en los datos dentro de la fuente de datos.

9. Gestionar cuentas de usuario

Histolog[®] Viewer implementa un sistema de gestión de cuentas de usuario para asociar las acciones realizadas en las imágenes (p. ej., importación o anotación) a un usuario. Por lo tanto, es necesario iniciar sesión con una cuenta de usuario (consulte el apartado [Inicio de sesión](#)) para utilizar el Histolog[®] Viewer.

NOTA El sistema de gestión de cuentas de usuario no controla el contenido que se pone a disposición de los usuarios. Todos los usuarios de un Histolog[®] Viewer dado tienen acceso a todos los datos contenidos en él.

9.1. Crear una nueva cuenta de usuario

Se pueden crear nuevas cuentas de usuario desde la pantalla de Inicio de sesión.

9.1.1. Crear una nueva cuenta de usuario al iniciar sesión

El formulario de inicio de sesión tiene el título "Elija un usuario para iniciar sesión o introducir un nuevo nombre de usuario".

- 1. El cuadro de texto para el nombre de usuario está resaltado en verde.
- 2. El texto "John Doe" dentro del cuadro de texto está resaltado en verde.
- 3. El botón "nuevo" a la derecha del cuadro de texto está resaltado en verde.
- 4. El botón "Siguiente" en la barra de navegación inferior está resaltado en verde.

1. Haga clic en el cuadro de texto
2. Escriba el nombre del nuevo usuario

NOTA Al escribir el nombre, se añadirá como usuario a la lista con la marca «Nuevo»

NOTA Al escribir una cadena de caracteres en el cuadro de texto (A), se filtrará el contenido de la lista para mostrar solo los nombres de usuario que contengan esa cadena de caracteres.

3. Seleccione el nombre de usuario de entrada de la lista
4. Haga clic en «Siguiente»

5. Se muestra el formulario «Crear contraseña para el nuevo usuario»
6. Haga clic en el cuadro de texto «Introducir contraseña»
7. Introduzca la nueva contraseña
8. Haga clic en el cuadro de texto «Confirmar contraseña»
9. Confirme la contraseña
10. Haga clic en el icono «Ver/ocultar» para ver/comparar contraseñas (opcional)
11. Haga clic en el botón «Crear»

9.1.2. Gestionar la contraseña de usuario

Esta opción está disponible después de que el usuario haya iniciado sesión en la aplicación del Histolog[®] Viewer.

1. Haga clic en el menú «Cuenta de usuario»
2. Elija la opción «Cambiar contraseña»

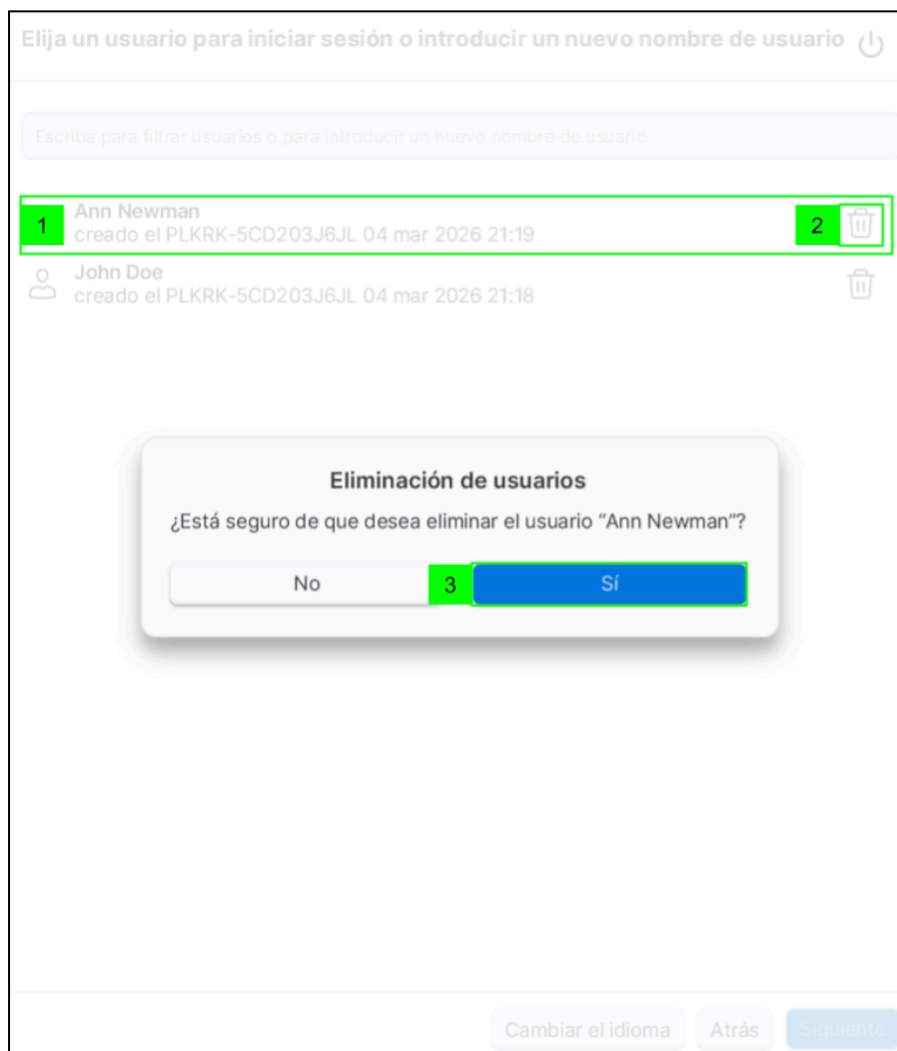
3. Se abre la ventana «Actualizar contraseña»
4. Introduzca la contraseña actual

NOTA Las reglas de contraseña son las mismas que en [p.7.4.1](#)

5. Introduzca la nueva contraseña
6. Confirme la nueva contraseña
7. Haga clic en el icono «Ver/ocultar» para ver/comparar contraseñas (opcional)
8. Haga clic en el botón «Aplicar»
9. Continúe la sesión con la contraseña cambiada

9.2. Eliminar una cuenta de usuario

Las cuentas de usuario pueden eliminarse si sus usuarios correspondientes ya no van a utilizar el Histolog[®] Viewer.

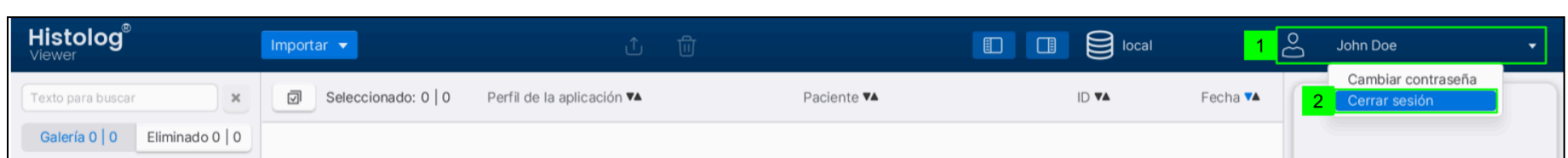


1. Elija un usuario en el formulario de inicio de sesión
2. Haga clic en el icono de la papelera junto al nombre de usuario
3. Confirme la eliminación de la cuenta de usuario en la ventana de diálogo
4. Se muestra la lista de usuarios sin la cuenta de usuario eliminada

NOTAS

- Las cuentas de usuario se enumeran en orden alfabético, sin distinción entre mayúsculas y minúsculas.
- Los datos asociados a una cuenta de usuario eliminada (p. ej., anotaciones realizadas desde esta cuenta) permanecerán disponibles después de que se haya eliminado la cuenta.

9.3. Cambiar la cuenta de usuario



1. Haga clic en el menú «Cuenta de usuario»
2. Elija la opción «Cerrar sesión»

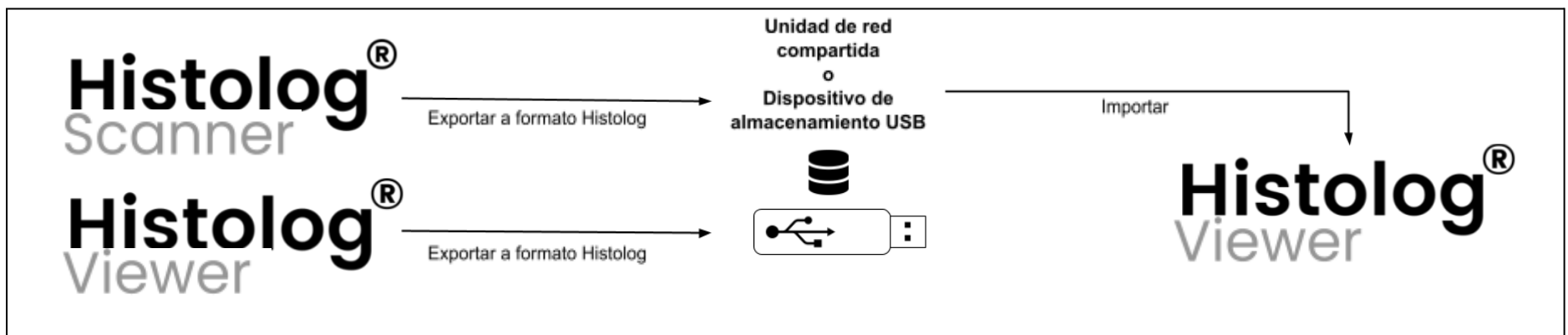
3. Se abre la ventana de inicio de sesión del usuario
4. Siga la secuencia en [p.7.4.1 o p.7.4.2](#)

NOTA Las cuentas de usuario se enumeran en orden alfabético, sin distinción entre mayúsculas y minúsculas.

10. Importar imágenes

NOTAS

- El Histolog[®] Viewer solo importa imágenes exportadas en formato «Histolog» de un Histolog[®] Scanner o de un Histolog[®] Viewer.

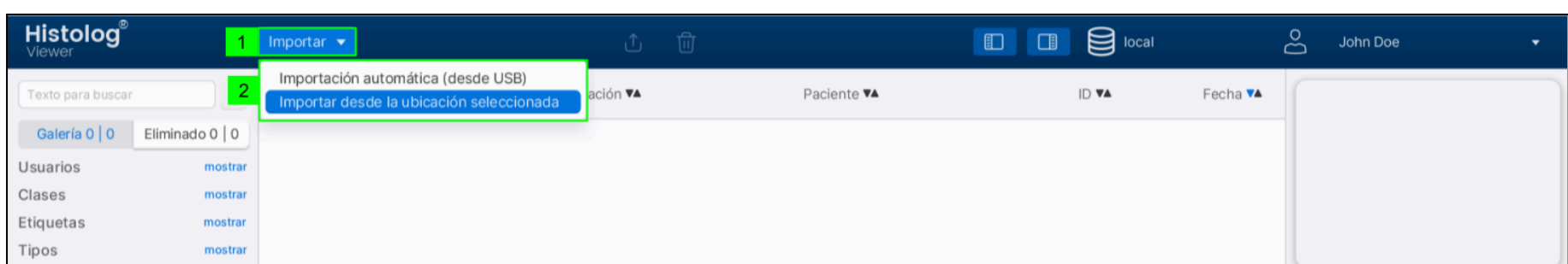


- El tiempo que se tarda en exportar/importar imágenes del Histolog[®] Scanner depende de factores externos como el ancho de banda de la red o el medio de almacenamiento USB utilizado.

⚠ PRECAUCIÓN Asegúrese de que la duración del flujo de trabajo de revisión remota de imágenes (incluida la exportación/importación) sea aceptable antes de utilizar el Histolog[®] Viewer por primera vez. Esto es especialmente importante cuando se utiliza el Histolog[®] Viewer como medio principal para ver/revisar las imágenes del Histolog[®] Scanner durante un procedimiento del paciente (p. ej., intraoperatoriamente).

10.1. Seleccionar la ubicación de los datos a importar

- Importe las imágenes haciendo clic en el botón «Importar»
- El Histolog[®] Viewer ofrece dos modos de importación diferentes, que se describen en las secciones siguientes:
 - Importación automática (desde USB)
 - Importar desde la ubicación seleccionada



10.1.1. Importación automática (desde USB)

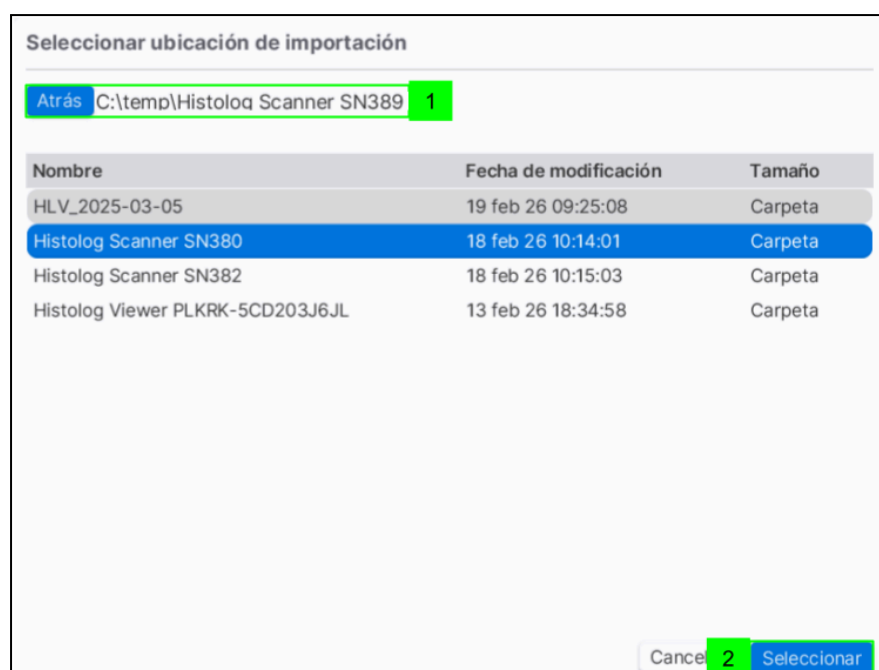
Utilice este modo para importar imágenes que se hayan exportado de un dispositivo Histolog[®] Scanner a un dispositivo de almacenamiento USB.

El Histolog[®] Viewer buscará automáticamente en todos los dispositivos USB conectados el contenido que pueda importarse.

A continuación, vaya al apartado siguiente [Seleccionar datos para importar](#) para seleccionar el contenido que desea importar.

10.1.2. Importar desde la ubicación seleccionada

Utilice este modo en todos los demás casos (p. ej., para importar imágenes exportadas desde una aplicación del Histolog[®] Viewer o para importar imágenes almacenadas en un dispositivo de almacenamiento no USB). En este modo, el Histolog[®] Viewer abrirá una ventana de diálogo del seleccionador de archivos para explorar la estructura de las unidades y carpetas disponibles de su ordenador.



1. En la ventana de diálogo del selector, seleccione la ubicación que contiene los datos exportados haciendo clic una vez en la carpeta de exportación de archivos
2. A continuación, haga clic en el botón «Seleccionar»

NOTA La ubicación que contiene los datos exportados depende del origen de los datos:

- Los datos exportados de un Histolog[®] Scanner con la aplicación de software versión 3.x se encuentran en una carpeta con el nombre siguiente:

Histolog Scanner SNxxxxxxx

donde xxxxxxx son números del 0 al 9, y SNxxxxxxx es el número de serie del Histolog[®] Scanner desde el que se exportaron los datos.

Seleccione la carpeta Histolog Scanner SNxxxxxxx o su ubicación principal.

NOTA Si la estructura de archivos se ha modificado manualmente (p. ej., si se ha cambiado el nombre de los archivos o carpetas o si se han eliminado), no será posible importar los datos.

- Los datos exportados desde una aplicación del Histolog[®] Viewer versión 2.x pueden estar en cualquier ubicación. Seleccione la carpeta de exportación de archivos con el nombre siguiente:

Export Histolog Viewer nombre de host DD-MM-AAAA_HH-MM-SS

donde hostname es el nombre del ordenador desde el que se exportaron los datos, y AAAA-MM-DD_HH-MM-SS es la fecha y hora en que se exportaron los datos.

También puede seleccionar la ubicación principal que contiene una o más carpeta(s) de archivos de exportación.

Después de seleccionar la carpeta de archivos de exportación, el Histolog[®] Viewer buscará automáticamente en esa carpeta el contenido que se pueda importar.

A continuación, vaya al apartado siguiente [Seleccionar datos para importar](#) para seleccionar el contenido que desea importar.

10.2. Seleccionar datos para importar

1. Seleccione el contenido que desea importar haciendo clic en la casilla (o casillas) correspondientes

El mecanismo de selección obedece las reglas jerárquicas. Por ejemplo, al seleccionar un «Dispositivo» se seleccionan automáticamente las «Sesiones», «Imágenes» y «Versiones» dependientes.

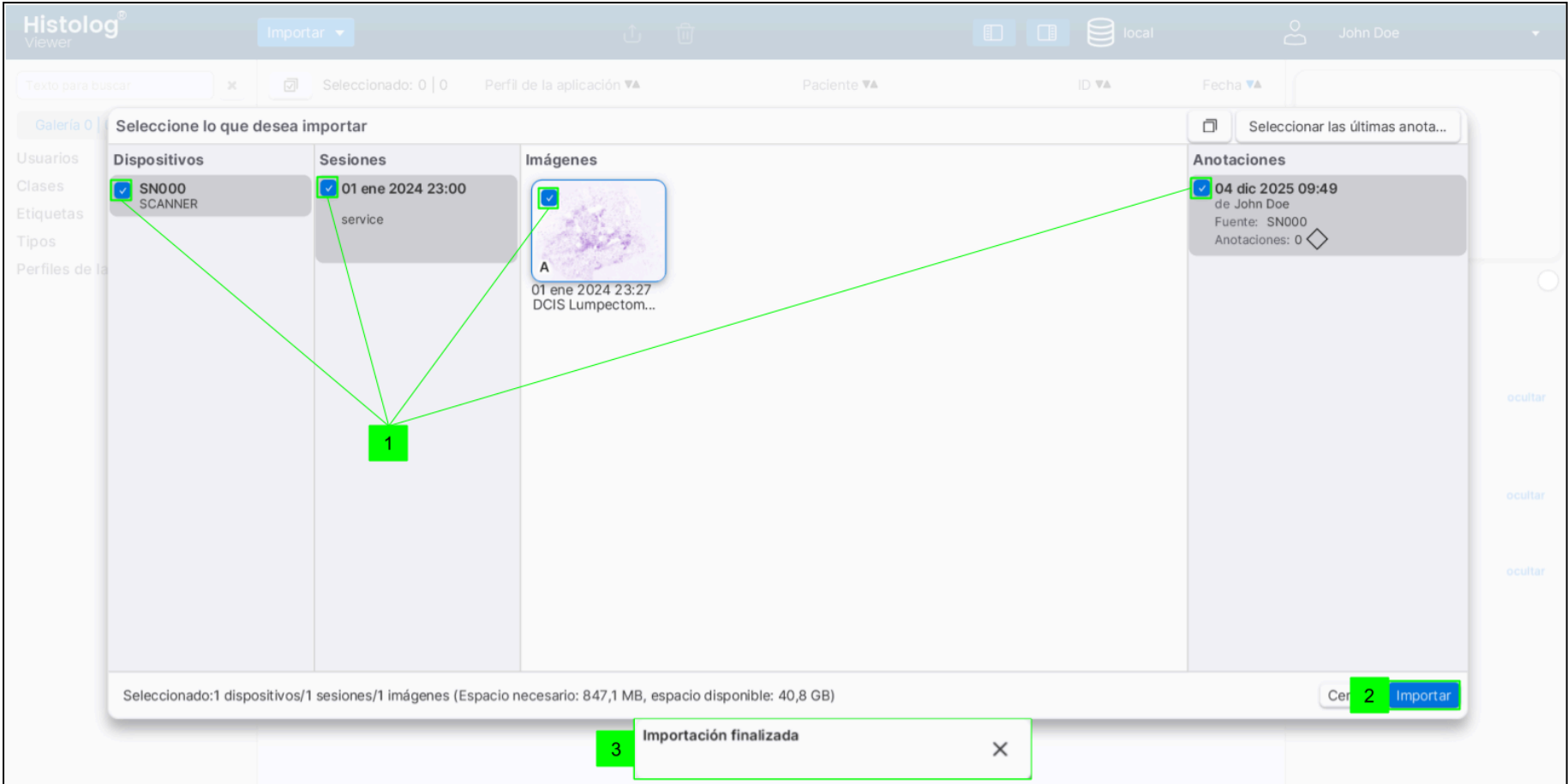
El contenido que ya se ha importado en el Histolog[®] Viewer se identifica mediante una marca de verificación verde, en lugar de una casilla de verificación vacía, y no se puede seleccionar para la importación.

2. Haga clic en «Importar»

La importación puede tardar varios minutos.

NOTA Antes de la importación, el Histolog® Viewer verificará automáticamente que el espacio disponible en el disco es suficiente. Si es así, el Histolog® Viewer continuará con la importación. De lo contrario, el Histolog® Viewer no continuará con la importación y, en su lugar, indicará cuánto espacio libre se necesita para importar los datos.

3. Una vez finalizado el procedimiento de importación, el Histolog® Viewer muestra momentáneamente el mensaje «Import finished» (Importación finalizada) en la parte inferior de la pantalla.



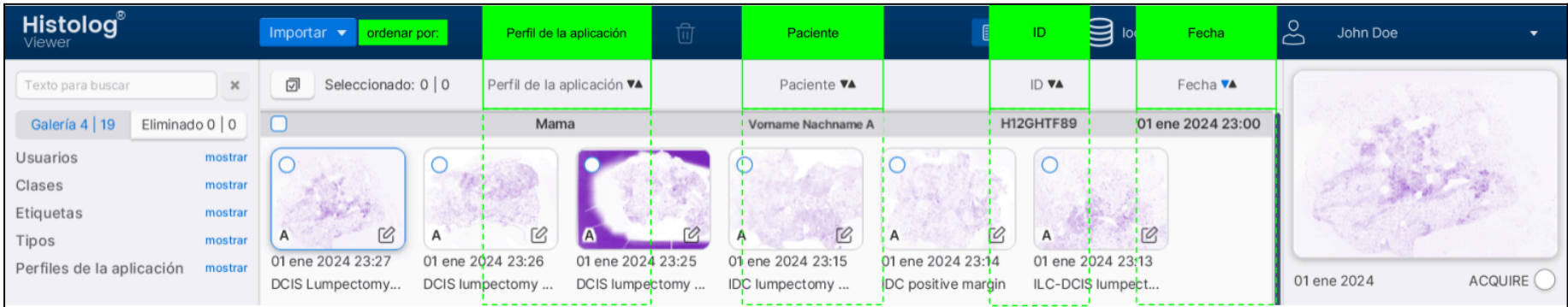
NOTA El Histolog® Viewer muestra el contenido importable de acuerdo con la siguiente estructura jerárquica:

☐ SN860 SCANNER	Los «Dispositivos» se refieren al dispositivo Histolog® Scanner en el que se crearon los datos de imagen Histolog® originales. Un <i>dispositivo</i> Histolog® Scanner se identifica por su número de serie, en negrita y con el texto «ESCÁNER».
☒ 01 ene 2024 23:00 service	Las Sesiones se refieren a una sesión de obtención de imágenes. Una sesión de obtención de imágenes corresponde a un solo caso clínico y puede asociarse a un paciente y un operador. Las sesiones se identifican por su fecha y hora, en negrita, el nombre del paciente y su nombre de operador.
☒  A 01 ene 2024 23:27 DCIS Lumpectom...	Las Imágenes pueden ser de tipo <i>Adquisición</i>, <i>Vista previa</i> o <i>Instantánea</i>. Las imágenes se identifican por una miniatura, su fecha y hora y su tipo: A: <i>Adquisición</i> P: <i>Vista previa</i> S: <i>Instantánea</i>
☒ 04 dic 2025 09:49 de John Doe Fuente: SN000 Anotaciones: 0	Las Versions (Versiones) distinguen diferentes datos (p. ej., datos exportados en un momento diferente o anotaciones realizadas por diferentes usuarios) asociados a la misma imagen. Las versiones se identifican por su fecha y hora, en negrita, su nombre de usuario, su origen, su número de anotaciones y sus etiquetas.

11. Gestionar imágenes

11.1. Organizar el contenido de la galería: clasificación/filtro

11.1.1. Ordenar imágenes



En la pantalla de la galería, haga clic en «Perfil de la aplicación», «Paciente», «ID» o «Fecha» para ordenar las imágenes según corresponda. Haga clic por segunda vez para invertir el orden de clasificación.

11.1.2. Filtrar imágenes

Las imágenes de la pantalla de la galería pueden filtrarse por palabra clave o por categorías.

Filtrar por palabra clave

1. Introduzca una palabra clave en el cuadro de texto (p. ej., Nombre del paciente o Nombre del operador)
2. Solo se mostrarán imágenes con datos asociados que contengan la palabra clave.

NOTAS

- Haga clic en el botón «x» junto al cuadro de búsqueda de texto para quitar el filtro.
- La búsqueda no distingue entre mayúsculas y minúsculas.

Filtrar por categorías

Etiquetas

Tipos

☐ Adquisición

☐ Vista previa

☐ Instantánea

Perfiles de la aplicación

mostrar

1

ocultar

4 | 19

0 | 0

0 | 0

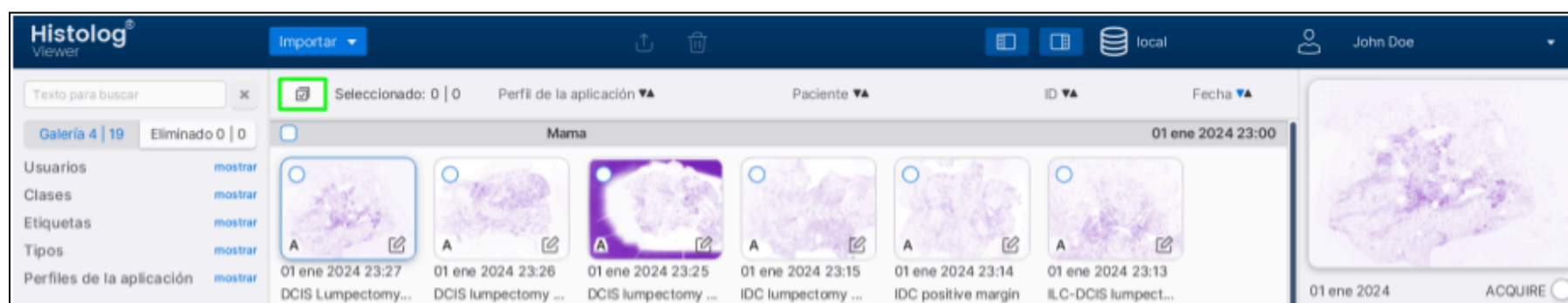
mostrar

1. Haga clic en la palabra «show» (mostrar) junto a la categoría de filtro para mostrar las subcategorías
2. Seleccione las subcategorías por las que desea filtrar

NOTA Anule la selección de la subcategoría para eliminar el filtro.

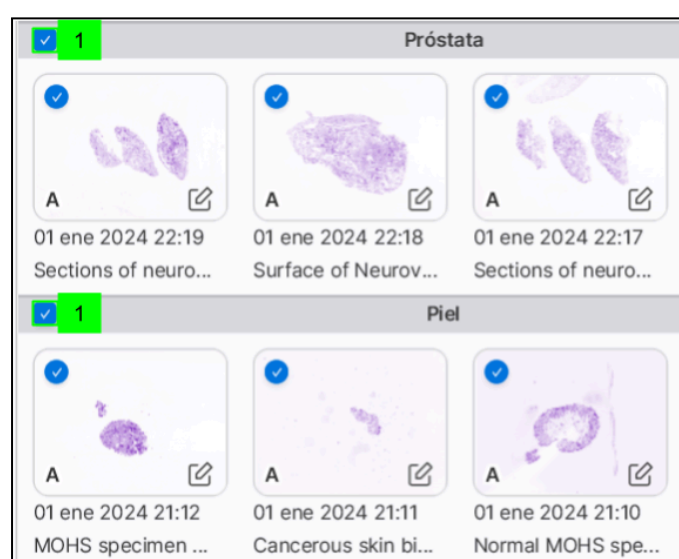
11.2. Seleccionar imágenes

11.2.1. Seleccionar/deseleccionar todo



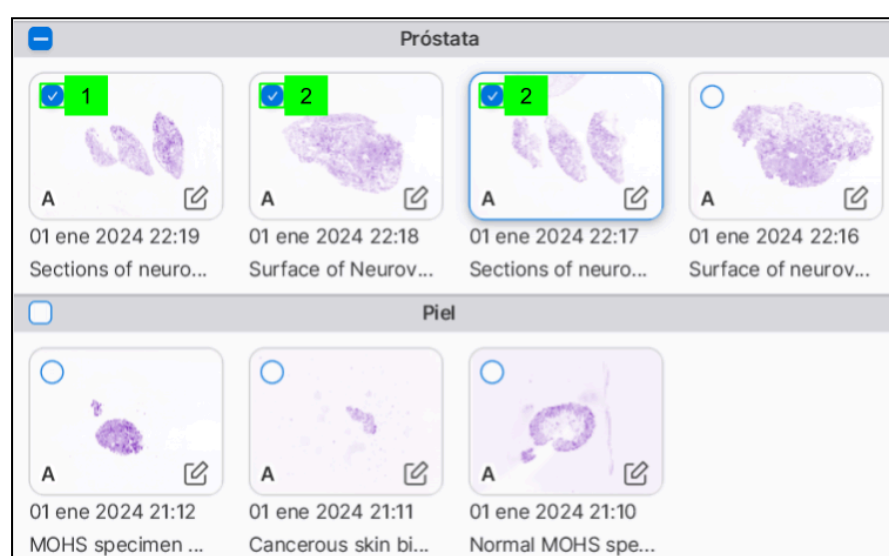
En la pantalla de la galería, haga clic en el icono «seleccionar todo» para seleccionar/deseleccionar todas las imágenes.

11.2.2. Seleccionar/deseleccionar sesiones



En la pantalla de la galería, haga clic en el cuadro de sesión vacío para seleccionar/deseleccionar todas las imágenes que pertenecen a esa sesión.

11.2.3. Seleccionar/deseleccionar imágenes



En la pantalla de la galería:

1. Haga clic en una imagen para seleccionarla/deseleccionarla
2. Para seleccionar/deseleccionar varias imágenes, mantenga pulsado el botón «Ctrl» del teclado y haga clic en las imágenes para seleccionar/deseleccionar.

11.3. Eliminar imágenes

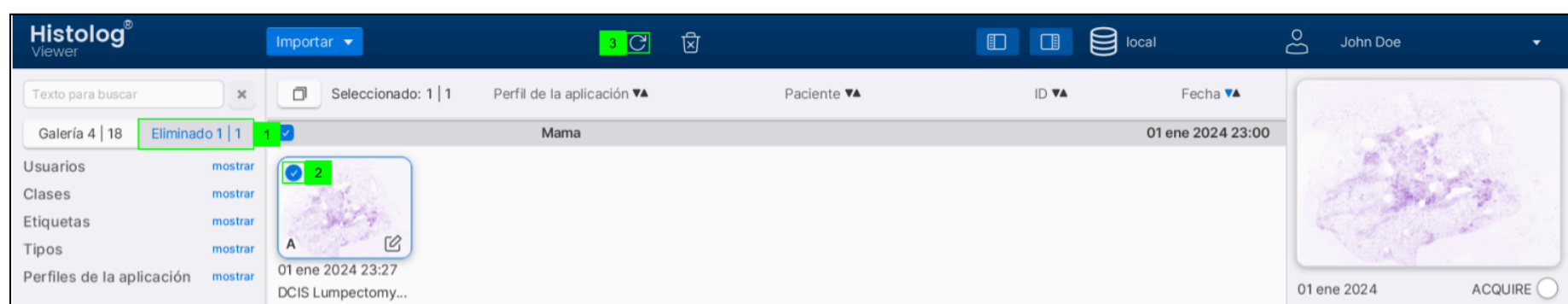


En la pantalla de la galería:

1. Seleccione la imágenes según el apartado [Seleccionar imágenes](#)
2. Haga clic en el icono de papelera para mover las imágenes seleccionadas fuera de la «Galería» y al contenido «Eliminado».

NOTA Las imágenes no se eliminan permanentemente y pueden restaurarse (consulte el apartado [Restaurar imágenes eliminadas](#)).

11.4. Restaurar imágenes eliminadas



En la pantalla de la galería:

1. Haga clic en el botón «Eliminado» para mostrar las imágenes eliminadas
2. Seleccione la imagen o imágenes según el apartado [Seleccionar imágenes](#)
3. Haga clic en el icono de restauración para mover las imágenes seleccionadas fuera del contenido «Eliminado» y al interior de la «Galería».

11.5. Eliminar permanentemente las imágenes



En la pantalla de la galería:

1. Haga clic en el botón «Eliminado» para mostrar las imágenes eliminadas
2. Seleccione la imagen o imágenes según el apartado [Seleccionar imágenes](#)
3. Haga clic en el icono de eliminación para eliminar permanentemente las imágenes seleccionadas.

11.6. Configurar el diseño

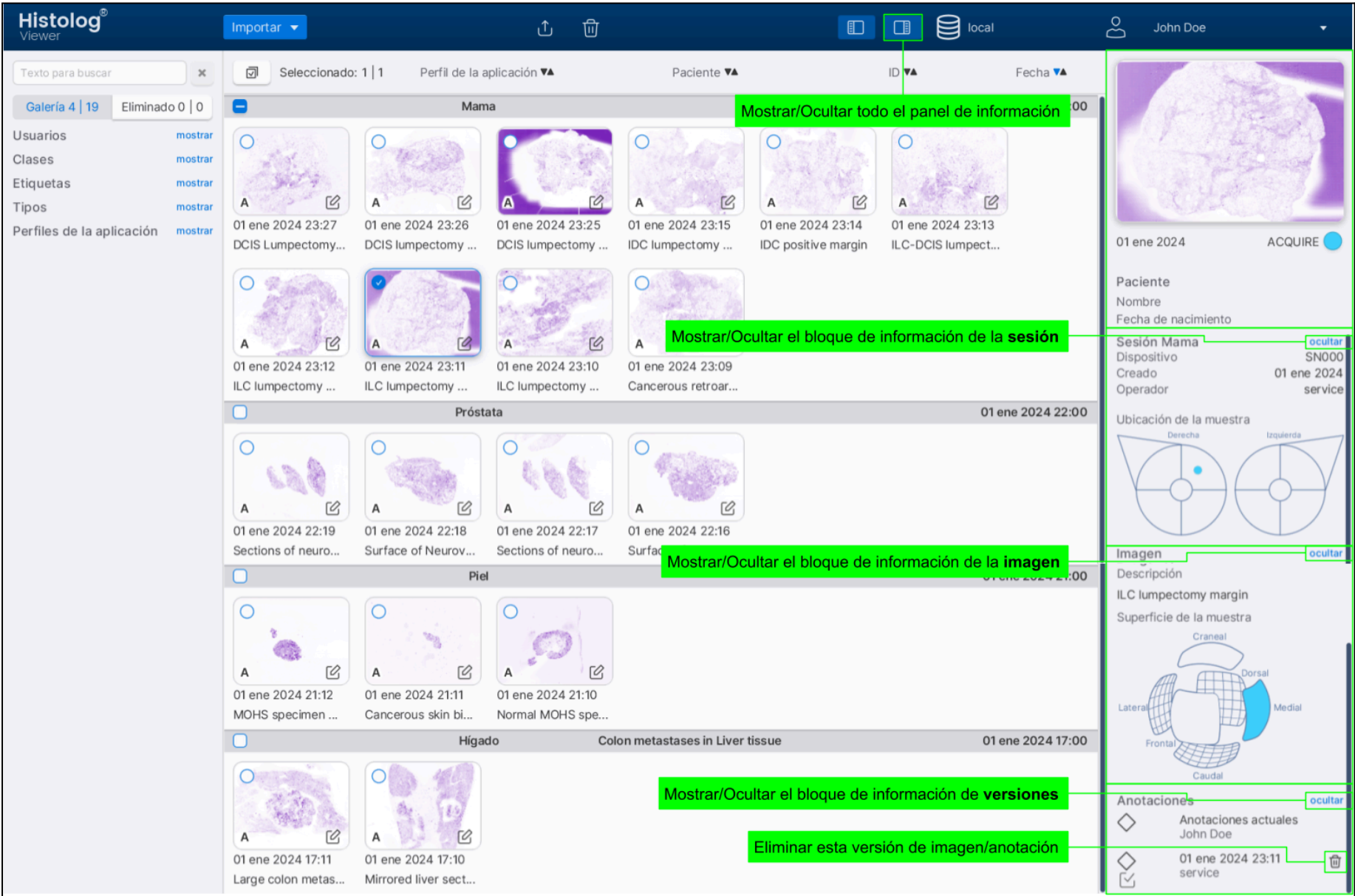
Los paneles izquierdo y derecho pueden mostrarse u ocultarse individualmente.



Haga clic en el icono del panel izquierdo o derecho para mostrarlo u ocultarlo.

11.7. Panel de información

El panel derecho es el panel de información. Muestra la información sobre la imagen seleccionada.



12. Visualización de imágenes

Abra una imagen para verla haciendo doble clic en su representación en miniatura en la Galería.

12.1. Panel de información y mapa de navegación

El panel derecho es el panel de información. Muestra la información asociada a la imagen.

El mapa de navegación situado en la esquina superior derecha muestra, en miniatura, la imagen completa e indica qué porción de la imagen completa se muestra actualmente en el área de imagen. El mapa de navegación también muestra los trazos de navegación del usuario realizados sobre la imagen. Los trazos corresponden a dos niveles de zoom: $25\% \leq \text{zoom} < 100\%$ y $100\% \leq \text{zoom}$. El primero se utiliza para revisar imágenes con el fin de localizar las áreas de interés. El segundo se utiliza para la visualización detallada de las áreas de interés. Los trazos correspondientes a niveles de zoom $< 25\%$ no se muestran.

12.2. Navegación: Zoom y panorámica



Utilice el botón de desplazamiento del ratón para ampliar o reducir la imagen, o bien haga doble clic para ampliar o reducir la imagen, o utilice los iconos de zoom (2).

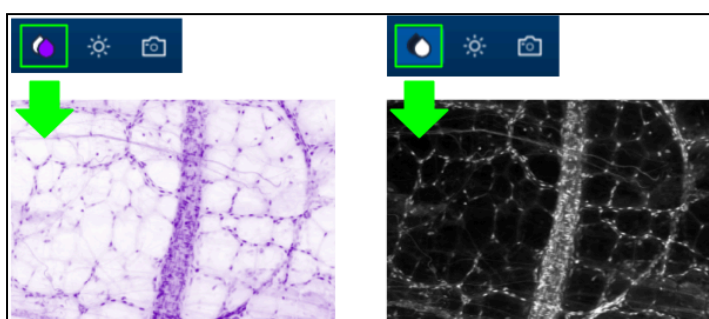
Adapte la imagen a su pantalla haciendo clic en el icono «Ajustar a pantalla» (1).

En la parte inferior izquierda de la imagen se muestra una barra de escala (3).

12.3. Mapa de colores, ajuste de contraste

12.3.1. Mapa de colores

Las imágenes pueden mostrarse en color o en escala de grises.

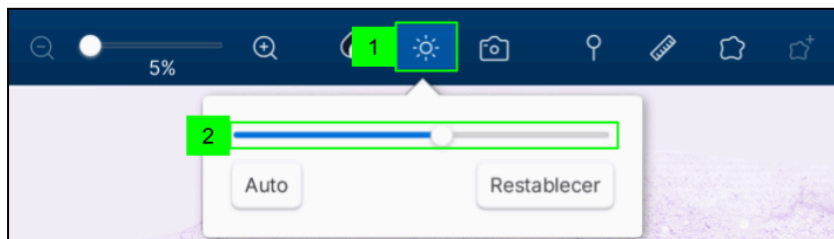


Haga clic en el icono de mapa de colores para cambiar el modo de color.

12.3.2. Ajuste del contraste

El contraste de una imagen puede ajustarse manual o automáticamente.

Ajuste manual

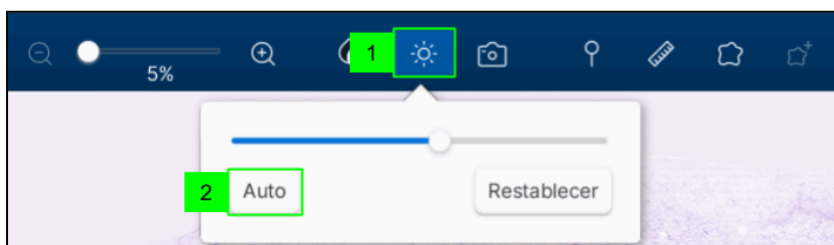


1. Haga clic en el icono de ajuste de contraste
2. Ajuste el contraste utilizando la barra deslizante

NOTA Restablezca todos los ajustes haciendo clic en el botón «Restablecer»

Ajuste automático

El ajuste automático ajustará el contraste en relación con la parte mostrada de la imagen.



1. Haga clic en el icono de ajuste de contraste. Esto aplicará el ajuste automático.
2. Si aplica un ajuste de contraste manual, al hacer clic en el botón «Auto» se aplicará el ajuste automático.
3. El ajuste automático del contraste puede aplicarse haciendo clic en el botón de desplazamiento del ratón.

NOTA Restablezca todos los ajustes haciendo clic en el botón «Restablecer».

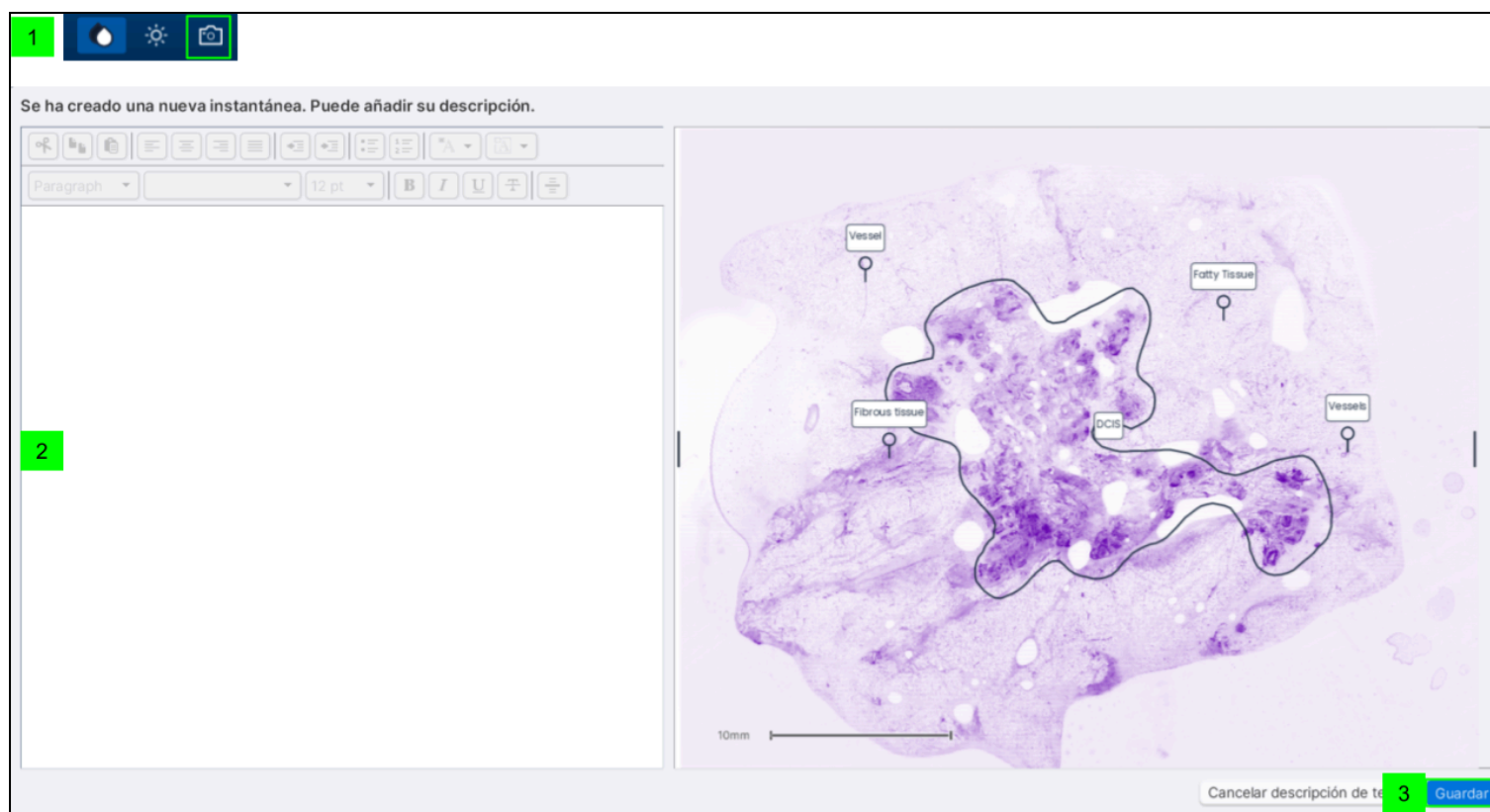
12.4. Configurar el diseño

El panel derecho se puede mostrar u ocultar.



Haga clic en el icono del panel derecho para mostrarlo u ocultarlo.

12.5. Instantánea



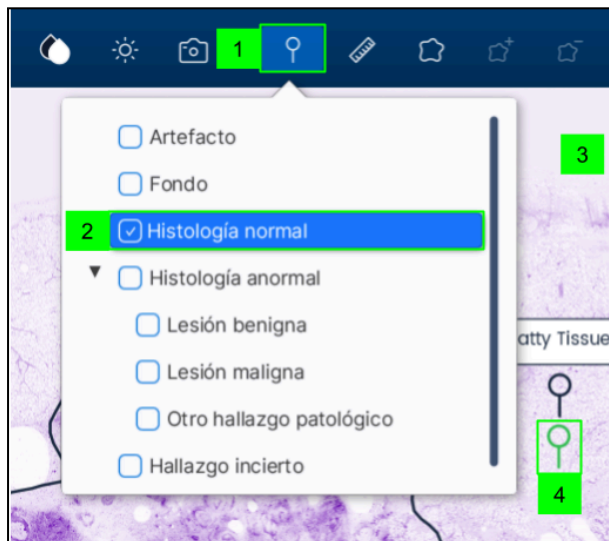
1. Haga clic en el icono de instantánea para realizar una instantánea de la parte de la imagen mostrada
2. Añada una descripción a la instantánea utilizando las funciones de edición de texto
3. Guarde la instantánea.

13. Anotar imágenes

Las imágenes pueden anotarse de varias formas con el Histolog[®] Viewer. Estas anotaciones pueden grabarse permanentemente para evitar modificaciones accidentales y, por lo tanto, compartirse de forma segura con otros profesionales sanitarios.

13.1. Añadir anotaciones

13.1.1. Chincheta



1. Haga clic en el icono de chincheta
2. Opcional: Seleccionar una clase de anotación

NOTA Si no se selecciona ninguna clase, la anotación se mostrará como no clasificada.

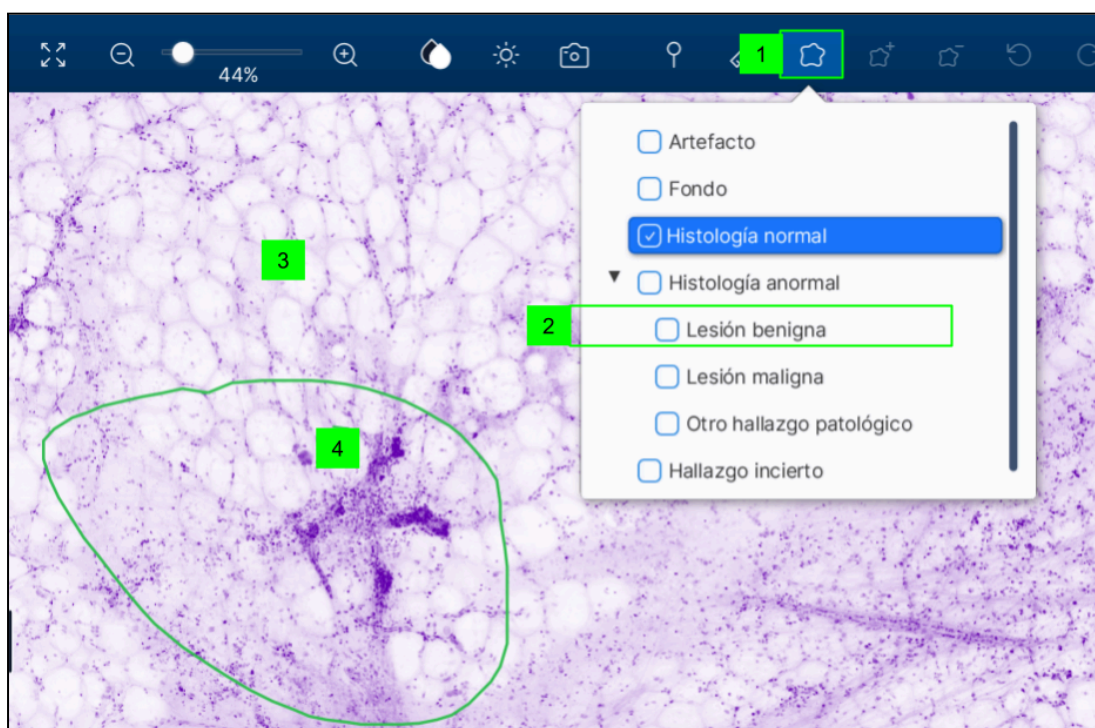
3. Haga clic fuera de la ventana de clase de anotación para cerrarla
4. Haga clic en la parte de la imagen para colocar la chincheta
5. Opcional: Mueva la anotación de chincheta haciendo clic en su cabeza circular y manteniendo el botón del ratón mientras lo mueve a la ubicación deseada en la imagen.

NOTA Vuelva a hacer clic en el icono de chincheta para dejar de añadir nuevas chinchetas.

13.1.2. Forma libre

La herramienta de forma libre permite rodear y clasificar regiones de interés en las imágenes.

Nueva forma libre



1. Haga clic en el icono de forma libre

2. Opcional: Seleccionar una clase de anotación

NOTA Si no se selecciona ninguna clase, la anotación se mostrará como no clasificada.

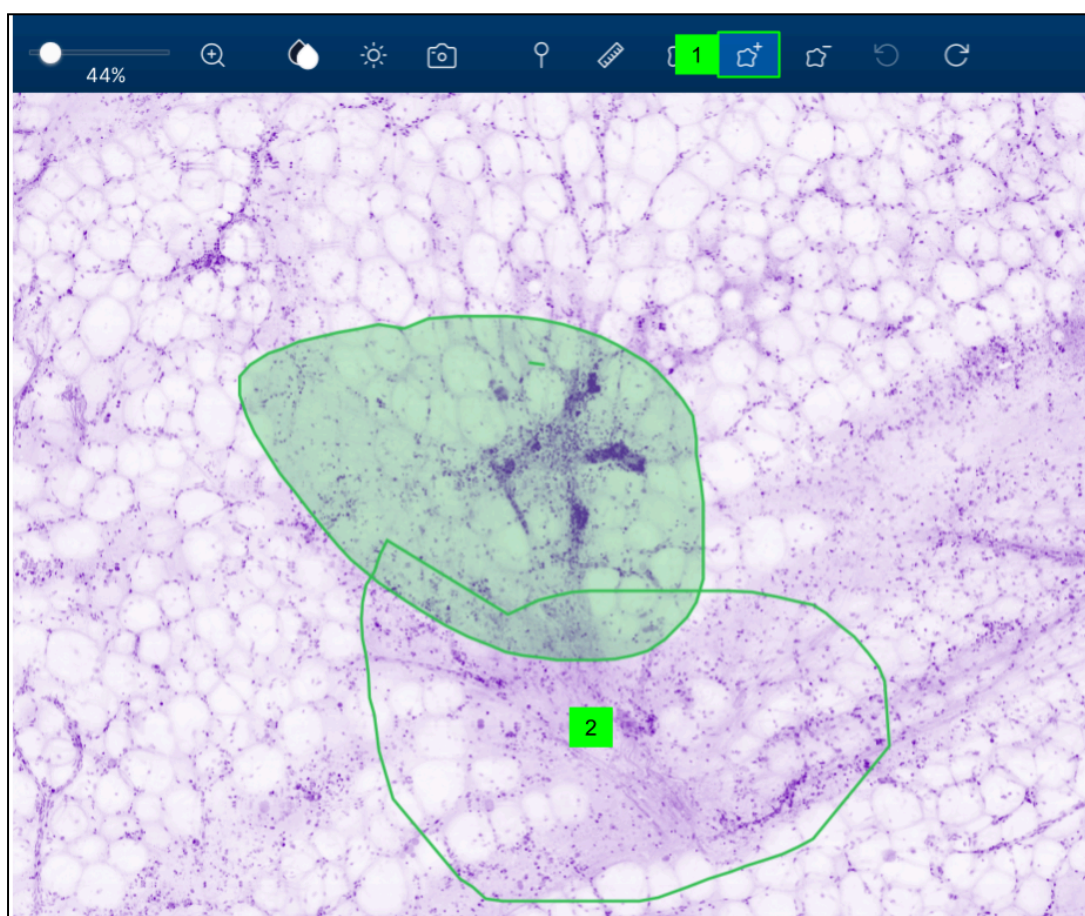
3. Haga clic fuera de la ventana de clase de anotación para cerrarla
4. Dibuje una forma libre manteniendo pulsado el botón del ratón.

NOTA Vuelva a hacer clic en el icono de forma libre para dejar de dibujar formas libres.

Modificar una forma libre

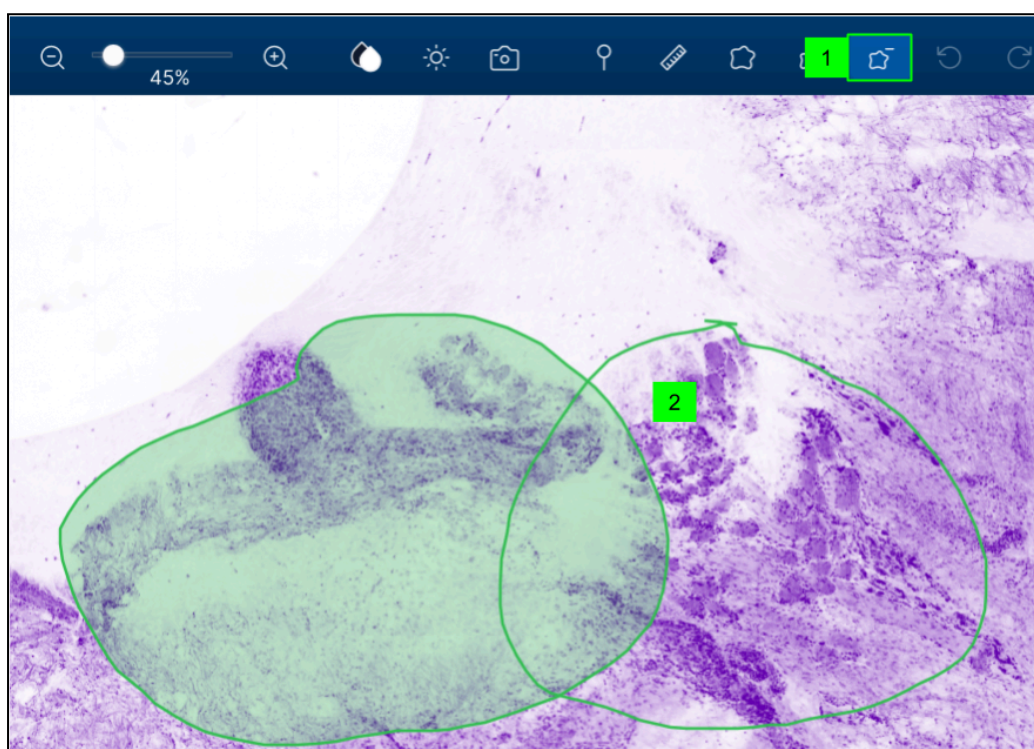
Una forma libre puede ser modificada de la forma siguiente:

Añadir un nuevo segmento



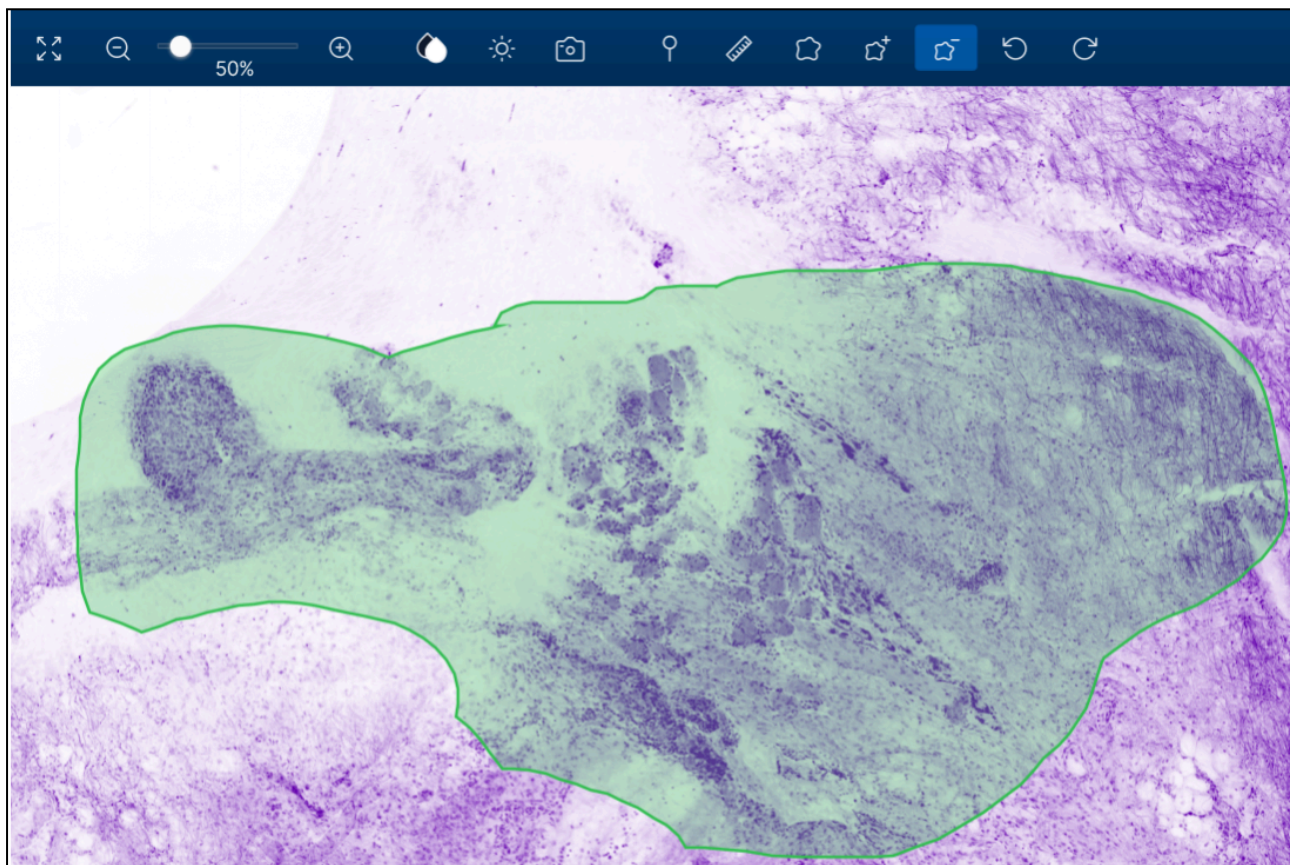
1. Haga clic en el icono de forma libre +
2. Dibuje el segmento que desea añadir.

Eliminar un segmento



1. Haga clic en el icono de forma libre -
2. Dibuje el segmento que desea eliminar.

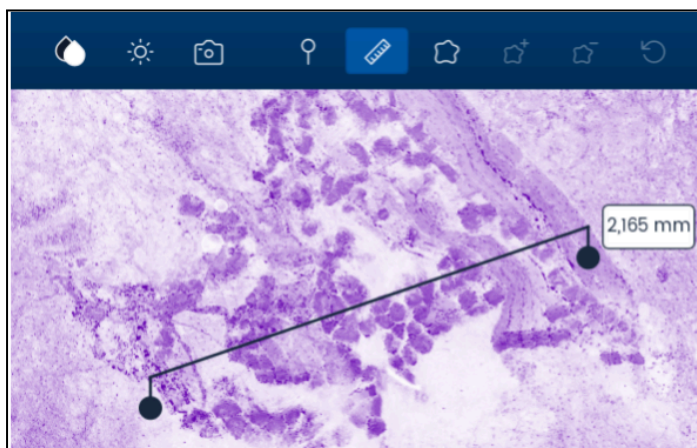
Deshacer o rehacer la última acción



Para deshacer (A) o rehacer (B) la última acción, haga clic en el icono correspondiente.

13.1.3. Medir

La herramienta de medición permite medir distancias y mantener estas mediciones como anotaciones. Las mediciones son solo indicativas.



1. Haga clic en el icono de medición
2. Haga clic y mantenga pulsado el botón de clic para medir.

NOTA Vuelva a hacer clic en el icono de medición para detener la medición.

13.2. Descripción del texto

Es posible añadir una descripción de texto a cada anotación individualmente.



1. Seleccione la anotación en el panel de anotaciones (a la izquierda) para describirla
2. Haga clic en el texto «Sin descripción»
3. Escriba la descripción en el cuadro de texto

O bien,

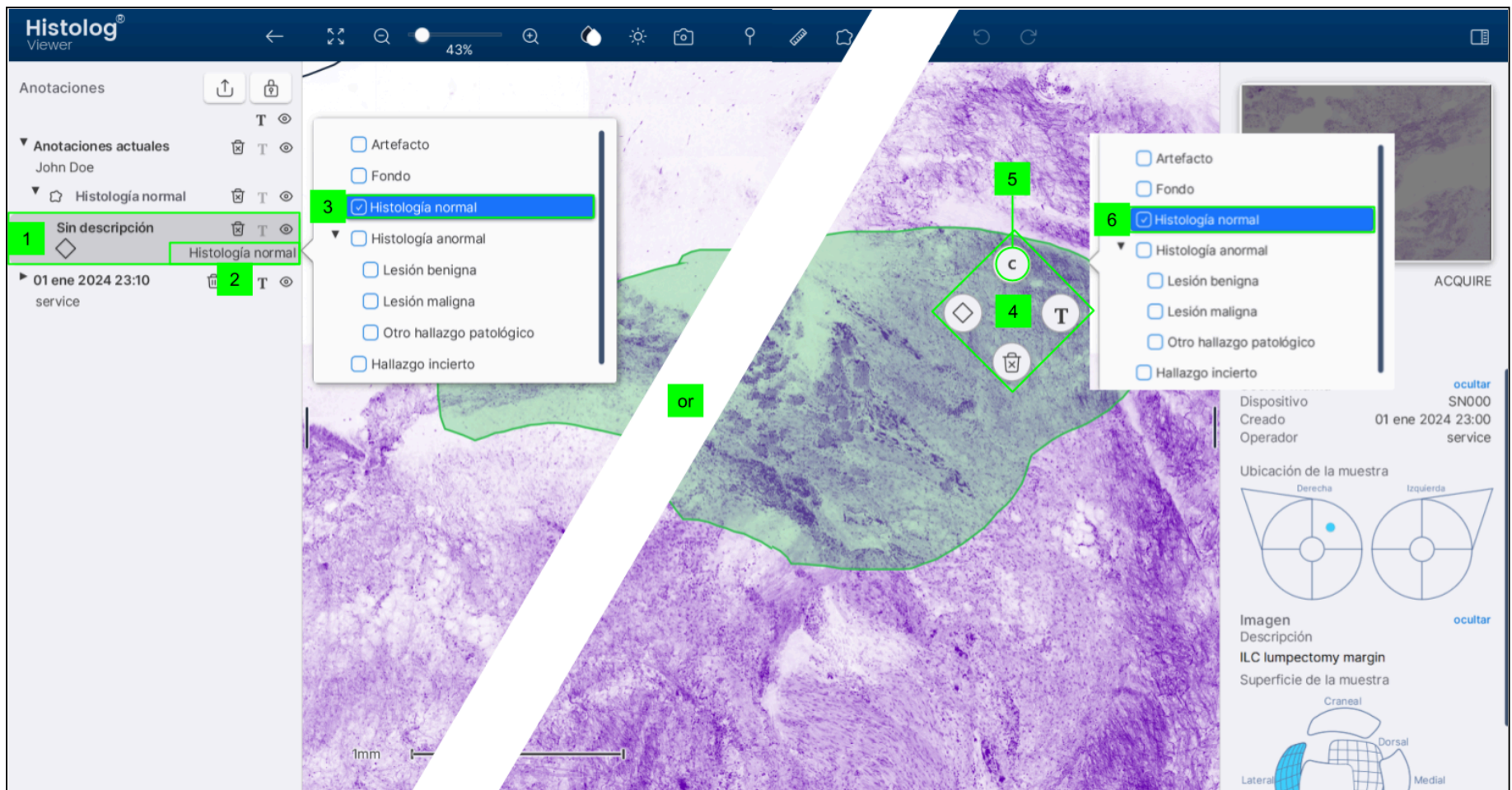
4. Haga clic con el botón derecho en una anotación ubicada en la imagen para abrir el menú de edición de anotación
5. Haga clic en el icono de descripción del texto
6. Escriba la descripción en el cuadro de texto

13.3. Clases de anotación

A las anotaciones de chincheta y forma libre se les puede asignar una de las clases predefinidas. Las opciones disponibles son las siguientes:

1. Artefact (Artefacto)
2. Background (Fondo)
3. Normal Histology (Histología normal)
4. Abnormal Histology: (Histología anómala):
 - 4.1. Benign lesion (Lesión benigna)
 - 4.2. Malignant lesion (Lesión maligna)
 - 4.3. Other pathological findings (Otros hallazgos patológicos)
5. Uncertain findings (Hallazgos inciertos)

NOTA Las anotaciones clasificadas como anormales se mostrarán en rojo, las normales en verde, las inciertas en naranja y las otras en negro.



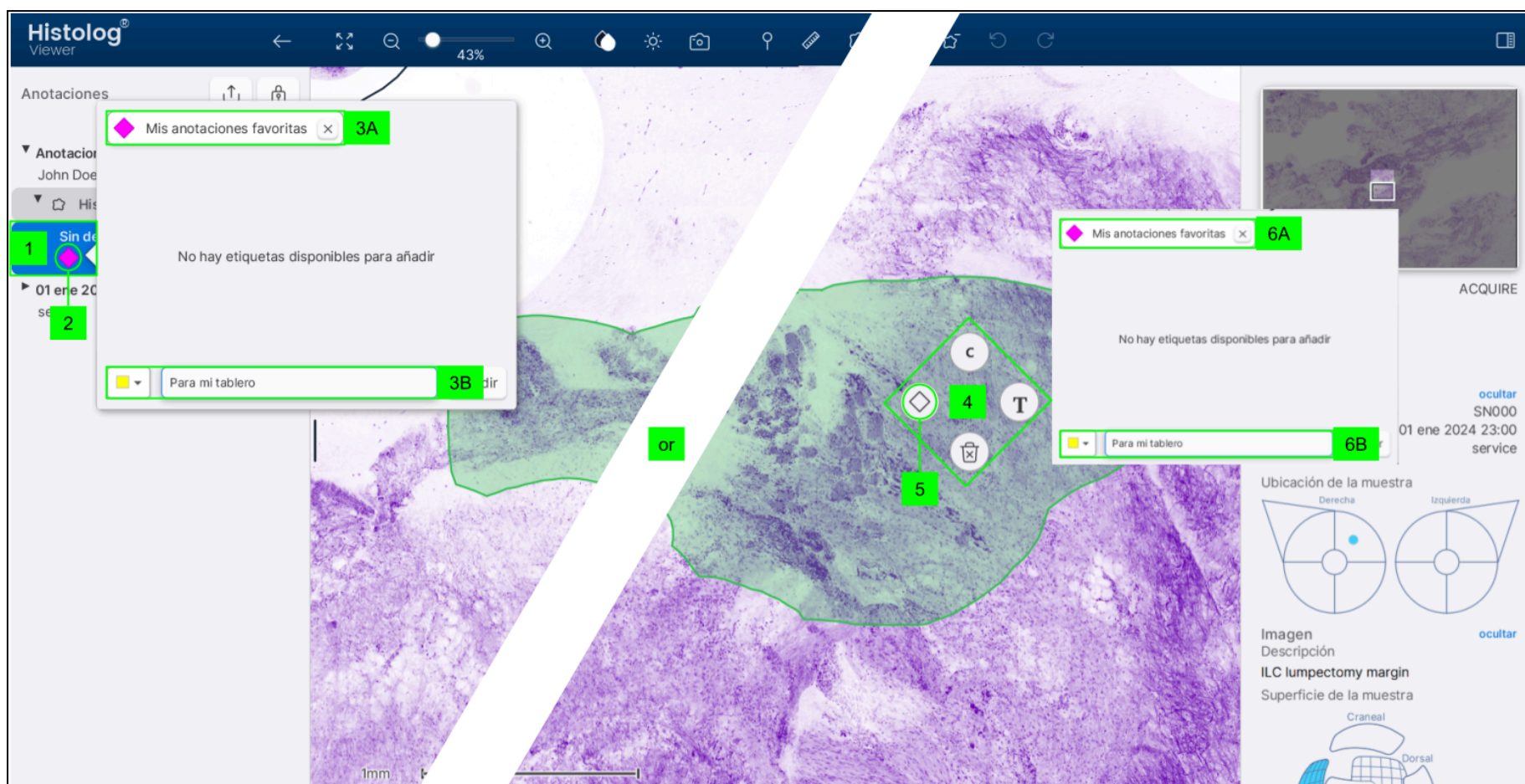
1. Seleccione la anotación para clasificarla o reclasificarla
2. Haga clic en la clase de anotación
3. Seleccione la clase que desea asignar

O bien,

4. Haga clic con el botón derecho en una anotación ubicada en la imagen para abrir el menú de edición de anotación
5. Haga clic en el icono de clase
6. Seleccione la clase que desea asignar

13.4. Etiquetas

Las etiquetas pueden crearse y asignarse a anotaciones para marcar algunas áreas similares, o algunas áreas específicas para revisiones posteriores, o para cualquier otro propósito en función de su comodidad.



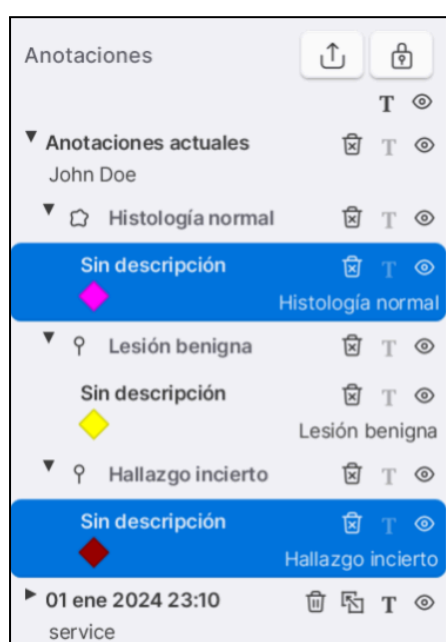
1. Seleccione la anotación que desea etiquetar
2. Haga clic en el icono de la etiqueta
3. Asigne una etiqueta a una anotación:
 - a. seleccionando una etiqueta existente; o
 - b. creando una nueva etiqueta

O bien,

4. Haga clic con el botón derecho en una anotación ubicada en la imagen para abrir el menú de edición de anotación
5. Haga clic en el icono de la etiqueta
6. Asigne una etiqueta a una anotación:
 - a. seleccionando una etiqueta existente; o
 - b. creando una nueva etiqueta

13.5. Seleccionar anotaciones

La selección de varias anotaciones puede utilizarse para realizar acciones de grupo con las anotaciones (como eliminar u ocultar).



- Para seleccionar una anotación: Haga clic en ella en la imagen o en el panel de anotaciones.

- Para seleccionar varias anotaciones individuales: Pulse «Ctrl» y haga clic en las anotaciones para seleccionarlas en el panel de anotaciones.
- Para seleccionar una lista de anotaciones: Pulse «Mayús» y haga clic en la primera y la última anotación de la lista.

13.6. Eliminación de anotaciones



1. Seleccione una o más anotaciones para eliminar en la imagen o en el panel de anotaciones según el apartado [Seleccionar anotaciones](#)
2. Haga clic en el icono de eliminación

NOTA También es posible seleccionar y eliminar varias anotaciones a la vez.

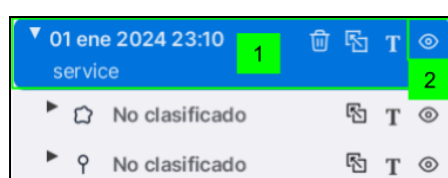
3. Haga clic en el botón «Eliminar» para confirmar la eliminación

O bien, para eliminar una sola anotación,

4. Haga clic con el botón derecho en una anotación ubicada en la imagen para abrir el menú de edición de anotación
5. Haga clic en el icono de eliminación
6. Haga clic en el botón «Eliminar» para confirmar la eliminación

13.7. Mostrar/ocultar anotaciones

Las anotaciones pueden mostrarse u ocultarse.

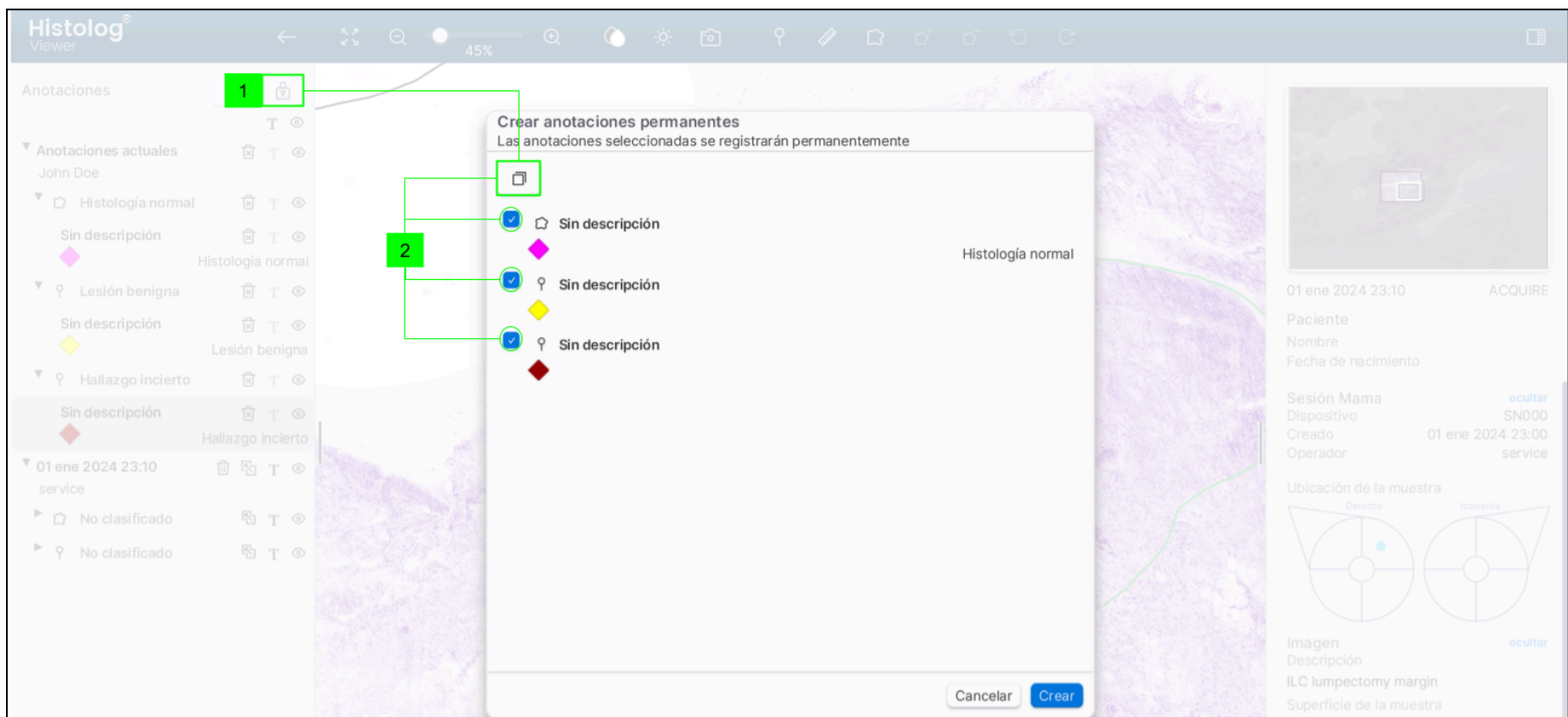


1. Seleccione una o más anotaciones o versiones permanentes para ocultarlas o mostrarlas
2. Haga clic en el icono de mostrar/ocultar

13.8. Versiones permanentes:

13.8.1. Crear una versión permanente

Es posible crear una versión permanente a partir de las anotaciones actuales. Las anotaciones de una versión permanente ya no se pueden modificar.

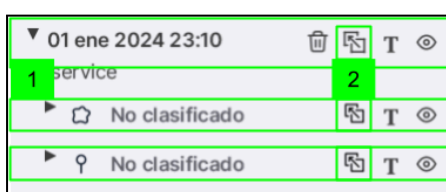


1. Haga clic en el icono de bloqueo para crear una versión permanente de las anotaciones actuales
2. Seleccione las anotaciones que desea grabar permanentemente con las casillas de verificación (3) o eligiendo el icono «Mark all» (Marcar todo) (2).
3. Haga clic en el botón «Crear»

NOTA Se creará automáticamente una versión permanente de todas las anotaciones actuales en el momento de la exportación (consulte el apartado [Exportar imágenes](#)).

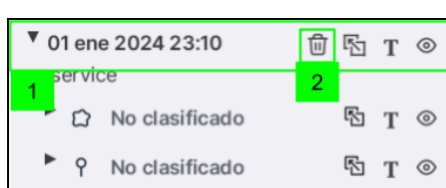
13.8.2. Clonación

Las anotaciones de una versión permanente no pueden modificarse por sí mismas, pero puede modificarse su clon. La clonación significa que se realiza una copia de la anotación permanente dentro de la misma imagen.



1. Haga clic en la anotación o versión permanente para clonar
2. Haga clic en el icono de clon

13.8.3. Eliminar una versión permanente



1. Haga clic en la versión que desee eliminar
2. Haga clic en el icono de la papelera
3. Confirme la acción de eliminación en la ventana emergente

NOTA La versión permanente eliminada se moverá a los elementos eliminados. Por lo tanto, podrá restaurarse si es necesario.

NOTA La versión permanente eliminada puede eliminarse permanentemente eliminándola en la galería de Elementos eliminados.

14. Exportar imágenes

La exportación puede iniciarse desde la Galería de imágenes o directamente al visualizar una imagen, como se describe a continuación.

14.1. Formatos de exportación

Las imágenes y sus datos asociados (p. ej., las anotaciones) pueden exportarse en varios formatos.

Los formatos de exportación disponibles son:

	Imagen	Metadatos *	Tamaño **	Observaciones
JPEG	✓		15-40 MB	Compresión con pérdida
TIFF (RGB)	✓		250-550 MB	Compresión sin pérdida Imagen coloreada con mapa de colores
TIFF (sin procesar)	✓		824 MB	Sin compresión Imagen en escala de grises de 16 bits
Histolog [®]	✓	✓	875-900 MB	Los datos exportados pueden abrirse con otro Histolog [®] Viewer.
Informe PDF	✓	✓	2-5 MB	Compresión con pérdida

* incluye información del paciente/sesión, así como información de la imagen y anotaciones, si existen.

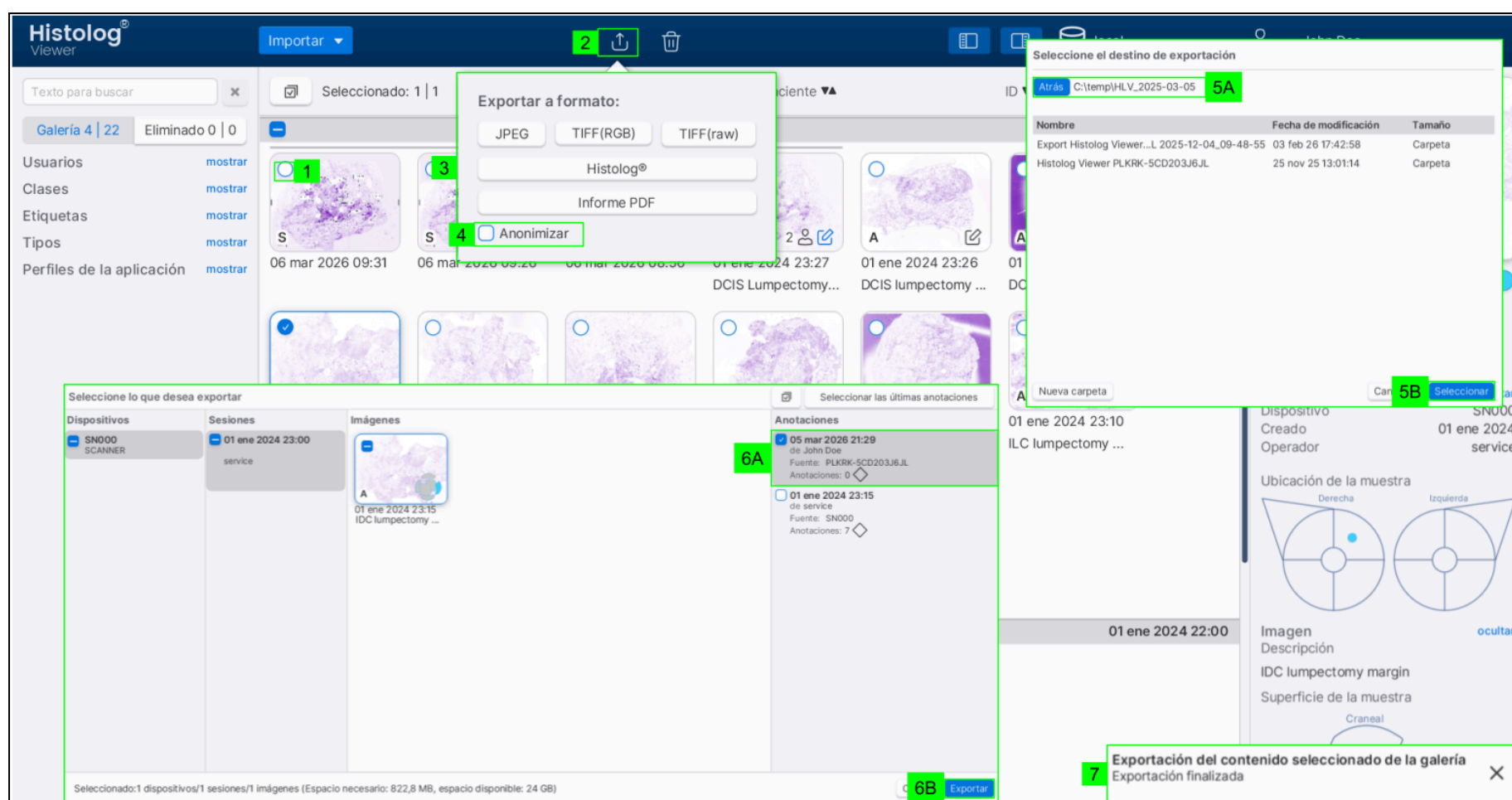
** tamaño típico de una imagen del Histolog[®] Scanner del tipo Adquisición.

14.2. Exportar una selección de imágenes desde la Galería de imágenes

Utilice esta opción para exportar una selección de imágenes.

NOTA El tiempo que se tarda en exportar/importar imágenes del Histolog[®] Scanner depende de factores externos como el ancho de banda de la red o el medio de almacenamiento USB utilizado.

⚠️ PRECAUCIÓN Asegúrese de que la duración del flujo de trabajo de revisión remota de imágenes (incluida la exportación/importación) sea aceptable antes de utilizar el Histolog[®] Viewer por primera vez. Esto es especialmente importante cuando se utiliza el Histolog[®] Viewer como medio principal para ver/revisar las imágenes del Histolog[®] Scanner durante un procedimiento del paciente (p. ej., intraoperatoriamente).



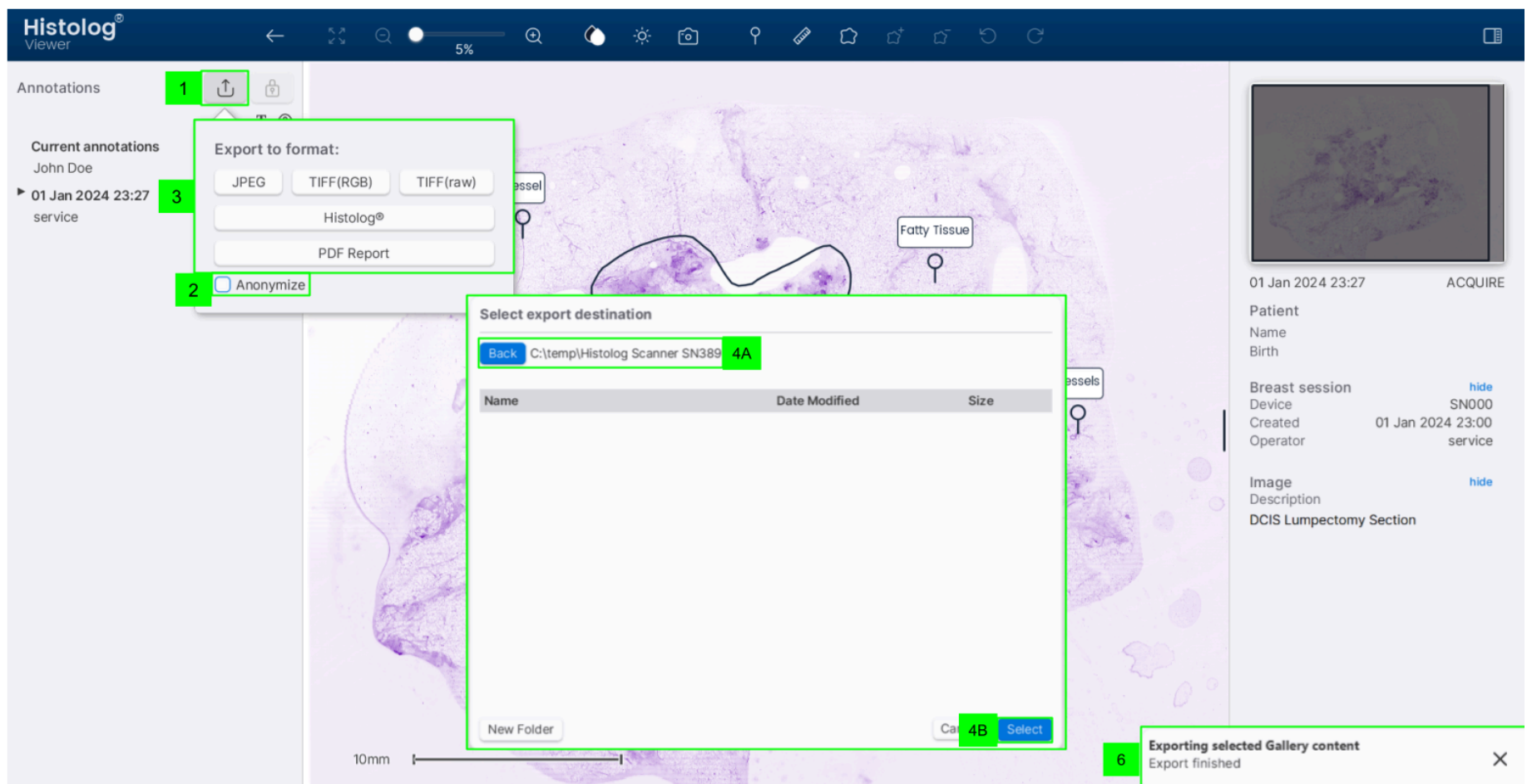
1. En la Galería de imágenes, seleccione las imágenes según el apartado [Seleccionar imágenes](#)
2. Haga clic en el icono de exportación
3. Seleccione el formato en el que desea exportar
4. Haga clic en la casilla de verificación «Anonimizar» si es necesario anonimizar los datos exportados

NOTA La función de anonimización elimina todos los datos que puedan identificar al paciente.

5. El Histolog[®] Viewer abrirá un cuadro de diálogo para explorar la estructura de carpetas de su ordenador:
 - a. En el cuadro de diálogo, seleccione la ubicación a la que desea exportar
 - b. Haga clic en el botón «Seleccionar»
6. Al exportar en el formato «Histolog[®]»:
 - a. Seleccione las versiones que desea exportar en la ventana de diálogo «Export» (Exportar)
 - b. Haga clic en el botón «Export» (Exportar)
7. Una vez finalizado el procedimiento de exportación, el Histolog[®] Viewer muestra momentáneamente el mensaje «Exportación finalizada» en la esquina inferior derecha

14.3. Exportar la imagen mostrada actualmente

Utilice esta opción para exportar la imagen mostrada actualmente en el Histolog® Viewer. Esta opción solo permite exportar una sola imagen.



Para exportar la imagen mostrada actualmente:

1. Haga clic en el icono de exportación
2. Haga clic en la casilla de verificación «Anonimizar» si es necesario anonimizar los datos exportados

NOTA La función de anonimización elimina todos los datos que puedan identificar al paciente.

3. Seleccione el formato en el que desea exportar
4. El Histolog® Viewer abrirá un cuadro de diálogo para explorar la estructura de carpetas de su ordenador:
 - a. En el cuadro de diálogo, seleccione la ubicación a la que desea exportar
 - b. Haga clic en el botón «Seleccionar»
5. Al exportar en el formato «Histolog®»:
 - a. Seleccione las versiones que desea exportar en la ventana de diálogo «Export» (Exportar)
 - b. Haga clic en el botón «Export» (Exportar)
6. Una vez finalizado el procedimiento de exportación, el Histolog® Viewer muestra momentáneamente el mensaje «Exportación finalizada» en la esquina inferior derecha

15. Solución de problemas

NOTA El Histolog® Viewer solo permite ejecutar una instancia a la vez. No intente ejecutar más de un Histolog® Viewer al mismo tiempo en el mismo sistema.

En caso de que encuentre un problema que le impida realizar operaciones, salga según se indica en el apartado [Salir del Histolog® Viewer](#) y reinicie según se indica en el apartado [Iniciar el Histolog® Viewer](#).

15.1. Póngase en contacto con SamanTree Medical

Si el problema persiste, deje de utilizar el Histolog® Viewer y póngase en [contacto con SamanTree Medical](#) o con un representante autorizado para solicitar asistencia técnica.

15.2. Exportar archivos de registro

Para exportar archivos de registro, consulte el apartado [7.8](#).

Si lo solicita el equipo de asistencia técnica de SamanTree Medical, los archivos de registro pueden recuperarse de la carpeta «logs» de su sistema de archivos en el ordenador.

En Microsoft Windows, la carpeta «logs» se encuentra en la ubicación en la que se instaló el software Histolog® Viewer.