

Guide d'utilisateur

Histolog[®] Viewer

version 2.1.1



SamanTree Medical (Switzerland) SA

Avenue de Provence 12
1007 Lausanne
Suisse
Tél. : +41 21 625 0940

Service clientèle :

Tél. : +41 21 623 0073
contact@samantree.com

Copyright © 2015–2026

Cette publication est protégée par le droit d'auteur et tous les droits sont réservés. Aucune partie de ce guide ne peut être reproduite ou transmise sous quelque forme que ce soit, ou par quelque moyen que ce soit, électronique ou mécanique, y compris la photocopie et l'enregistrement, à des fins autres que l'usage personnel de l'acheteur, sans l'autorisation de SamanTree Medical.

Histolog est une marque déposée de SamanTree Medical.

Consulter www.samantree.com/ip pour plus d'informations sur la propriété intellectuelle.

Le logiciel Histolog[®] Viewer peut contenir des composants ou des modules qui sont des programmes logiciels open source ou commerciaux. Pour les avis de copyright et autres avis et informations de licence concernant ces programmes logiciels utilisés dans le logiciel Histolog[®] Viewer, consulter le contenu du dossier « license » installé par le programme d'installation Histolog[®] Viewer sur le système de fichiers de votre ordinateur à l'emplacement où le logiciel Histolog[®] Viewer a été installé.

1. Historique des révisions

Version	Date	Description de la modification
1.0	2020-12-18	Nouveau document pour Histolog [®] Viewer version 2.0.0 et Histolog [®] Guide version 1.1.1.
1.1	2021-03-12	Version améliorée du document avec des explications plus détaillées des fonctionnalités de l’Histolog Viewer.
1.2	2025-05-19	Nouvelle version du document avec des mises à jour pour Histolog [®] Viewer version 2.1.0.
1.3	2025-05-27	Mise à jour des remarques dans les sections 8 et 12. Ajouter des informations sur le signalement des incidents à la section 4. Réviser les coordonnées du responsable au Royaume-Uni.
1.4	2026-06-22	Mises à jour pour Histolog [®] Viewer version 2.1.1. - Mise à jour de la section 5.1.1. « Exigences liées au poste de travail ». - Ajout de la section 6.3 « Choix d’une source de données » et de la section 7 « Utilisation de sources de données » pour introduire une nouvelle fonctionnalité d’utilisation de plusieurs sources de données. - Ajout de la section 6.6 « Modification de la langue de l’interface utilisateur » pour introduire une nouvelle fonctionnalité de modification de la langue de l’interface utilisateur graphique. - Ajout d’instructions sur le suivi de navigation dans la carte de navigation à la section 12.1. - Mise à jour des figures pour présenter l’interface utilisateur graphique concernant les nouvelles fonctionnalités : Sources de données, langue de l’interface utilisateur graphique et critères de tri « Profil d’application » dans la galerie. - Suppression du système de gestion des licences

2. Table des matières

1. Historique des révisions	3
2. Table des matières	4
3. Explication des symboles	6
4. Informations sur le produit	7
4.1. Utilisation prévue	7
5. Instructions de sécurité	8
5.1. Mises en garde	8
6. Installation et désinstallation	9
6.1. Configuration système requise	9
6.1.1. Exigences liées au poste de travail	9
6.1.2. Exigences liées à l'écran	9
6.2. Installation de l'Histolog® Viewer	9
6.3. Désinstallation de l'Histolog® Viewer	12
7. Démarrage et fermeture	13
7.1. Démarrage de l'Histolog® Viewer	13
7.2. Choix d'une source de données	13
7.3. Connexion	13
7.3.1. Création d'un nouvel utilisateur et connexion	14
7.3.2. Connexion avec un utilisateur existant	15
7.3.3. Déconnexion	16
7.4. Affichage des informations sur le produit (dans la fenêtre À propos)	16
7.5. Modification de la langue de l'interface utilisateur	17
7.6. Exportation des fichiers log	19
7.7. Fermeture de l'Histolog® Viewer	20
8. Utilisation de sources de données	22
8.1. Création d'une nouvelle source de données	22
8.2. Ajout d'une source de données existante	23
8.3. Modification du nom d'une source de données existante	25
8.4. Suppression d'une source de données existante	25
9. Gestion des comptes utilisateur	26
9.1. Création d'un nouveau compte utilisateur	26
9.1.1. Création d'un nouveau compte utilisateur lors de la connexion	26
9.1.2. Gestion du mot de passe utilisateur	27
9.2. Suppression d'un compte utilisateur	28
9.3. Modification du compte utilisateur	29
10. Importation d'images	30
10.1. Sélection de l'emplacement des données à importer	30
10.1.1. Importation automatique (à partir d'une clé USB)	30
10.1.2. Importer à partir de l'emplacement sélectionné	30
10.2. Sélection des données à importer	31
11. Gestion des images	33
11.1. Organisation du contenu de la galerie : tri/filtrage	33
11.1.1. Trier les images	33
11.1.2. Filtrer les images	33
Filtrage par mot-clé	33
Filtrage par catégories	33
11.2. Sélection des images	34
11.2.1. Sélectionner/désélectionner tout	34

11.2.2. Sélectionner/désélectionner des sessions	34
11.2.3. Sélectionner/désélectionner des images	34
11.3. Suppression des images	35
11.4. Restauration des images supprimées	35
11.5. Suppression définitive des images	35
11.6. Configuration de la disposition	35
11.7. Panneau d'information	36
12. Visualisation d'images	37
12.1. Panneau d'information et suivi de navigation	37
12.2. Navigation : Zoom et panoramique	37
12.3. Carte de couleurs, réglage du contraste	37
12.3.1. Carte de couleurs	37
12.3.2. Réglage du contraste	38
Réglage manuel	38
Réglage automatique	38
12.4. Configurer la disposition	38
12.5. Cliché	39
13. Annotation d'images	40
13.1. Ajout d'annotations	40
13.1.1. Point	40
13.1.2. Forme libre	40
Nouvelle forme libre	40
Modifier une forme libre	41
13.1.3. Mesure	42
13.2. Description textuelle	42
13.3. Classes d'annotation	43
13.4. Balises	44
13.5. Sélection des annotations	45
13.6. Suppression d'annotations	46
13.7. Affichage/masquage des annotations	46
13.8. Versions permanentes :	47
13.8.1. Créer une version permanente	47
13.8.2. Clonage	47
13.8.3. Suppression d'une version permanente	48
14. Exportation d'images :	49
14.1. Formats d'exportation	49
14.2. Exporter une sélection d'images à partir de la galerie d'images	49
14.3. Exporter l'image actuellement affichée	51
15. Dépannage	52
15.1. Contacter SamanTree Medical	52
15.2. Exporter les fichiers log	52

3. Explication des symboles

	Fabricant
	Consulter le guide d'utilisateur
	Lorsqu'il est suivi de « MISE EN GARDE », ce symbole signifie « Mise en garde ! Le non-respect de cette consigne peut entraîner l'endommagement de l'équipement, la perte de temps ou d'efforts, ou la nécessité de cesser toute utilisation de l'appareil. »
	Un pictogramme REMARQUE dans ce guide attire l'attention sur des informations utiles concernant une fonction ou une procédure.

4. Informations sur le produit

Ce guide s'applique à l'Histolog[®] Viewer version 2.1.1. La version est compatible avec les images du logiciel Histolog[®] Scanner version 3.1.2 et ultérieure, jusqu'à nouvel ordre.

L'Histolog[®] Viewer est destiné au diagnostic in vitro par des professionnels de santé.

 **MISE EN GARDE :** ne pas tenter d'utiliser l'Histolog[®] Viewer avec les images provenant de versions incompatibles du logiciel Histolog[®] Scanner. Une telle tentative sera une perte de temps et d'efforts.

 **MISE EN GARDE :** ce guide contient des instructions essentielles pour une utilisation sûre et efficace de l'Histolog[®] Viewer. En particulier, il contient une description détaillée de l'interface utilisateur graphique (IUG) du produit. Avant d'utiliser le produit, veuillez lire ces instructions et vous assurer de bien comprendre comment utiliser l'interface utilisateur graphique. Un manque de compréhension de l'interface utilisateur graphique peut donner lieu à une impossibilité de terminer la procédure prévue avec l'Histolog[®] Viewer.

4.1. Utilisation prévue

L'Histolog[®] Viewer est un logiciel à usage général destiné à accéder, afficher, annoter, gérer, stocker et partager des collectes d'images numériques de l'Histolog[®] Scanner et leurs métadonnées associées.

L'Histolog[®] Viewer n'est pas destiné à modifier les images d'origine de l'Histolog[®] Scanner, ni les informations sur le patient et l'opérateur initialement définies sur l'Histolog[®] Scanner (le cas échéant).

 **MISE EN GARDE :** l'Histolog[®] Viewer est destiné à être utilisé uniquement avec des images provenant de balayages effectués sur l'Histolog[®] Scanner. Ne pas tenter d'utiliser l'Histolog[®] Viewer pour travailler avec des images qui ne proviennent pas de l'Histolog[®] Scanner. Une telle tentative sera une perte de temps et d'efforts.

5. Instructions de sécurité

Utiliser l'Histolog[®] Viewer exclusivement pour l'usage décrit dans ce guide utilisateur.

Signaler tout incident grave lié à l'Histolog[®] Viewer à [SamanTree Medical \(Switzerland\) SA](#) et à l'autorité nationale compétente.

5.1. Mises en garde

MISE EN GARDE

- Ce guide contient des instructions essentielles pour une utilisation sûre et efficace de l'Histolog[®] Viewer. En particulier, il contient une description détaillée de l'interface utilisateur graphique (IUG) du produit. Avant d'utiliser le produit, veuillez lire ces instructions et vous assurer de bien comprendre comment utiliser l'interface utilisateur graphique. Un manque de compréhension de l'interface utilisateur graphique peut donner lieu à une impossibilité de terminer la procédure prévue avec l'Histolog[®] Viewer.
- Ne pas utiliser l'Histolog[®] Viewer avec un poste de travail ou un écran qui ne répond pas aux exigences « minimales » spécifiées. Le non-respect de cette indication compromettra les performances de l'Histolog[®] Viewer.
- L'Histolog[®] Viewer est destiné à être utilisé uniquement avec des images provenant de balayages effectués sur l'Histolog[®] Scanner. Ne pas tenter d'utiliser l'Histolog[®] Viewer pour travailler avec des images qui ne proviennent pas de l'Histolog[®] Scanner. Une telle tentative sera une perte de temps et d'efforts.
- Ne pas tenter d'utiliser l'Histolog[®] Viewer avec les images provenant de versions incompatibles du logiciel Histolog[®] Scanner. Une telle tentative sera une perte de temps et d'efforts.
- S'assurer que la durée du flux de travail de vérification des images à distance (y compris l'exportation/importation) est acceptable avant d'utiliser l'Histolog[®] Viewer pour la première fois. Cela est particulièrement important lorsque l'Histolog[®] Viewer est utilisé comme principal moyen de (re)afficher les images de l'Histolog[®] Scanner pendant une intervention sur le patient (p. ex., en peropératoire).

6. Installation et désinstallation

6.1. Configuration système requise

Lire les informations de cette section avant d'installer l'Histolog[®] Viewer.

6.1.1. Exigences liées au poste de travail

Avant d'installer l'Histolog[®] Viewer, s'assurer que le poste de travail répond aux exigences « minimales » suivantes :

	Recommandé	Minimum
Processeur	Processeur Intel Core i7 de 6 ^e génération ou équivalent	-
Type de disque	SSD recommandé pour des performances optimales	-
Espace disque disponible	Les besoins varient en fonction du flux de travail. Une image est ~1 Go. >50 Go est recommandé.	
Mémoire (RAM)	16 Go	8 Go
Systèmes d'exploitation pris en charge	Microsoft Windows 10 (64 bits) ou une version ultérieure	Microsoft Windows 7 (64 bits)
Port USB	Port USB 3.0 (avec droits d'accès complets aux clés USB)	Port USB (avec des droits d'accès complets aux clés USB)
Connectivité réseau	Gigabit Ethernet (1000 Mbps), Wi-Fi 5 (802.11ac) ou Wi-Fi 6 (802.11ax).	Fast Ethernet (100 Mbps) ou Wi-Fi 4 (802.11n).
Périphériques d'entrée	Souris et clavier	Souris (ou pavé tactile) et clavier

6.1.2. Exigences liées à l'écran

Avant d'installer l'Histolog[®] Viewer, s'assurer que votre écran répond aux exigences « minimales » suivantes :

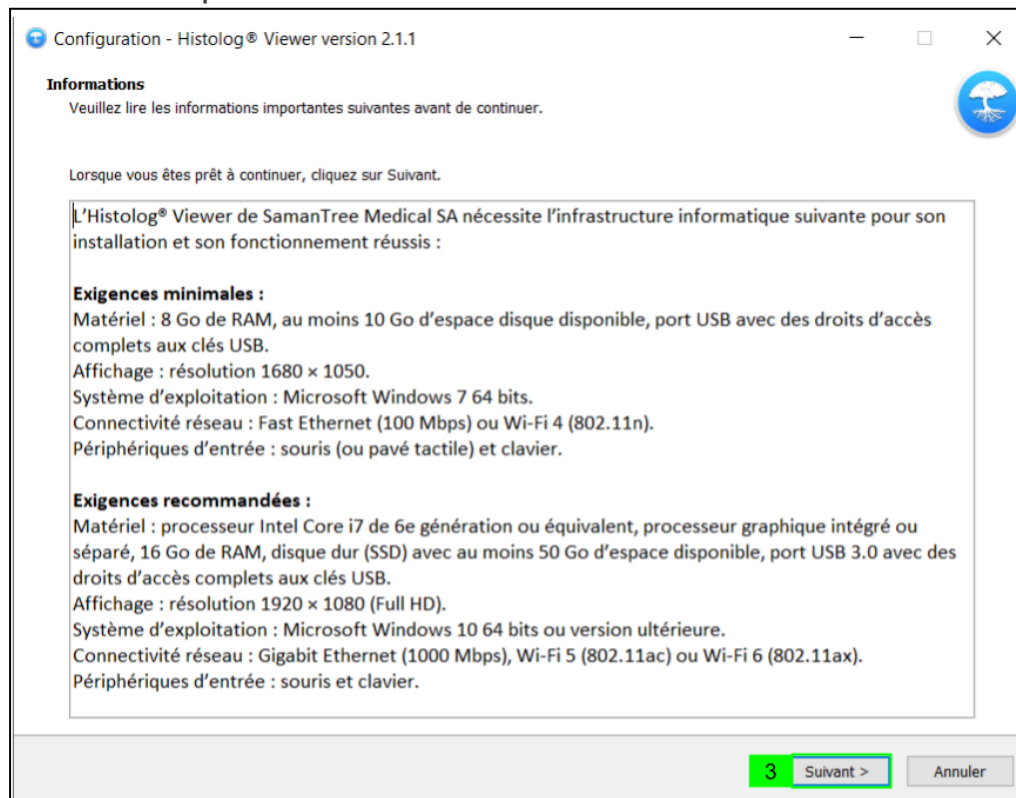
	Recommandé	Minimum
Résolution	1920 × 1080 pixels (Full HD)	1680 × 1050 pixels
Facteur d'échelle (affichage OS)	Doit être configuré sur 100 %	Doit être configuré sur 100 %

 **MISE EN GARDE** : ne pas utiliser l'Histolog[®] Viewer avec un poste de travail ou un écran qui ne répond pas aux exigences « minimales » spécifiées. Le non-respect de cette indication compromettra les performances de l'Histolog[®] Viewer.

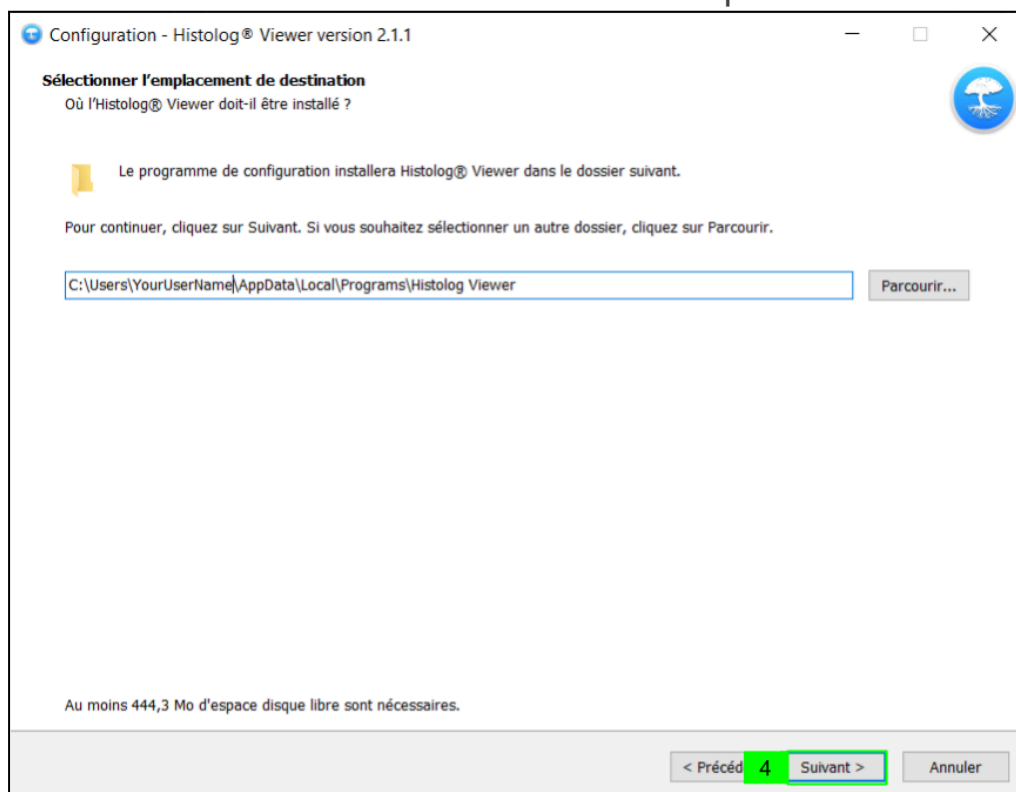
6.2. Installation de l'Histolog[®] Viewer

Installer l'Histolog[®] Viewer en suivant les étapes ci-dessous :

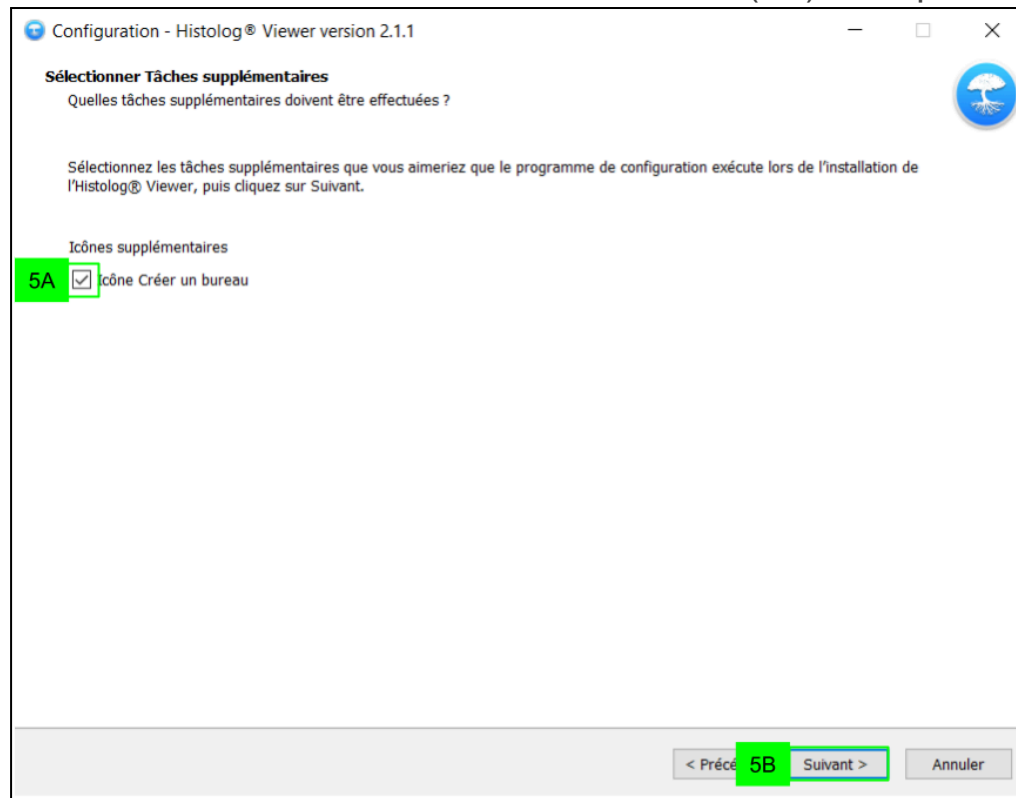
1. Se procurer auprès de votre contact agréé le fichier d'installation de l'Histolog[®] Viewer (.exe sur Microsoft Windows)
2. Double-cliquer sur le fichier d'installation pour lancer l'assistant d'installation
3. Passer en revue les informations sur les exigences minimales et recommandées, puis cliquer sur « Suivant » pour continuer



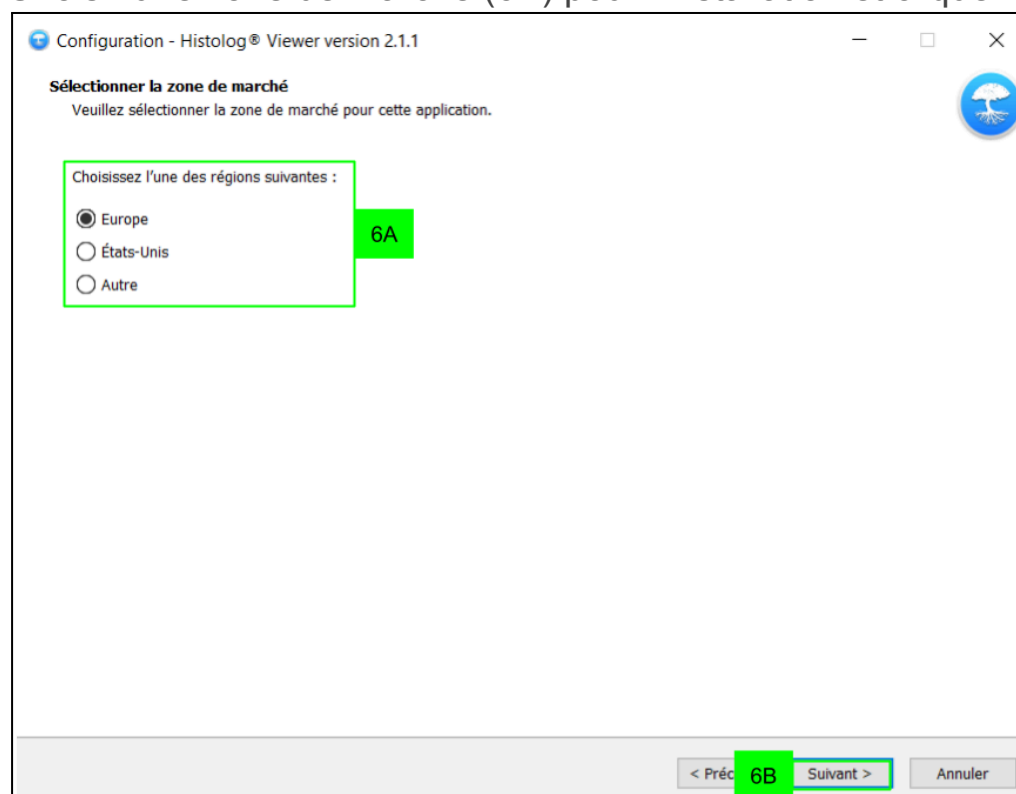
4. Sélectionner le dossier de destination et cliquer sur « Suivant » pour continuer



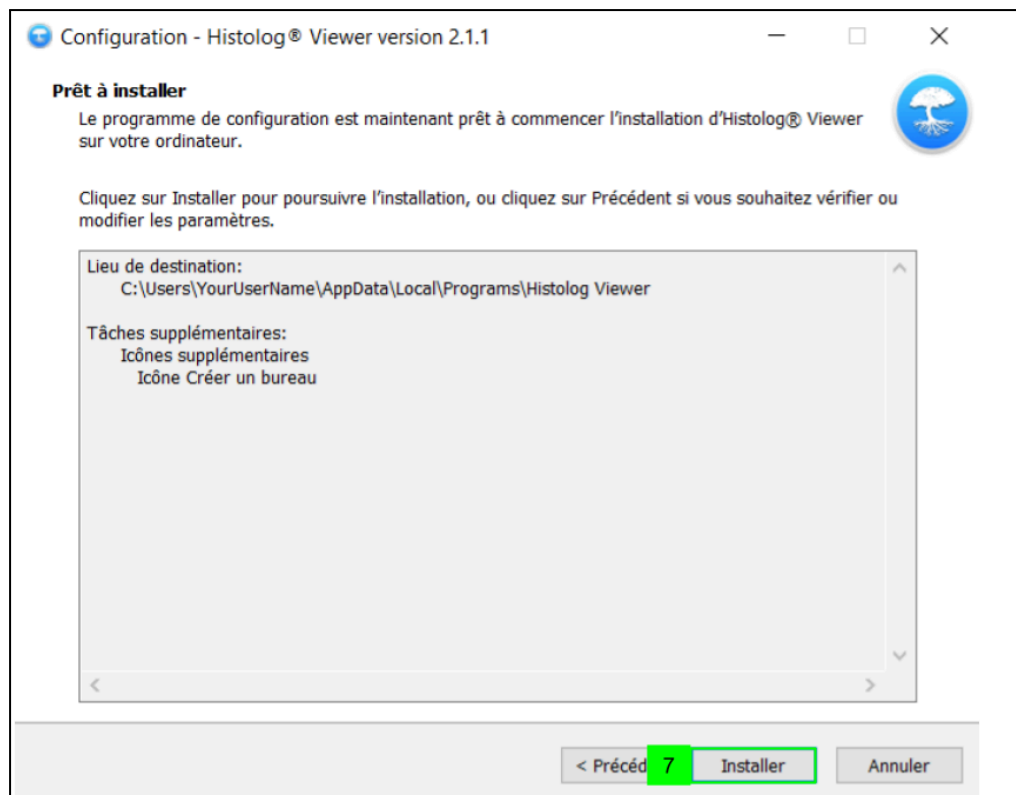
5. Choisir s'il faut créer un raccourci de bureau (5A) et cliquer sur « Suivant » (5B) pour continuer



6. Choisir une zone de marché (6A) pour l'installation et cliquer sur « Suivant » (6B)



7. Cliquer sur « Install » (« Installer »)



8. Terminer l'installation de l'Histolog® Viewer en cliquant sur le bouton « Finish » (« Terminer ») (8A) après avoir coché « Launch Histolog Viewer » (« Lancer Histolog Viewer ») (8B) ou sans lancer l'application.



REMARQUES

- Avant d'installer Histolog® Viewer, s'assurer que le poste de travail et l'écran répondent aux exigences minimales de la section [Configuration système requise](#).
- Avant l'installation, le programme d'installation Histolog® Viewer vérifiera que les exigences minimales de la section [Configuration système requise](#) sont satisfaites avant de procéder à l'installation.
- Si, pendant l'installation, des messages provenant de votre système d'exploitation ou d'un logiciel tiers apparaissent, vous devez consulter votre administrateur réseau pour obtenir de l'aide afin de résoudre ce problème avant de continuer.

6.3. Désinstallation de l'Histolog® Viewer

Pour Microsoft Windows :

Pour supprimer Histolog® Viewer, suivre les instructions de désinstallation d'une application de votre système d'exploitation.

7. Démarrage et fermeture

7.1. Démarrage de l'Histolog[®] Viewer

Pour Microsoft Windows :

Double-cliquer sur le raccourci Histolog[®] Viewer

ou

Cliquer sur le « logo Windows » dans la barre des tâches Windows et sélectionner « Histolog Viewer ».

7.2. Choix d'une source de données

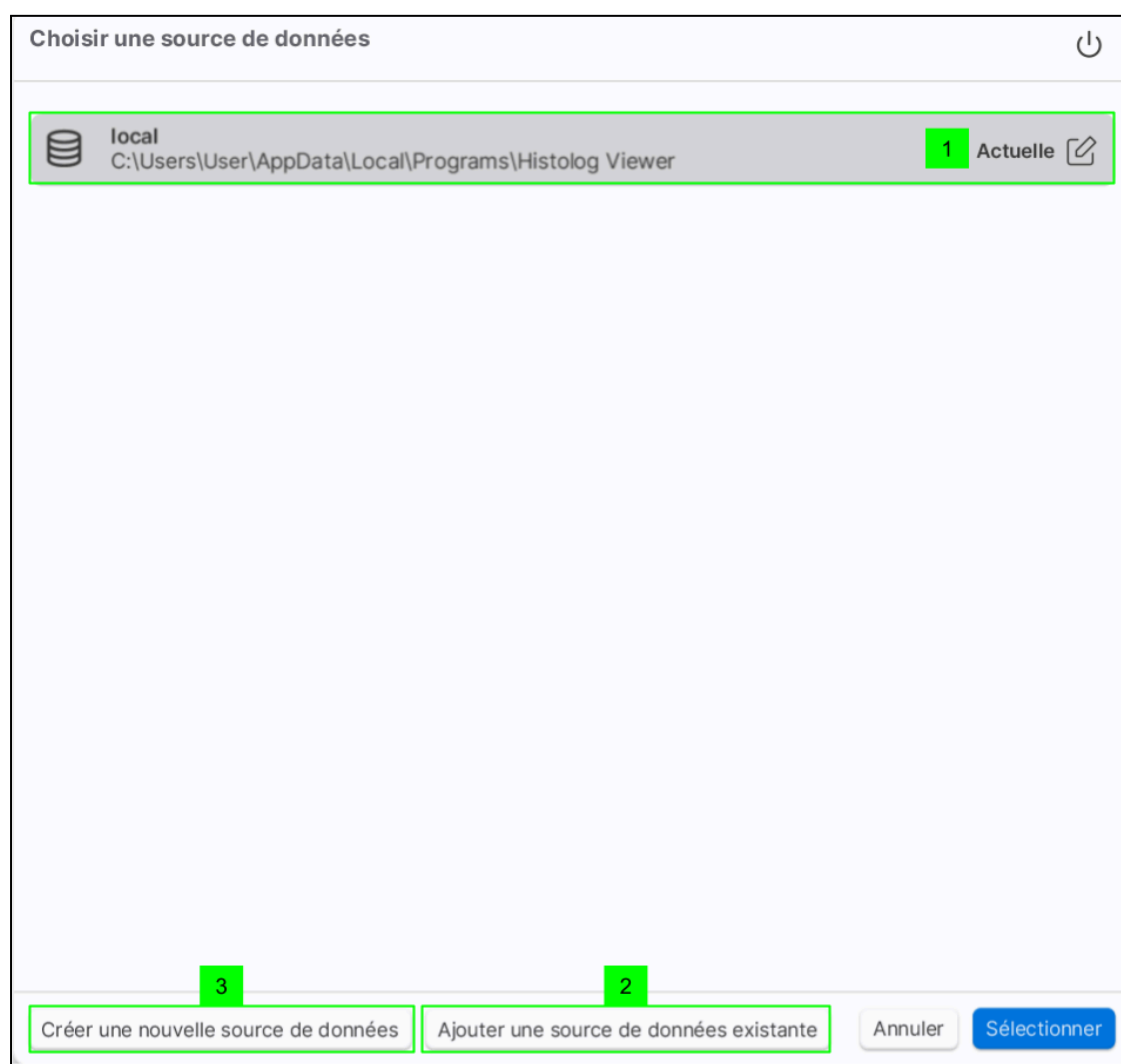
La boîte de dialogue permettant de choisir une source de données s'affiche après le démarrage de l'Histolog[®] Viewer.

1. Choisir parmi les sources de données disponibles en sélectionnant la source de données « local » (« locale »), en ajoutant une source de données existante (2) ou en créant une nouvelle source de données (3).

Lors du premier démarrage de l'Histolog[®] Viewer, une seule source de données (« local » (« locale »)) sera répertoriée (1). Il s'agit de la base de données locale qui appartient à l'Histolog[®] Viewer installé. Cette source de données n'est pas partagée avec d'autres installations de l'Histolog[®] Viewer.

Selon les droits d'accès attribués à leurs emplacements, les sources de données ajoutées et créées peuvent être utilisées à partir d'autres installations de l'Histolog[®] Viewer.

Voir la [section 8](#) « Utilisation de sources de données » pour obtenir des explications supplémentaires.



7.3. Connexion

La fenêtre de connexion utilisateur s'affiche pour permettre à l'utilisateur de se connecter à la source de données choisie.

7.3.1. Création d'un nouvel utilisateur et connexion

Choisir un utilisateur pour se connecter ou saisir un nouveau nom d'utilisateur

John Doe

John Doe

nouveau

Modifier la langue Précédent Suivant

1. Cliquer dans la zone de texte
2. Écrire le nom du nouvel utilisateur

REMARQUE : en saisissant le nom, il sera ajouté en tant qu'utilisateur à la liste avec la mention « Nouveau »

3. Choisir le nouvel utilisateur dans la liste ci-dessous
4. Cliquer sur « Suivant » pour continuer ou sur « Précédent » pour revenir à l'écran Source de données

Créer un mot de passe pour le nouvel utilisateur

Saisissez le mot de passe

Créer

Précédent

5. Afficher le formulaire « Créer un mot de passe pour le nouvel utilisateur »
6. Cliquer dans la zone de texte « Saisissez le mot de passe »
7. Saisir un nouveau mot de passe

REMARQUE : le mot de passe peut être de n'importe quelle longueur et est sensible à la casse

8. Cliquer dans la zone de texte « Confirmer le mot de passe »
9. Confirmer le mot de passe
10. Cliquer sur l'icône « Afficher/masquer » pour afficher/comparer les mots de passe (facultatif)
11. Cliquer sur le bouton « Créer »

7.3.2. Connexion avec un utilisateur existant

1. Sélectionner l'utilisateur dans la liste

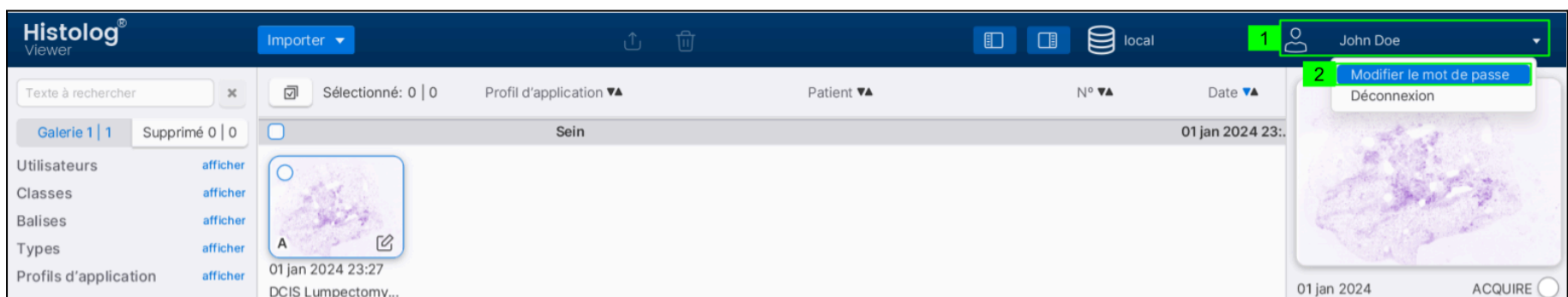
REMARQUE : la saisie d'une chaîne de caractères dans la zone de texte (A) filtre le contenu de la liste pour n'afficher que les noms d'utilisateurs contenant cette chaîne de caractères.

2. Cliquer sur « Suivant » ou double-cliquer sur le nom de l'utilisateur
3. Afficher le formulaire « Saisissez le mot de passe »

4. Saisir le mot de passe
5. Cliquer sur l'icône « Afficher/masquer » pour afficher le mot de passe saisi
6. Cliquer sur « Connexion »

7.3.3. Déconnexion

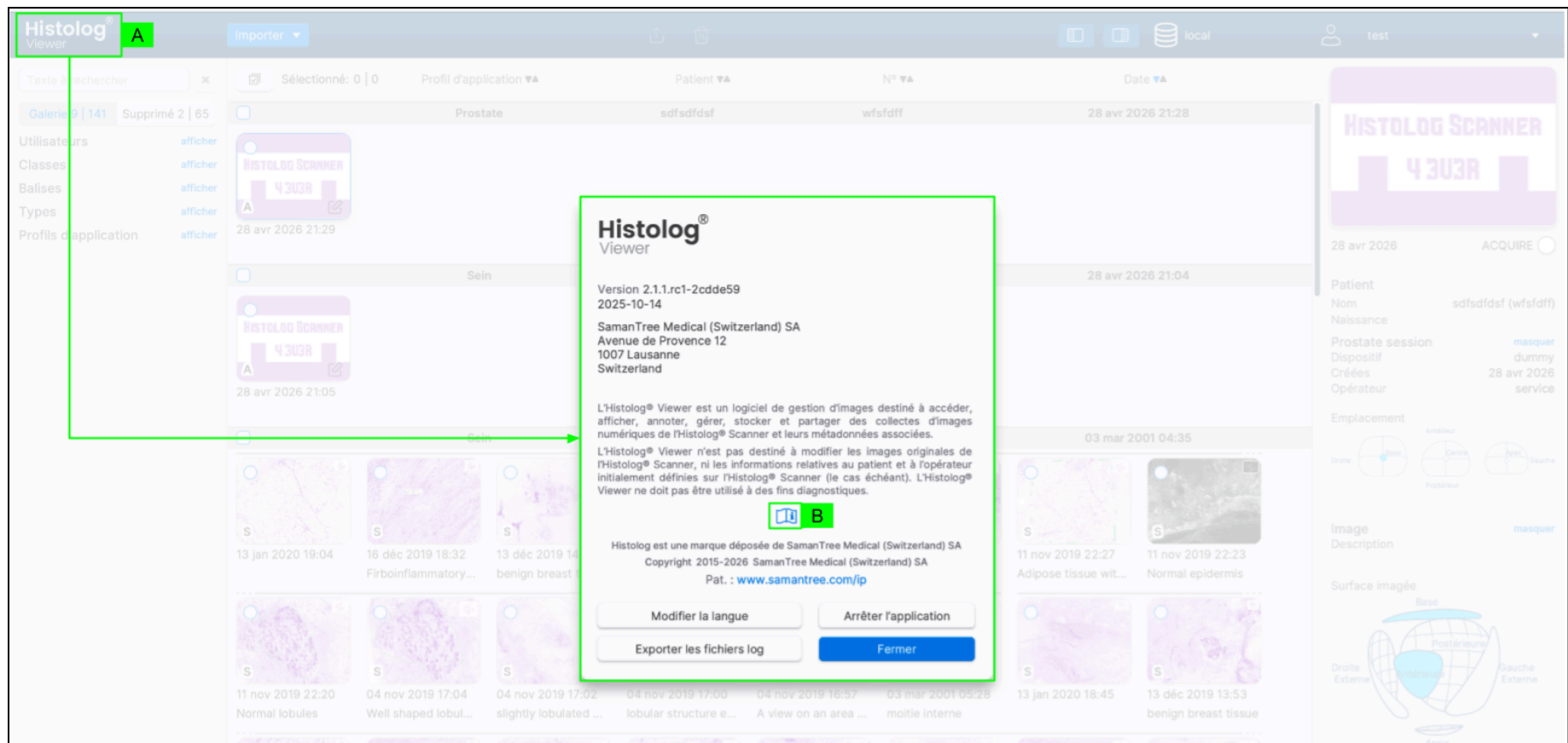
Utiliser cette option dans le menu Compte utilisateur lors de la connexion à l'application Histolog[®] Viewer.



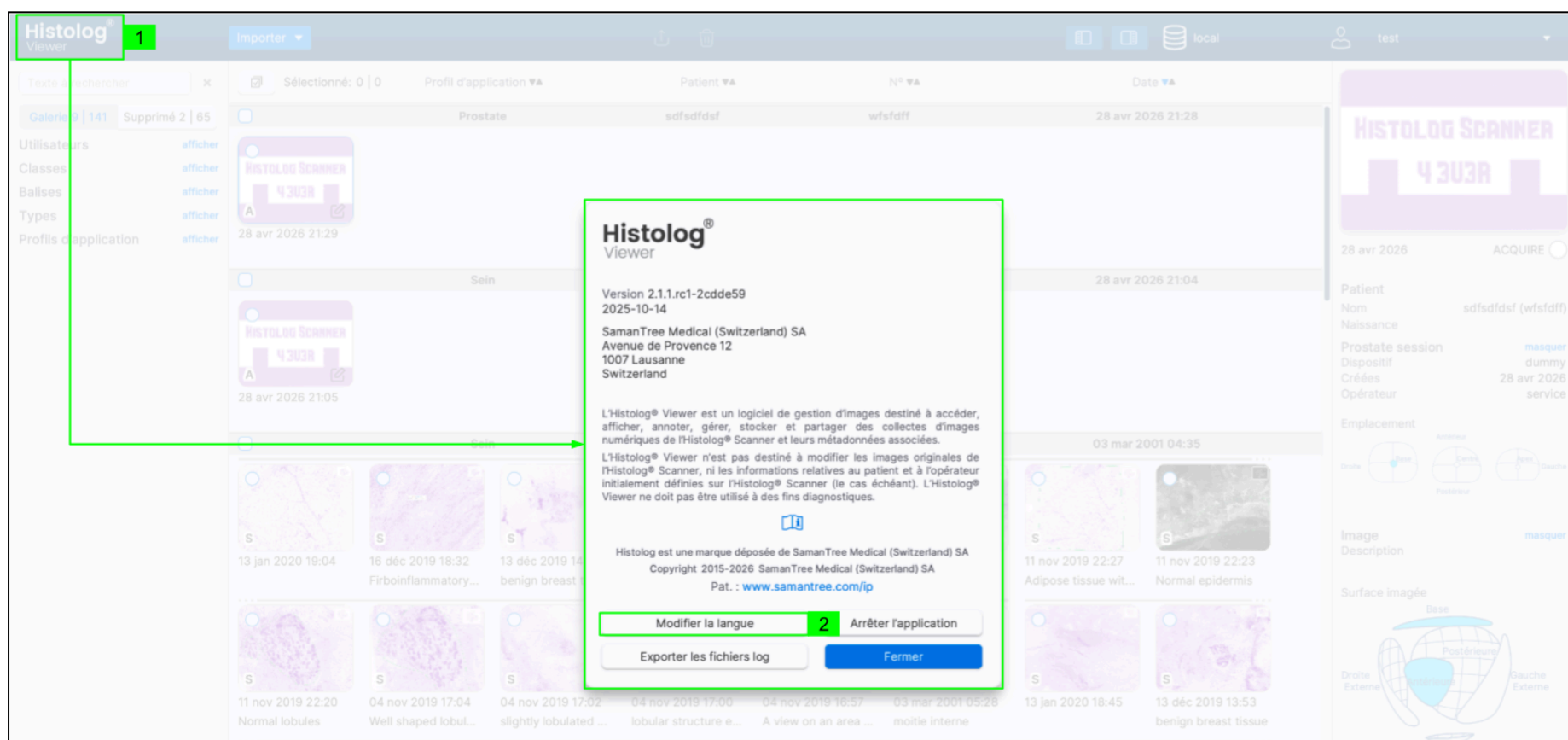
1. Cliquer sur le menu « Compte utilisateur »
2. Choisir l'option « Déconnexion »
3. Afficher la fenêtre de connexion utilisateur

7.4. Affichage des informations sur le produit (dans la fenêtre À propos)

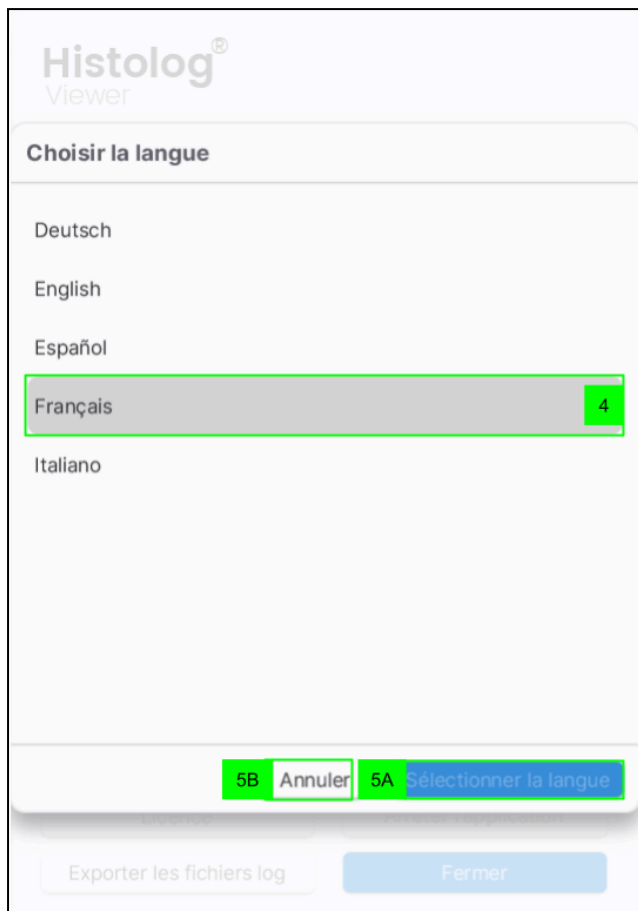
Des informations sur l'Histolog[®] Viewer sont disponibles pendant la procédure de démarrage lors du lancement du logiciel ou en cliquant sur le logo Histolog[®] Viewer (A). L'utilisateur peut ouvrir le mode d'emploi en cliquant sur l'icône correspondante (B).



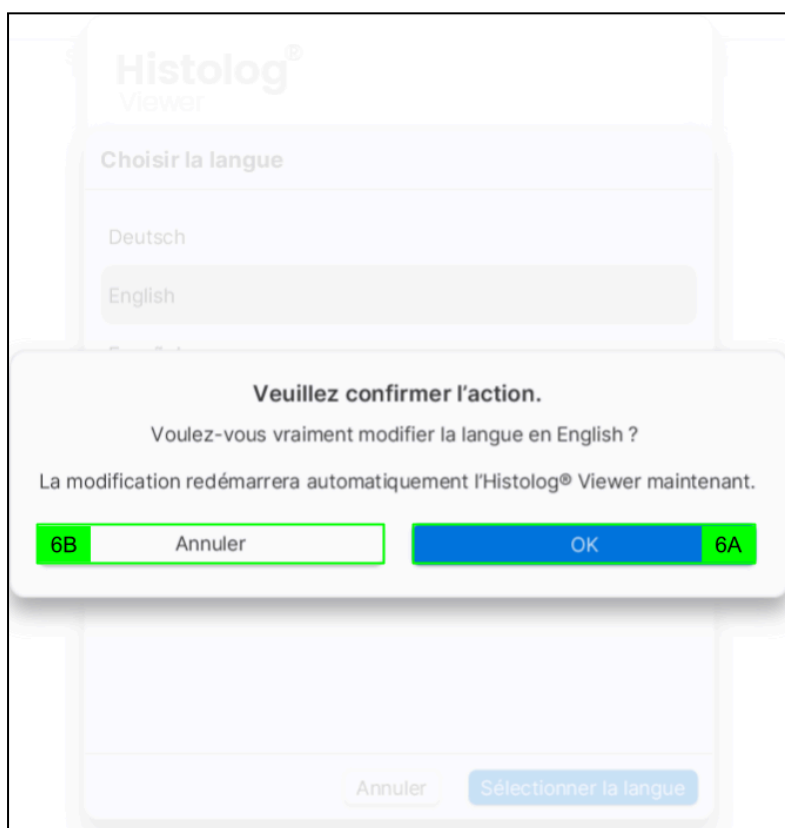
7.5. Modification de la langue de l'interface utilisateur



1. Cliquer sur le logo « Histolog® Viewer » pour ouvrir la fenêtre « À propos »
2. Cliquer sur le bouton « Modifier de langue »
3. Afficher les options de langue de l'interface utilisateur disponibles
4. Choisir la langue souhaitée
5. Sélectionner la langue choisie (5A) ou annuler la modification de la langue (5B)

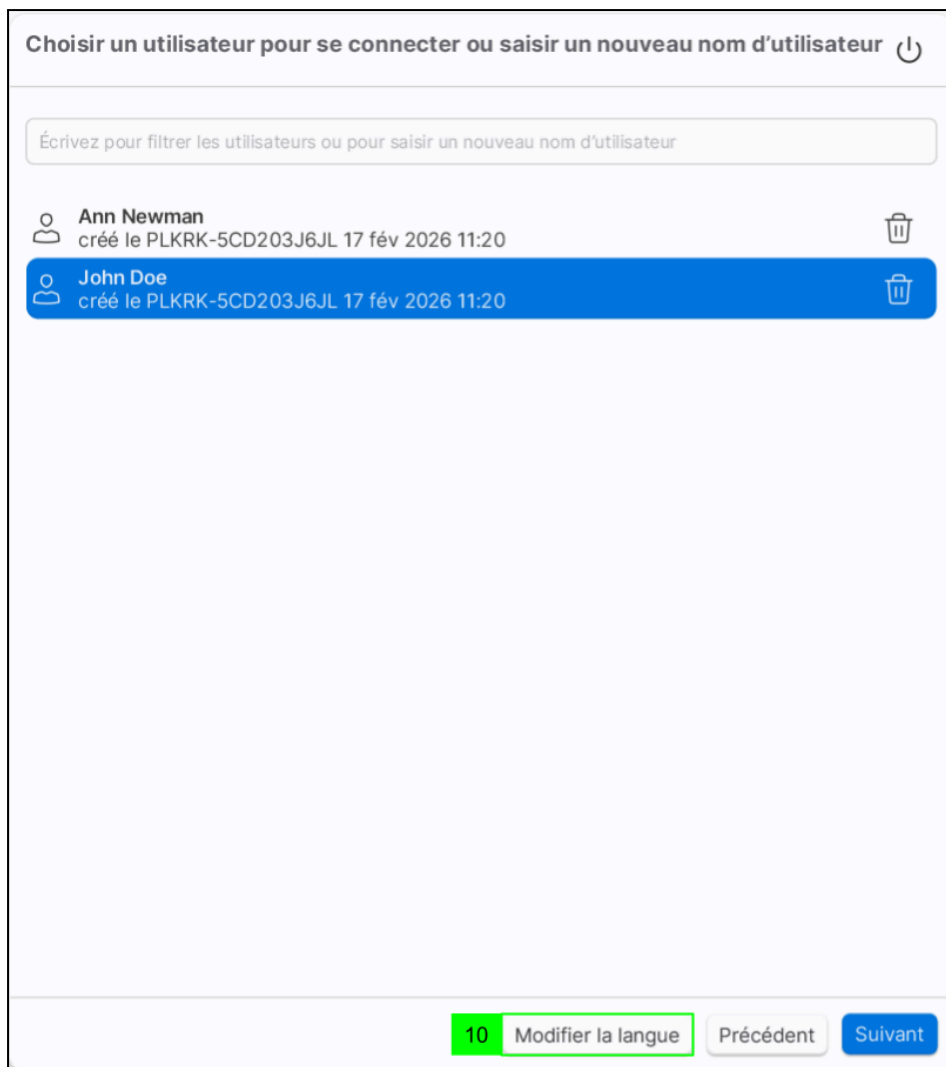


6. Afficher la boîte de dialogue de confirmation avec l'avertissement concernant le redémarrage de l'application nécessaire après la modification de la langue. Confirmer l'action (6A) ou revenir à la liste des langues (6B)



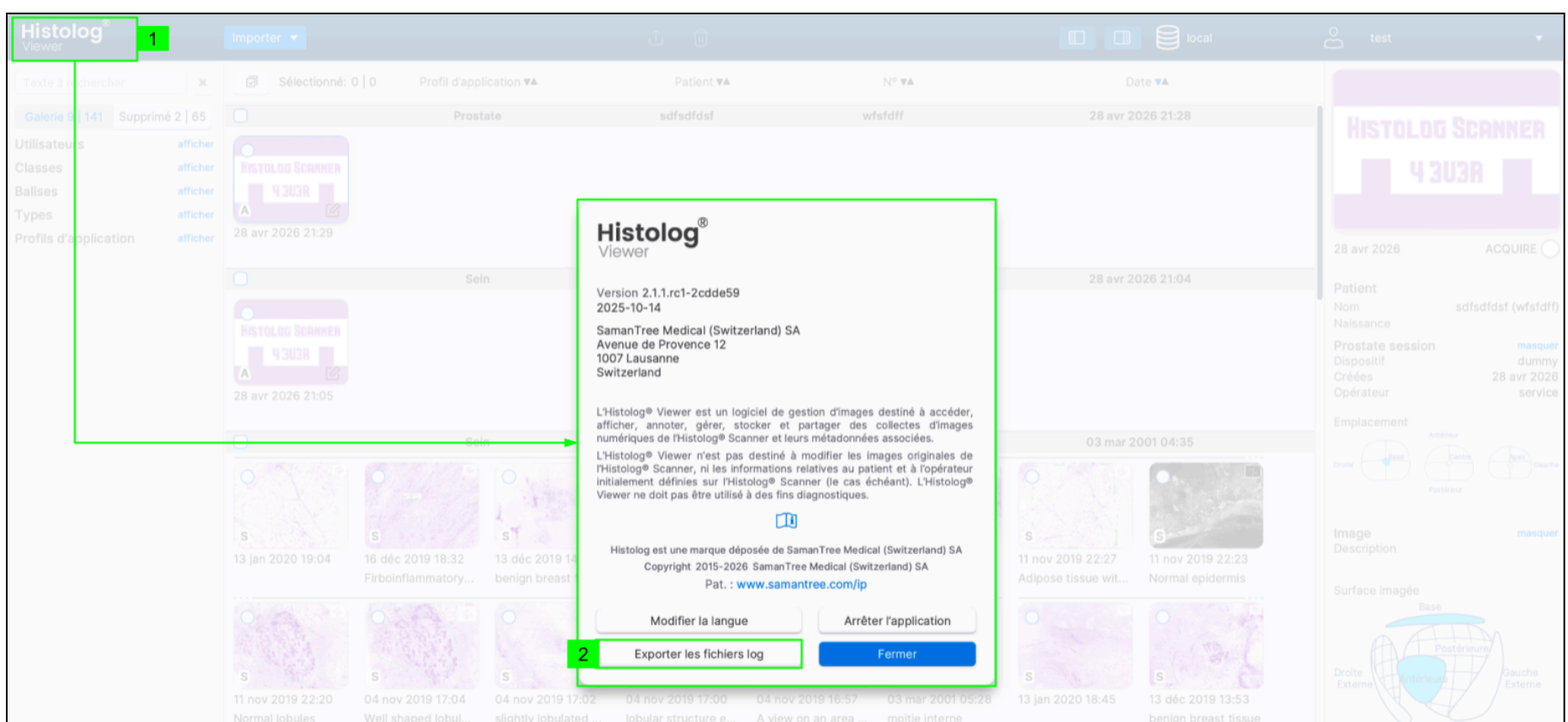
7. Vérifier que l'application est redémarrée avec son interface utilisateur présentée dans la langue choisie
Ou bien,

8. Choisir l'option « Modifier la langue » dans la liste des utilisateurs de l'écran « Connexion »



9. Suivre les étapes 3 à 6

7.6. Exportation des fichiers log



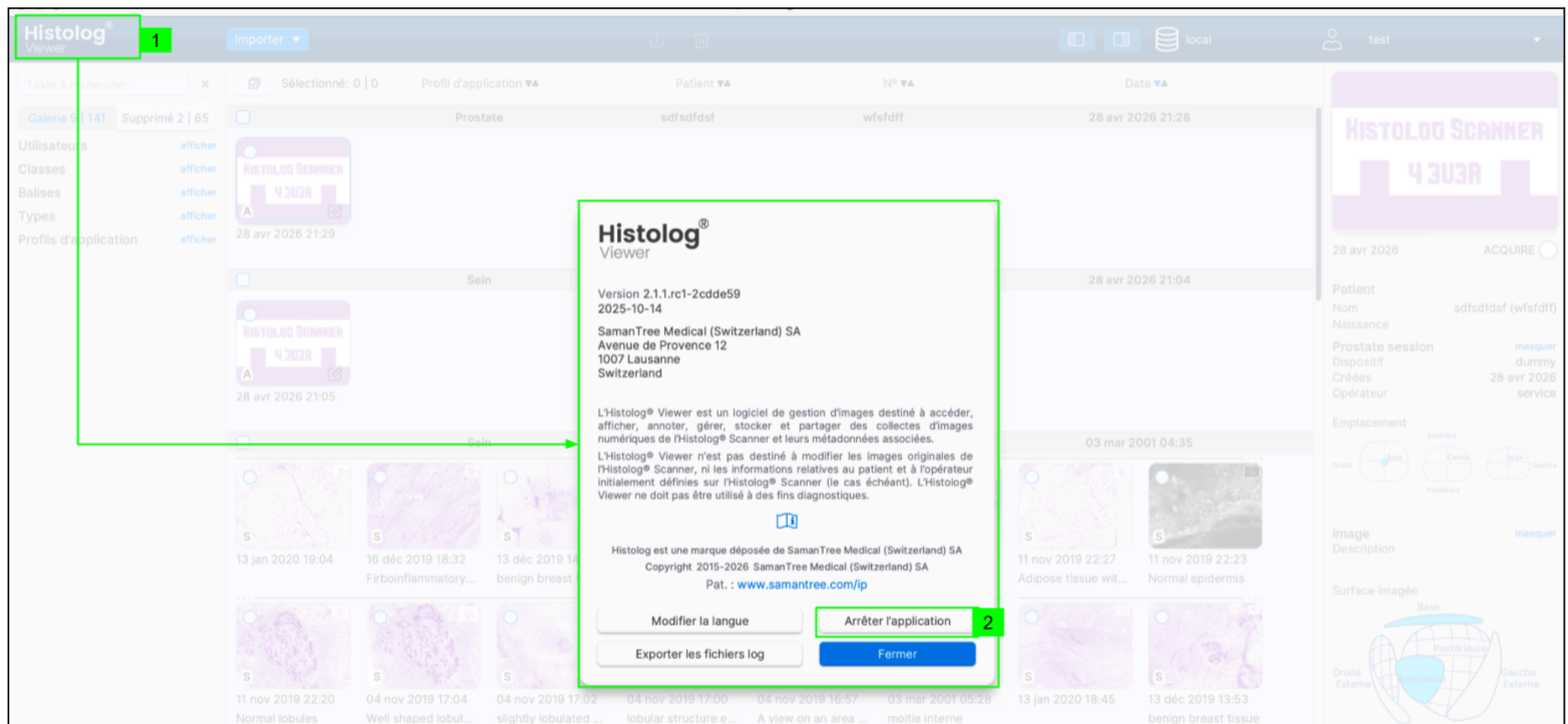
L'utilisateur peut exporter les logs soit sur un disque local, soit vers le serveur de SamanTree Medical :

1. Cliquer sur le logo « Histolog® Viewer » pour ouvrir la fenêtre À propos
2. Choisir l'option « Exporter les fichiers log »
3. Choisir entre les options “Exporter sur un disque local” ou “XXX”
4. Sélectionner le dossier pour enregistrer les logs (option disponible seulement lorsque les logs sont exportés sur un disque local)
5. Afficher le processus d'exportation

REMARQUE : l'utilisateur peut interrompre le processus d'exportation en l'abandonnant grâce à l'option correspondante.

REMARQUE : l'utilisateur peut trouver les logs exportés dans le dossier sélectionné.

7.7. Fermeture de l'Histolog® Viewer



Il existe trois options pour quitter l'application Histolog® Viewer :

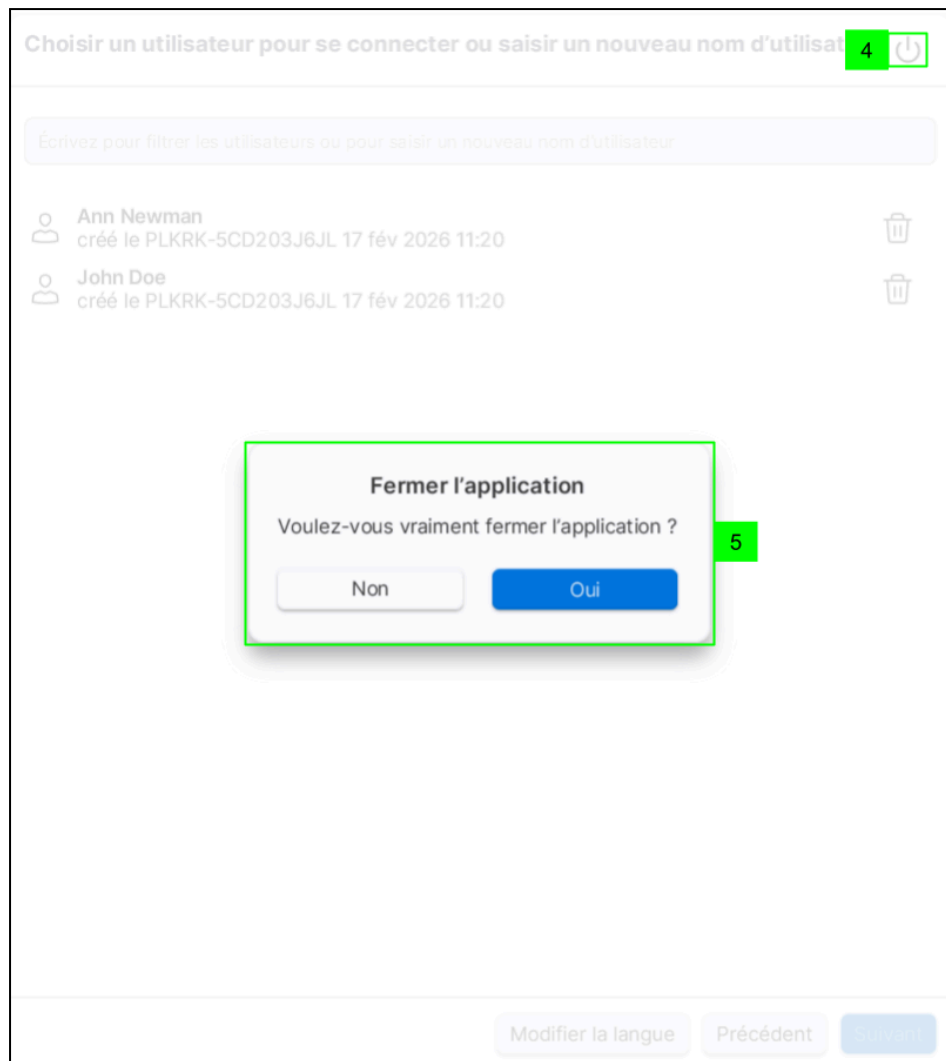
1. Cliquer sur le logo Histolog® Viewer pour ouvrir la fenêtre À propos
2. Cliquer sur « Arrêter l'application ».

Comme alternative,

3. Cliquer sur le bouton X en haut à droite (pour Microsoft Windows) de l'Histolog® Viewer pour le fermer.

Ou bien,

4. Cliquer sur l'icône d'« alimentation » sur l'écran Connexion
5. Confirmer la fermeture de l'application



8. Utilisation de sources de données

L'application Histolog® Viewer permet aux utilisateurs d'utiliser différentes sources de données alternatives. Une source de données présente un ensemble d'images Histolog® avec leurs métadonnées. La section 6.3 a introduit le choix initial de la source de données locale. Cette section indique aux utilisateurs comment utiliser plusieurs sources de données à partir d'une seule installation de l'Histolog® Viewer.

8.1. Création d'une nouvelle source de données

Un utilisateur d'un Histolog® Viewer peut créer une nouvelle source de données. Une telle nouvelle source de données ne dépend pas d'une installation particulière de l'Histolog® Viewer. Elle peut être utilisée depuis l'Histolog® Viewer où elle a été créée, ou depuis d'autres Histolog® Viewers.

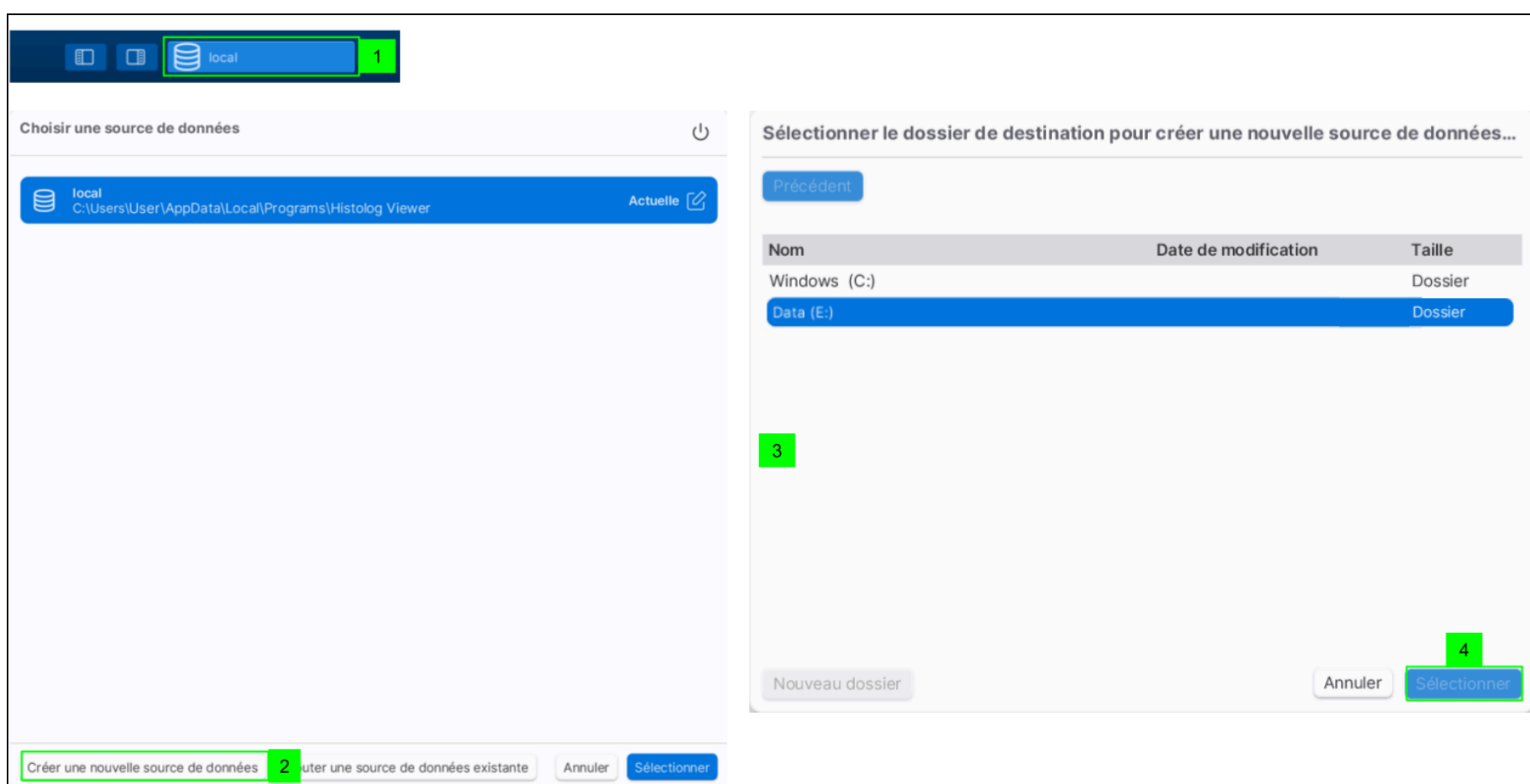
REMARQUE : un seul Histolog® Viewer peut fonctionner sur une source de données donnée à la fois. Si plus d'un Histolog® Viewer tente de se connecter à la même source de données, la première d'entre elles occupera la connexion et les autres recevront un message d'avertissement informant leurs utilisateurs que la source de données est occupée à ce moment.

Pour créer une nouvelle source de données :

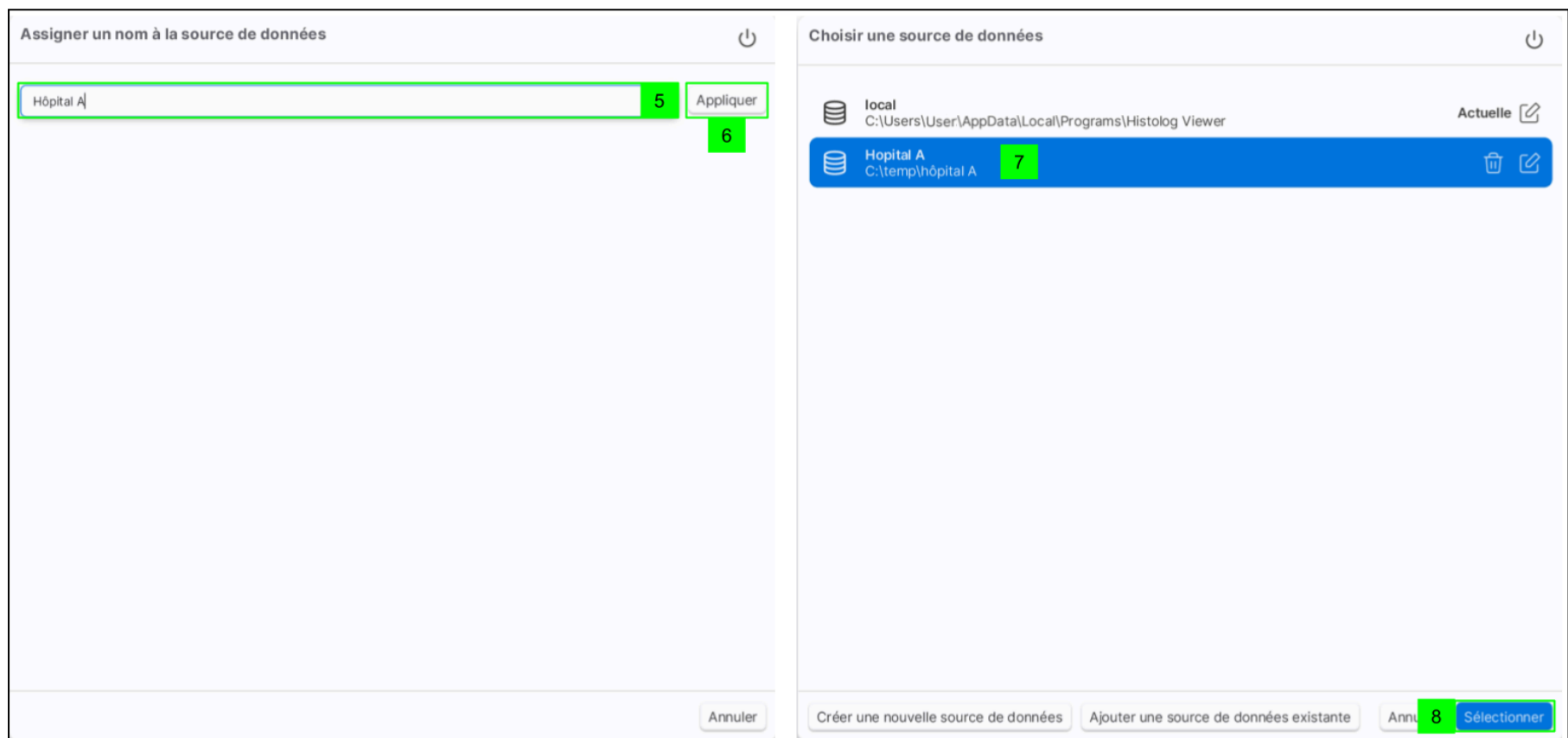
1. Cliquer sur le bouton qui indique la source de données actuellement connectée. L'application affiche une boîte de dialogue pour choisir une source de données pour la connexion de l'Histolog® Viewer.
2. Cliquer sur le bouton « Créer une nouvelle source de données ». L'application affiche une boîte de dialogue permettant de sélectionner un dossier dans lequel la nouvelle source de données doit être créée.
3. Utiliser la boîte de dialogue de sélection de dossier pour sélectionner un dossier sur le système de fichiers où la nouvelle source de données doit être créée. Le dossier peut être sélectionné ou créé soit sur un disque local, soit sur un autre disque connecté à l'ordinateur où l'Histolog® Viewer est installé (par exemple, sur un disque réseau partagé ou sur une clé USB).

REMARQUE : l'utilisation de sources de données qui se trouvent sur des disques réseau partagés est uniquement prise en charge sur les ordinateurs Microsoft Windows.

4. Cliquer sur le bouton « Sélectionner ». Une fois le dossier sélectionné, l'application affiche une boîte de dialogue permettant de donner un nom à la nouvelle source de données.



5. Saisir le nom de la source de données souhaitée dans le champ de texte correspondant. Ce nom sera utilisé pour faire référence à la nouvelle source de données uniquement dans l'installation actuelle de l'Histolog® Viewer. D'autres Histolog® Viewers pourront définir leurs propres noms pour la même source de données.
6. Cliquer sur le bouton « Appliquer ». L'Histolog® Viewer crée la nouvelle source de données. Une fois la source de données créée, elle apparaît dans la liste des sources de données disponibles.
7. Sélectionner la source de données nouvellement créée.
8. Cliquer sur le bouton « Sélectionner » pour vous connecter à la source de données nouvellement créée.



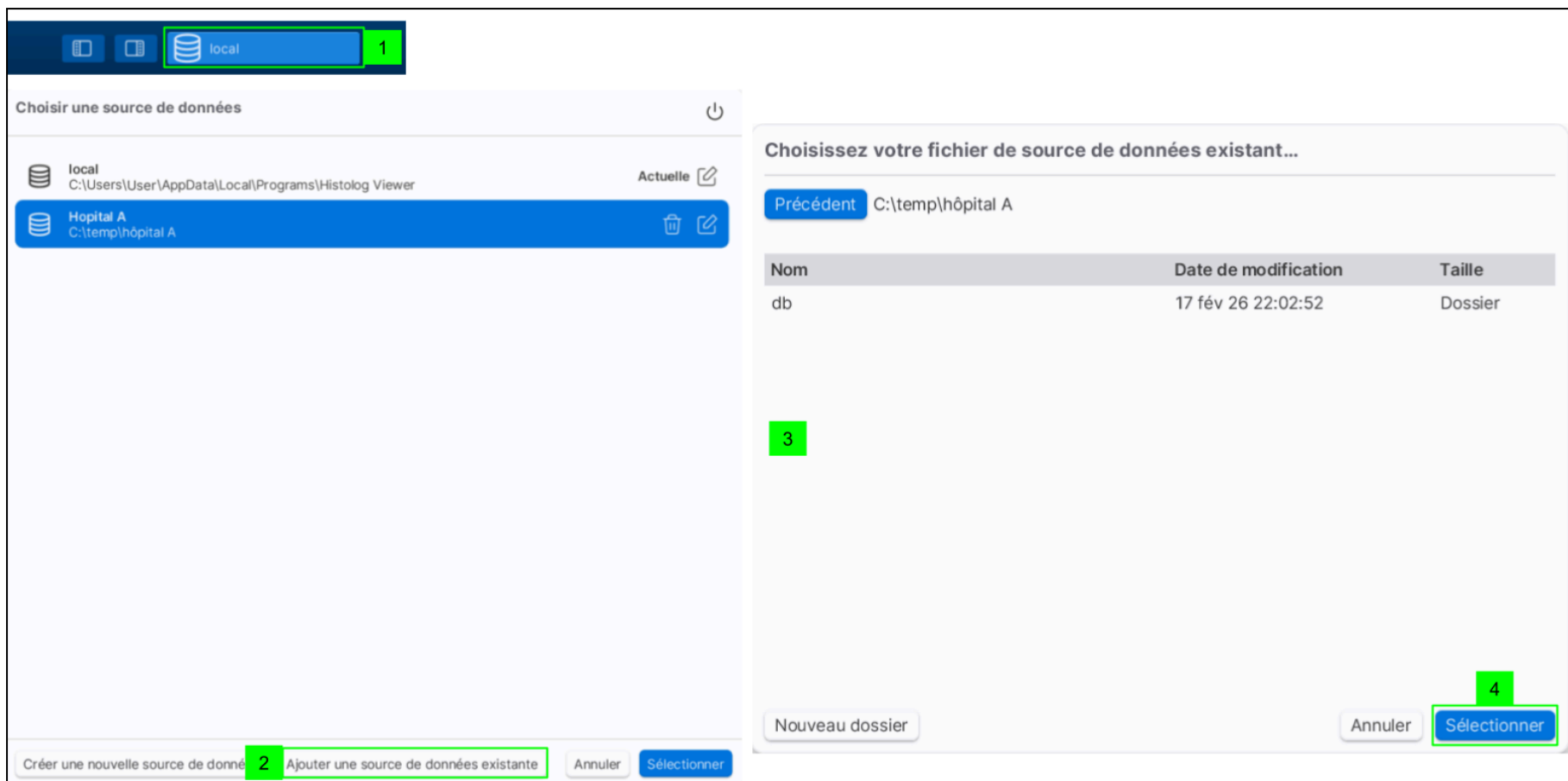
8.2. Ajout d'une source de données existante

Un utilisateur d'un Histolog® Viewer peut ajouter une source de données existante à la liste des sources de données qui peuvent être utilisées à partir de l'Histolog® Viewer. Pour être ajoutée, une source de données existante doit avoir été précédemment créée par un Histolog® Viewer.

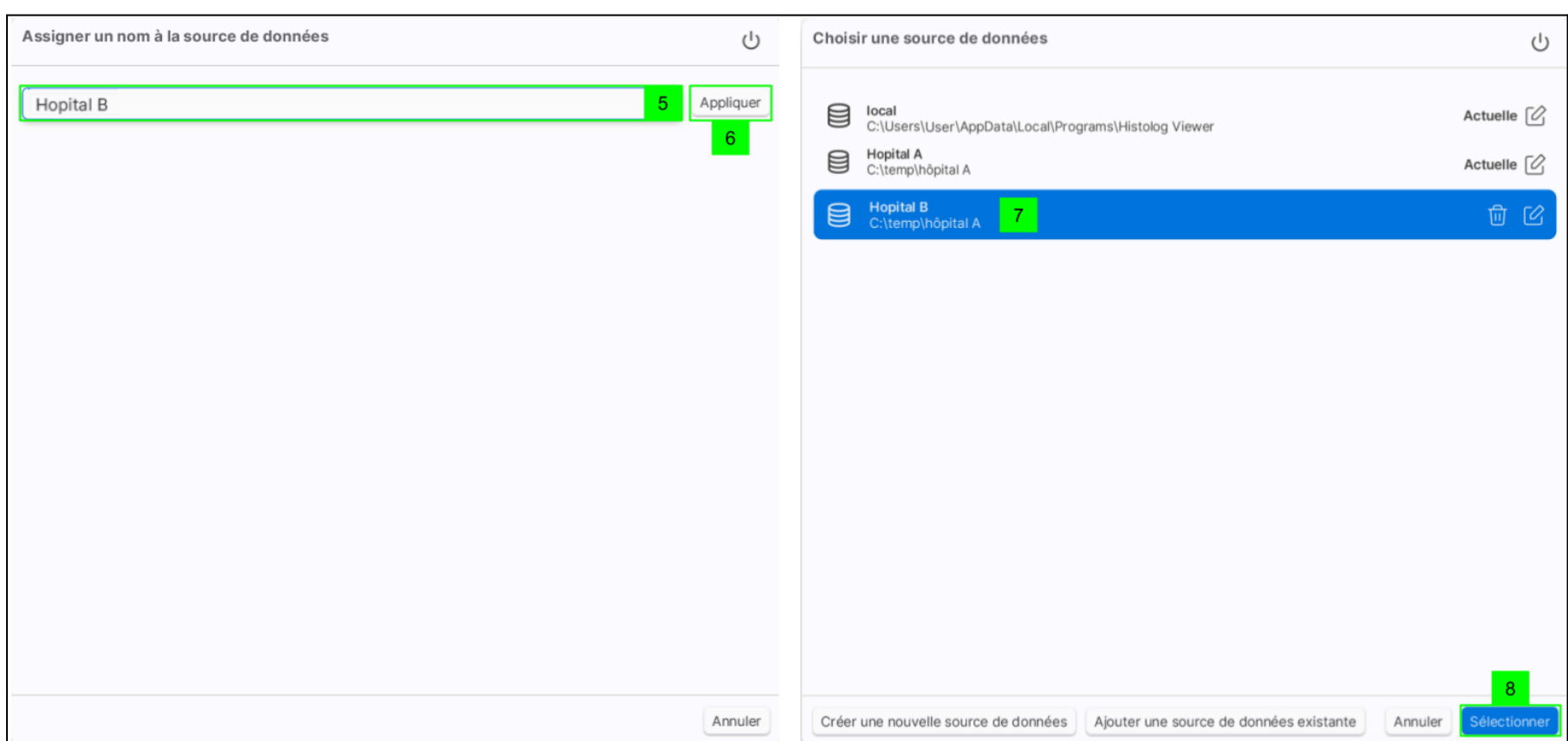
Pour ajouter une source de données existante :

1. Cliquer sur le bouton qui indique la source de données actuellement connectée. L'application affiche une boîte de dialogue pour choisir une source de données pour la connexion de l'Histolog® Viewer.
2. Cliquer sur le bouton « Ajouter une source de données existante ». L'application affiche une boîte de dialogue permettant de sélectionner un dossier dans lequel se trouve la source de données existante à ajouter.
3. Utiliser la boîte de dialogue de sélection de dossier pour sélectionner un dossier sur le système de fichiers où se trouve le dossier « db » de la source de données existante. Le dossier peut être sélectionné soit sur un disque local, soit sur un autre disque connecté à l'ordinateur où l'Histolog® Viewer est installé (par exemple, sur un disque réseau partagé ou sur une clé USB).

REMARQUE : l'utilisation de sources de données qui se trouvent sur des disques réseau partagés est uniquement prise en charge sur les ordinateurs Microsoft Windows.



4. Cliquer sur le bouton « Sélectionner ». Une fois le dossier sélectionné, l'application affiche une boîte de dialogue permettant de donner un nom à la source de données en cours d'ajout.
5. Saisir le nom de la source de données souhaitée dans le champ de texte correspondant. Ce nom sera utilisé pour faire référence à la source de données nouvellement ajoutée uniquement dans l'installation actuelle de l'Histolog® Viewer. D'autres Histolog® Viewers pourront définir leurs propres noms pour la même source de données.
6. Cliquer sur le bouton « Appliquer ». L'Histolog® Viewer ajoute la source de données. Une fois la source de données ajoutée, elle apparaît dans la liste des sources de données disponibles.
7. Sélectionner la source de données nouvellement ajoutée.
8. Cliquer sur le bouton « Sélectionner » pour vous connecter à la source de données nouvellement ajoutée.



REMARQUE : si une source de données qui a été ajoutée à un Histolog® Viewer n'est plus disponible (par exemple, elle se trouve sur un dispositif de stockage USB qui n'est plus connecté à l'ordinateur), l'entrée correspondante dans la liste des sources de données disponibles est affichée en gris, indiquant qu'il est actuellement impossible de se connecter à la source de données. L'entrée est affichée en noir, avec la possibilité de se connecter, dès que la source de données redevient disponible.

8.3. Modification du nom d'une source de données existante

Un utilisateur peut modifier les noms des sources de données auxquelles il est possible de se connecter à partir de l'Histolog[®] Viewer. Pour modifier le nom d'une source de données, cliquer sur le bouton  à côté de la source de données. Ce nom sera utilisé pour faire référence à la source de données uniquement dans l'installation actuelle de l'Histolog[®] Viewer. D'autres Histolog[®] Viewers pourront définir leurs propres noms pour la même source de données.

8.4. Suppression d'une source de données existante

Un utilisateur peut supprimer une source de données de la liste des sources de données auxquelles il est possible de se connecter à partir de l'Histolog[®] Viewer. Pour supprimer une source de données, cliquer sur le bouton  à côté de la source de données.

REMARQUES :

- la source de données actuellement connectée et la source de données locale ne peuvent pas être supprimées de la liste.
- La suppression d'une source de données existante la retire uniquement localement de la liste des sources de données disponibles pour la connexion depuis l'installation actuelle de Histolog[®] Viewer. Cela n'a aucun impact sur les données contenues dans la source de données.

9. Gestion des comptes utilisateur

L'Histolog[®] Viewer met en œuvre un système de gestion de compte utilisateur pour associer des actions effectuées sur des images (p. ex., importation ou annotation) à un utilisateur. Par conséquent, il est nécessaire de se connecter avec un compte utilisateur (voir la section [Connexion](#)) pour utiliser l'Histolog[®] Viewer.

REMARQUE : le système de gestion des comptes utilisateur ne contrôle pas quel contenu est mis à la disposition des utilisateurs. Tous les utilisateurs d'un Histolog[®] Viewer donné ont accès à toutes les données qu'il contient.

9.1. Création d'un nouveau compte utilisateur

De nouveaux comptes utilisateur peuvent être créés à partir de l'écran Connexion.

9.1.1. Création d'un nouveau compte utilisateur lors de la connexion

1. Cliquer dans la zone de texte
2. Écrire le nom du nouvel utilisateur

REMARQUE : en saisissant le nom, il sera ajouté en tant qu'utilisateur à la liste avec la mention « Nouveau »

REMARQUE : la saisie d'une chaîne de caractères dans la zone de texte (A) filtre le contenu de la liste pour n'afficher que les noms d'utilisateurs contenant cette chaîne de caractères.

3. Choisir le nom d'utilisateur saisi dans la liste
4. Cliquer sur « Suivant »

Créer un mot de passe pour le nouvel utilisateur

6 Saisissez le mot de passe 7 10 [icône] Créer 11

8 [zone de texte] 9 [zone de texte]

Précédent

- Afficher le formulaire « Créer un mot de passe pour le nouvel utilisateur »
- Cliquer dans la zone de texte « Saisissez le mot de passe »
- Saisir un nouveau mot de passe
- Cliquer dans la zone de texte « Confirmer le mot de passe »
- Confirmer le mot de passe
- Cliquer sur l'icône « Afficher/masquer » pour afficher/comparer les mots de passe (facultatif)
- Cliquer sur le bouton « Créer »

9.1.2. Gestion du mot de passe utilisateur

Cette option est disponible une fois que l'utilisateur s'est connecté à l'application Histolog[®] Viewer.

Histolog[®] Viewer

Importer

1 John Doe

2 Modifier le mot de passe

2 Déconnexion

Texte à rechercher x

Sélectionné: 0 | 0

Profil d'application ▼▲

Patient ▼▲

N° ▼▲

Date ▼▲

Galerie 1 | 1

Supprimé 0 | 0

Utilisateurs afficher

Classes afficher

Balises afficher

Types afficher

Profils d'application afficher

Sein

01 jan 2024 23:27

DCIS Lumpectomy...

01 jan 2024

ACQUIRE

- Cliquer sur le menu « Compte utilisateur »
- Choisir l'option « Modifier le mot de passe »

Mettre à jour le mot de passe

Mot de passe actuel 4 [zone de texte] [icône]

Nouveau mot de passe 5 [zone de texte] [icône]

Confirmer le nouveau mot de passe 6 [zone de texte] 7

8 Appliquer Annuler

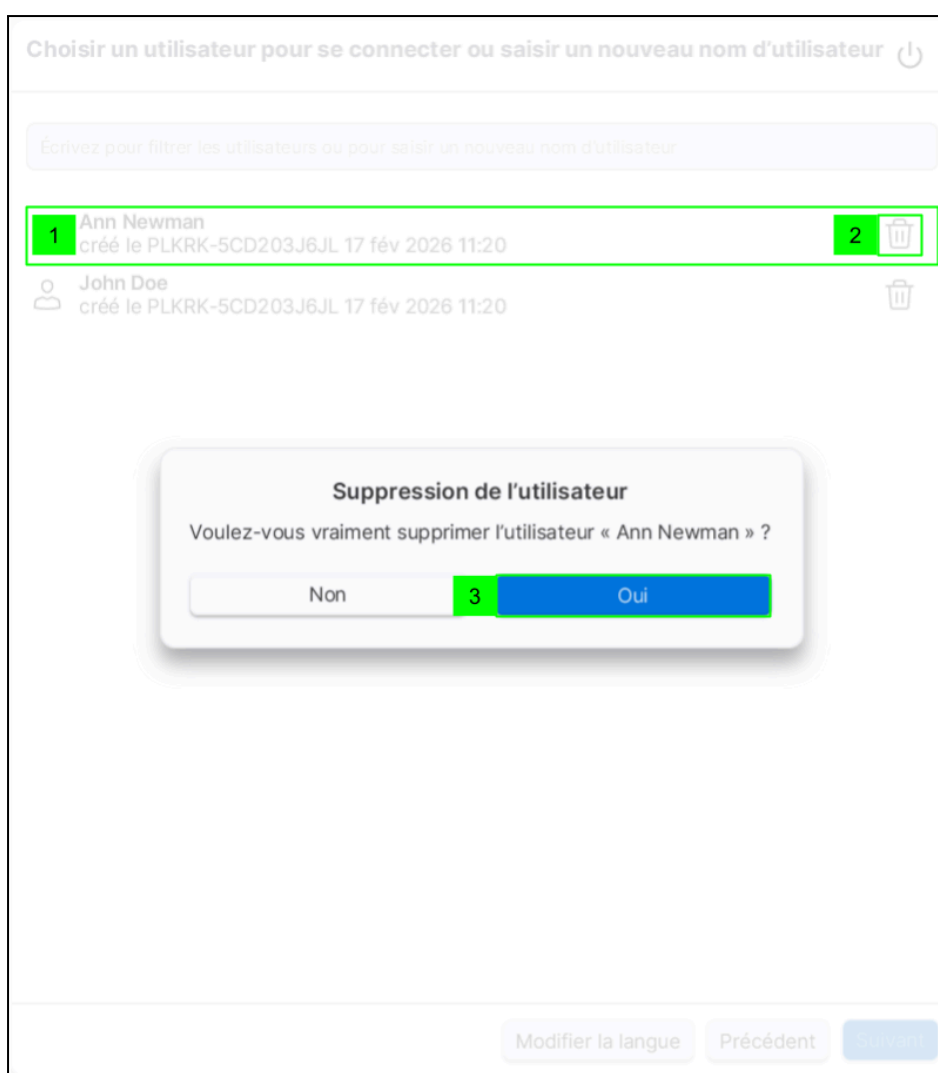
3. Afficher la fenêtre « Mettre à jour le mot de passe »
4. Saisir le mot de passe actuel

REMARQUE : les règles de mot de passe sont les mêmes que celles de la [p. 7.4.1](#)

5. Saisir un nouveau mot de passe
6. Confirmer le nouveau mot de passe
7. Cliquer sur l'icône « Afficher/masquer » pour afficher/comparer les mots de passe (facultatif)
8. Cliquer sur le bouton « Appliquer »
9. Poursuivre la session avec le nouveau mot de passe

9.2. Suppression d'un compte utilisateur

Les comptes utilisateur peuvent être supprimés si leurs utilisateurs correspondants n'utilisent plus l'Histolog[®] Viewer.

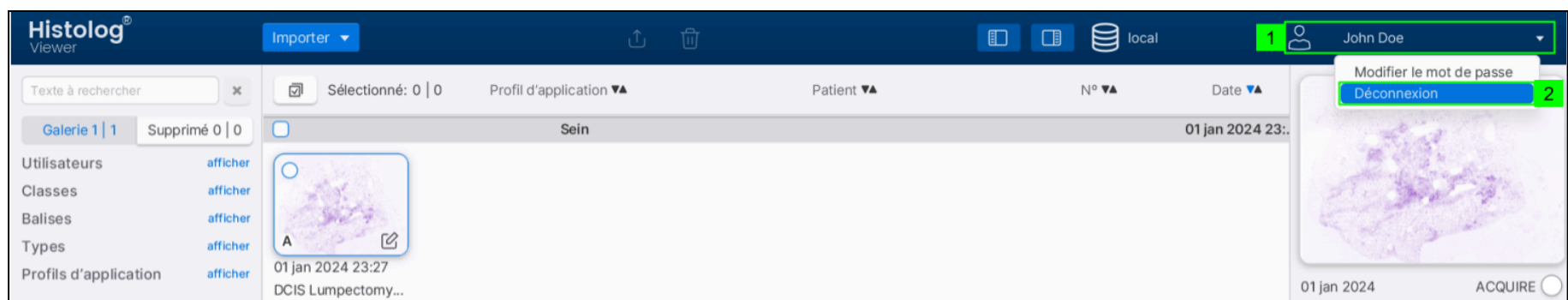


1. Choisir un utilisateur dans le formulaire de connexion
2. Cliquer sur l'icône « Corbeille » à côté du nom d'utilisateur
3. Confirmer la suppression du compte utilisateur dans la boîte de dialogue
4. Afficher la liste des utilisateurs sans le compte utilisateur supprimé

REMARQUES :

- Les comptes utilisateur sont répertoriés par ordre alphabétique non sensible à la casse.
- Les données associées à un compte utilisateur supprimé (p. ex., les annotations effectuées à partir de ce compte) resteront disponibles après la suppression du compte.

9.3. Modification du compte utilisateur



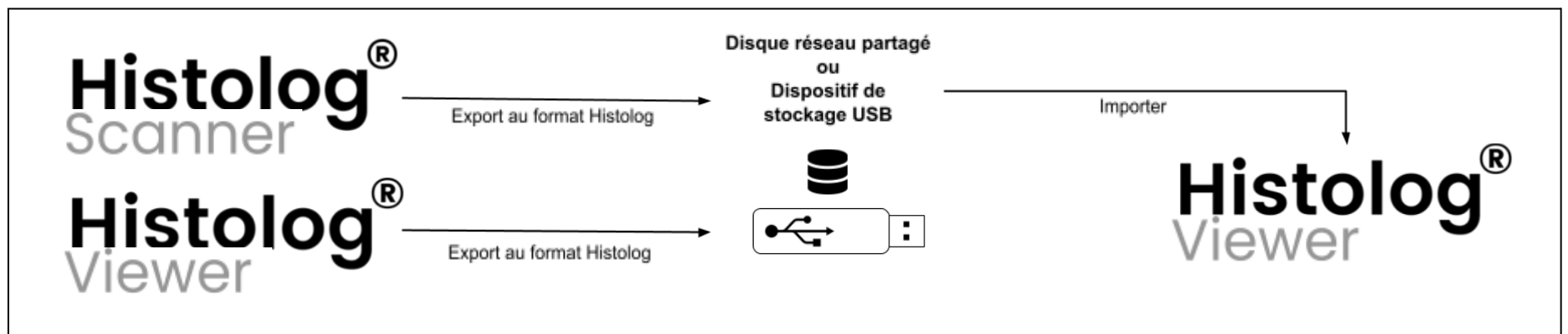
1. Cliquer sur le menu « Compte utilisateur »
2. Choisir l'option « Déconnexion »
3. Afficher la fenêtre de connexion utilisateur
4. Suivre le flux [p.7.4.1](#) ou [p.7.4.2](#)

REMARQUE : les comptes utilisateur sont répertoriés par ordre alphabétique non sensible à la casse.

10. Importation d'images

REMARQUES :

- L'Histolog® Viewer importe uniquement des images exportées au format « Histolog » depuis un Histolog® Scanner ou depuis un Histolog® Viewer.

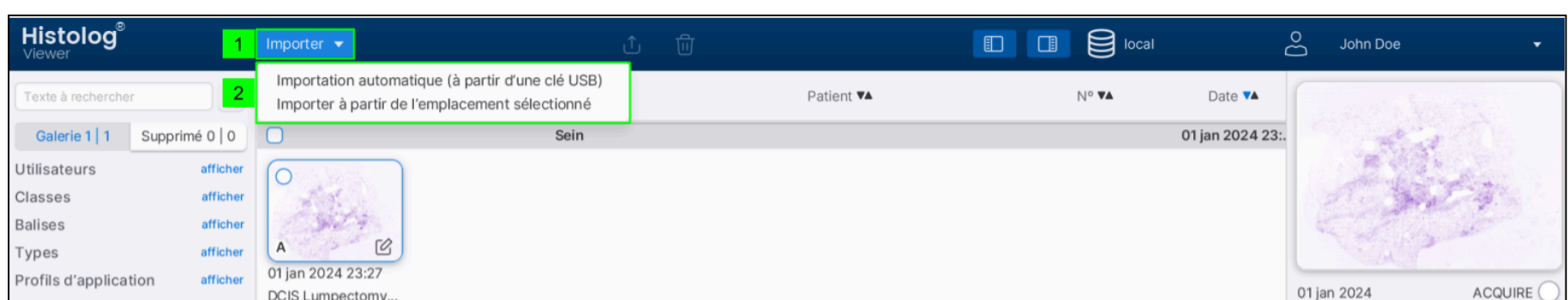


- Le temps nécessaire pour exporter/importer les images de l'Histolog® Scanner dépend de facteurs externes tels que la bande passante du réseau ou du support de stockage USB utilisé.

⚠ MISE EN GARDE : s'assurer que la durée du flux de travail de vérification des images à distance (y compris l'exportation/importation) est acceptable avant d'utiliser l'Histolog® Viewer pour la première fois. Cela est particulièrement important lorsque l'Histolog® Viewer est utilisé comme principal moyen de (re)afficher les images de l'Histolog® Scanner pendant une intervention sur le patient (p. ex., en peropératoire).

10.1. Sélection de l'emplacement des données à importer

- Importer des images en cliquant sur le bouton « Importer »
- L'Histolog® Viewer propose deux modes d'importation différents, décrits dans les sections ci-dessous :
 - Importation automatique (à partir d'une clé USB)
 - Importer à partir de l'emplacement sélectionné



10.1.1. Importation automatique (à partir d'une clé USB)

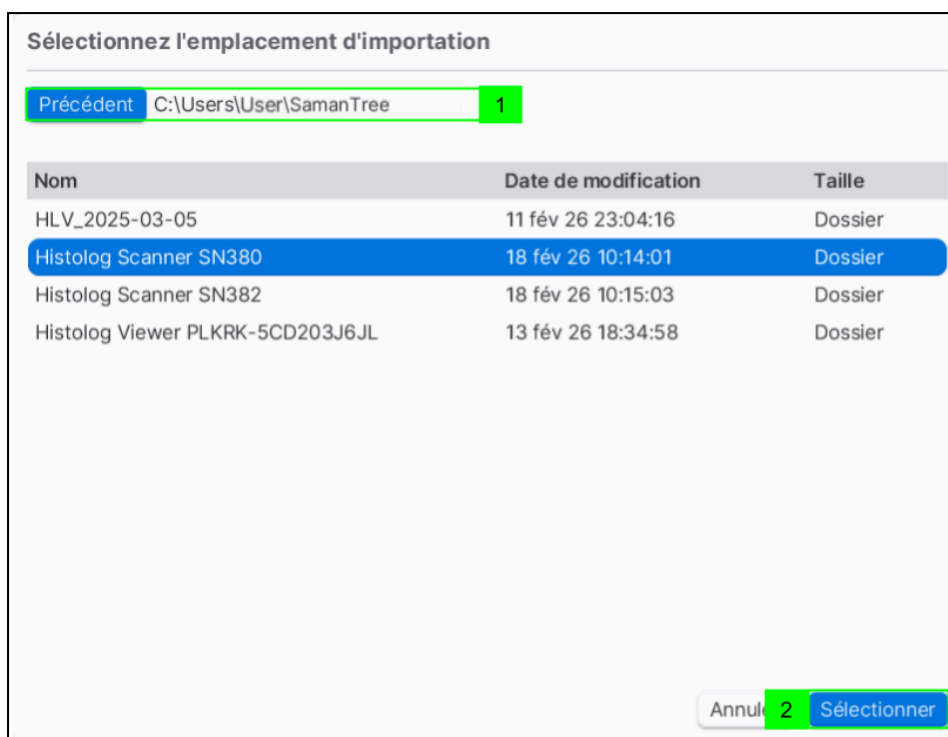
Utiliser ce mode pour importer des images qui ont été exportées d'un dispositif Histolog® Scanner vers un dispositif de stockage USB.

L'Histolog® Viewer recherche automatiquement tous les dispositifs USB connectés pour trouver le contenu qui peut être importé.

Passer ensuite à la section [Sélection des données à importer](#) ci-dessous pour sélectionner le contenu à importer.

10.1.2. Importer à partir de l'emplacement sélectionné

Utiliser ce mode dans tous les autres cas (p. ex., pour importer des images exportées depuis une application Histolog® Viewer ou pour importer des images situées sur un dispositif de stockage non USB). Dans ce mode, l'Histolog® Viewer ouvre une boîte de dialogue de sélection de fichier pour explorer la structure des disques et des dossiers disponible sur votre ordinateur.



1. Dans la boîte de dialogue du sélecteur, sélectionner l'emplacement qui contient les données exportées en cliquant une fois sur le dossier d'exportation des archives.
2. Cliquer ensuite sur le bouton « Sélectionner »

REMARQUE : l'emplacement contenant les données exportées dépend de la source des données :

- Les données exportées depuis un Histolog[®] Scanner avec l'application logicielle version 3.x se trouvent dans un dossier nommé comme suit :

Histolog Scanner SNxxxxxxx

où xxxxxxxx représente des chiffres compris entre 0 et 9 et où SNxxxxxxx représente le numéro de série de l'Histolog[®] Scanner à partir duquel les données ont été exportées.

Sélectionner le dossier Histolog Scanner SNxxxxxxx ou son emplacement parent.

REMARQUE : si la structure du fichier a été modifiée manuellement (p. ex., si des fichiers ou des dossiers ont été renommés ou supprimés), il ne sera pas possible d'importer les données.

- Les données exportées depuis une application Histolog[®] Viewer version 2.x peuvent se trouver à n'importe quel emplacement. Sélectionner le dossier d'exportation des archives nommé comme suit :

Nom d'hôte Export Histolog Viewer AAAA-MM-JJ_HH-MM-SS

où le nom d'hôte est le nom de l'ordinateur à partir duquel les données ont été exportées et où AAAA-MM-JJ_HH-MM-SS est la date et l'heure auxquelles les données ont été exportées.

Vous pouvez également sélectionner l'emplacement parent qui contient un ou plusieurs dossier(s) d'exportation des archives.

Après avoir sélectionné le dossier d'exportation des archives, l'Histolog[®] Viewer recherche automatiquement le contenu qui peut être importé dans ce dossier.

Passer ensuite à la section [Sélection des données à importer](#) ci-dessous pour sélectionner le contenu à importer.

10.2. Sélection des données à importer

1. Sélectionner le contenu à importer en cliquant sur la ou les cases correspondantes

Le mécanisme de sélection respecte les règles hiérarchiques. Par exemple, la sélection d'un « dispositif » sélectionne automatiquement ses « sessions », « images » et « versions » dépendantes.

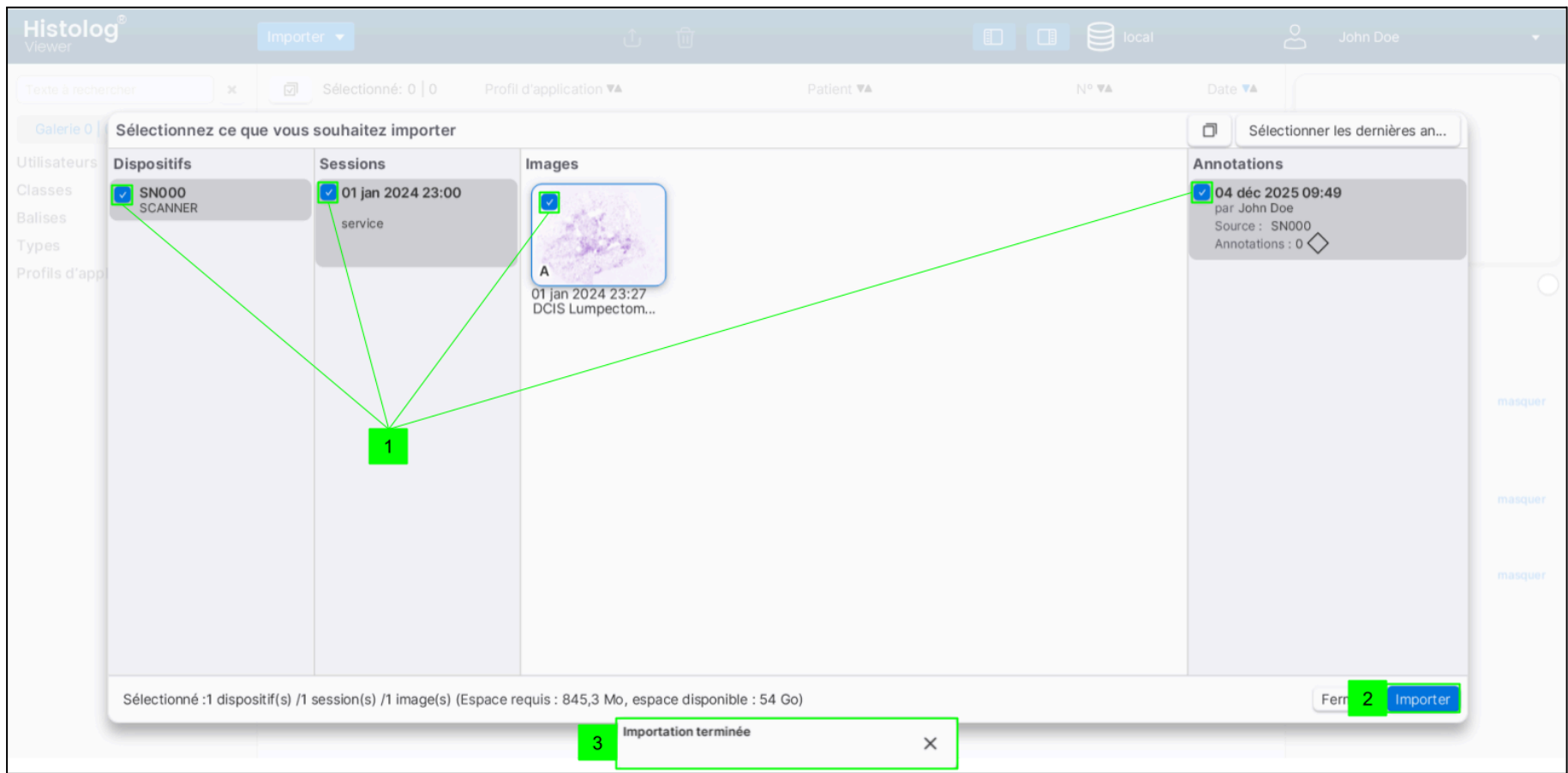
Le contenu qui a déjà été importé dans l'Histolog[®] Viewer est identifié par une coche verte au lieu d'une case à cocher vide et ne peut pas être sélectionné pour l'importation.

2. Cliquer sur « Importer »

L'importation peut prendre plusieurs minutes.

REMARQUE : avant l'importation, l'Histolog® Viewer vérifie automatiquement que l'espace disque disponible est suffisant. Si c'est le cas, l'Histolog® Viewer procèdera à l'importation. Autrement, l'Histolog® Viewer ne procèdera pas à l'importation et indiquera plutôt la quantité d'espace disponible nécessaire pour importer les données.

3. Une fois la procédure d'importation terminée, l'Histolog® Viewer affiche momentanément un message « Import finished » (« Importation terminée ») en bas de l'écran.



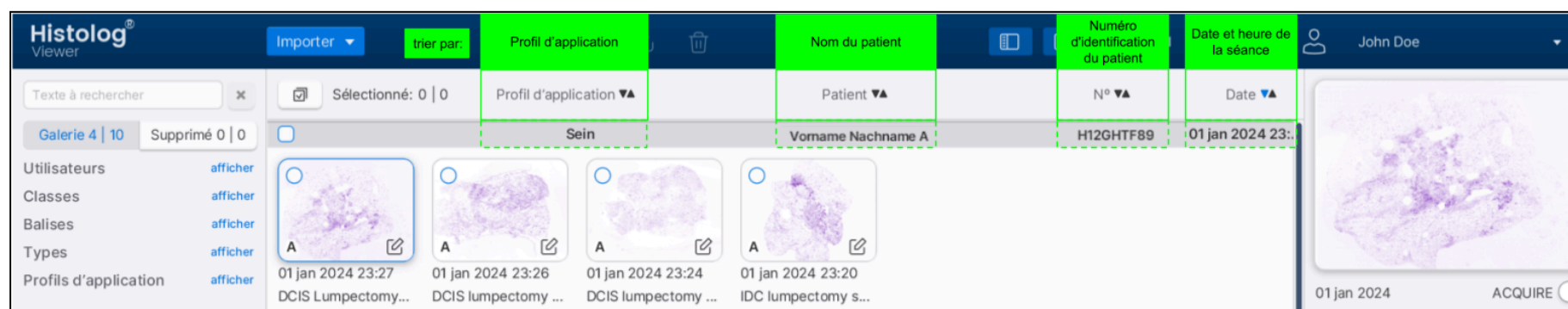
REMARQUE : l'Histolog® Viewer affiche le contenu pouvant être importé selon la structure hiérarchique suivante :

☐ SN860 SCANNER	Les devices (dispositifs) font référence au dispositif Histolog® Scanner sur lequel les données d'image Histolog® d'origine ont été produites. Un <i>dispositif</i> Histolog® Scanner est identifié par son numéro de série, en gras et par la mention « SCANNER ».
☒ 17-Sep-2020 11:22 Suzanne Doe S45 Dr.Thomas	Les sessions font référence à une session d'imagerie. Une session d'imagerie correspond à un seul cas clinique et peut être associée à un patient et à un opérateur. Les sessions sont identifiées par leur date et leur heure, en gras, par le nom du patient et le nom de l'opérateur.
☒ 17-Sep-2020 11:37	Les images peuvent être de type <i>Acquisition</i>, <i>Aperçu</i> ou <i>Cliché</i>. Les images sont identifiées par une miniature, leur date et leur heure et leur type : A: <i>Acquisition</i> P: <i>Aperçu</i> S: <i>Cliché</i>
☒ 17-Sep-2020 11:37 by Dr.Thomas Source: SN860 Annotations: 0	Les versions permettent de différencier différentes données (p. ex., les données exportées à un autre moment ou les annotations effectuées par différents utilisateurs) associées à la même image. Les versions sont identifiées par leur date et leur heure, en gras, par leur nom d'utilisateur, leur source, leur nombre d'annotations et leurs balises.

11. Gestion des images

11.1. Organisation du contenu de la galerie : tri/filtrage

11.1.1. Trier les images



À l'écran de la galerie, cliquer sur « Profil d'application », « Patient », « N° » ou « Date » pour trier les images en conséquence. Cliquer une deuxième fois pour inverser l'ordre de tri.

11.1.2. Filtrer les images

Les images de l'écran de la galerie peuvent être filtrées par un mot-clé ou par catégories.

Filtrage par mot-clé

1. Saisir un mot-clé dans la zone de texte (p. ex., nom du patient ou nom de l'opérateur)
2. Seules les images dont les données associées contiennent le mot-clé seront affichées.

REMARQUES

- Cliquer sur le bouton « x » à côté du champ de recherche pour supprimer le filtre.
- La recherche n'est pas sensible à la casse.

Filtrage par catégories

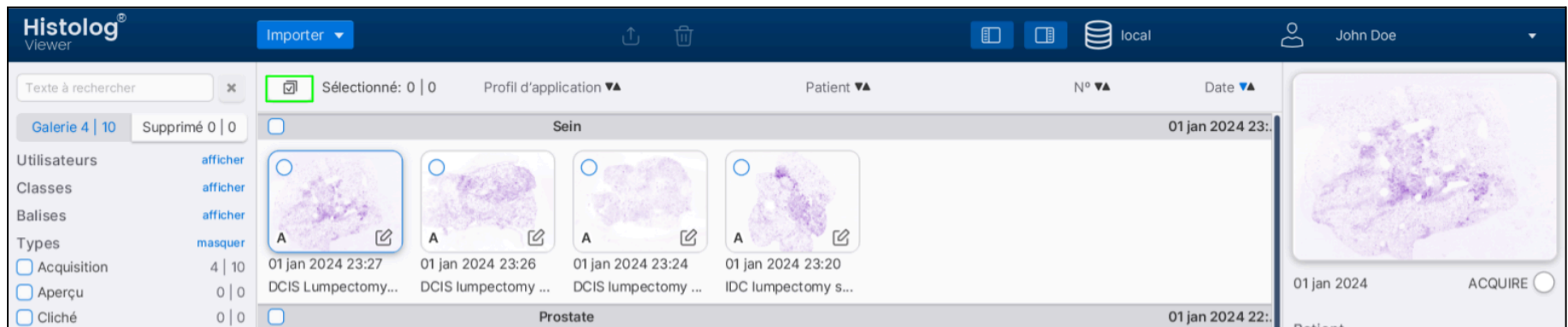
Utilisateurs	afficher
Classes	afficher
Balises	1 afficher
Types	2 masquer
☐ Acquisition	4 10
☐ Aperçu	0 0
☐ Cliché	0 0
Profils d'application	afficher

1. Cliquer sur le mot « Afficher » à côté de la catégorie de filtre pour afficher les sous-catégories
2. Sélectionner les sous-catégories par lesquelles filtrer

REMARQUE : désélectionner la sous-catégorie pour supprimer le filtre.

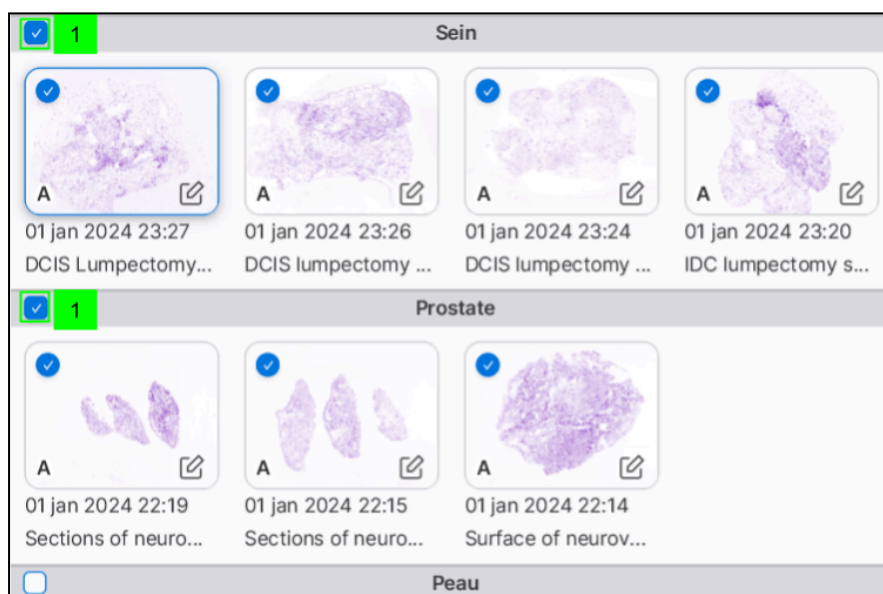
11.2. Sélection des images

11.2.1. Sélectionner/désélectionner tout



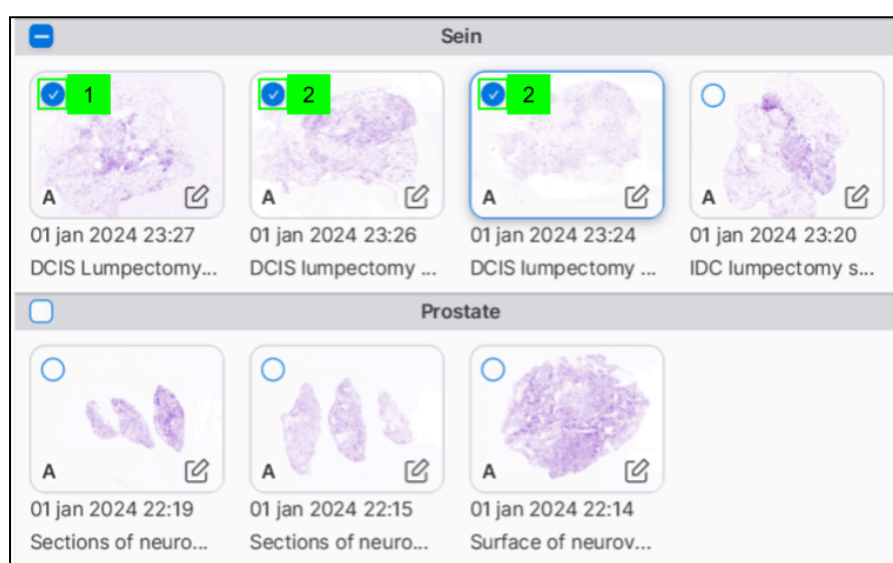
À l'écran de la galerie, cliquer sur l'icône « Tout sélectionner » pour sélectionner/désélectionner toutes les images.

11.2.2. Sélectionner/désélectionner des sessions



À l'écran de la galerie, cliquer sur la case de session vide pour sélectionner/désélectionner toutes les images appartenant à cette session.

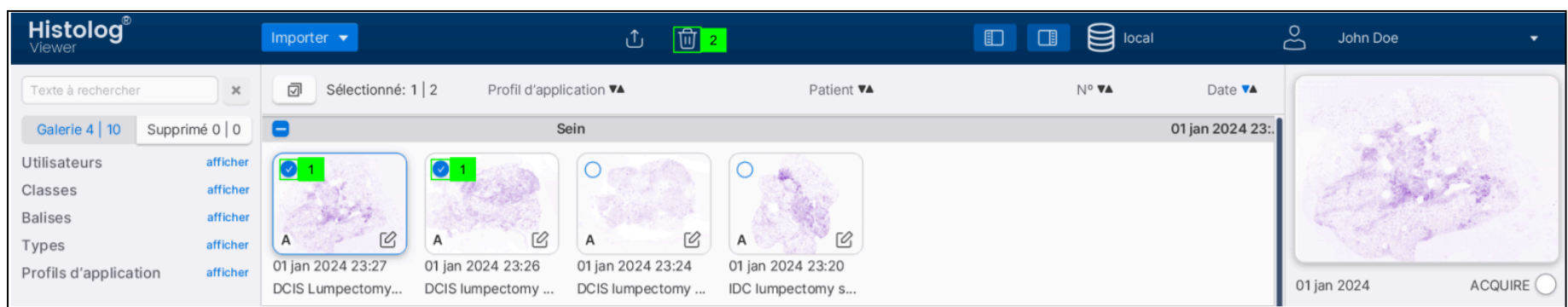
11.2.3. Sélectionner/désélectionner des images



À l'écran de la galerie :

1. Cliquer sur une image pour sélectionner/désélectionner l'image
2. Pour sélectionner/désélectionner plusieurs images, maintenir le bouton « Ctrl » du clavier enfoncé et cliquer sur les images pour sélectionner/désélectionner.

11.3. Suppression des images

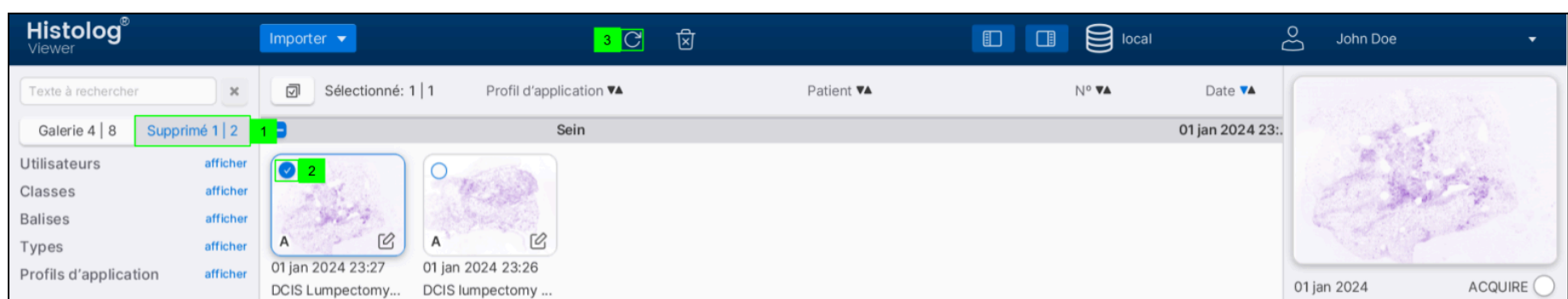


À l'écran de la galerie :

1. Sélectionner les images conformément à la section [Sélection des images](#)
2. Cliquer sur l'icône de « corbeille » pour déplacer les images sélectionnées hors de la « Galerie » et dans le contenu « Supprimé ».

REMARQUE : les images ne sont pas définitivement supprimées et peuvent être restaurées (voir la section [Restauration des images supprimées](#)).

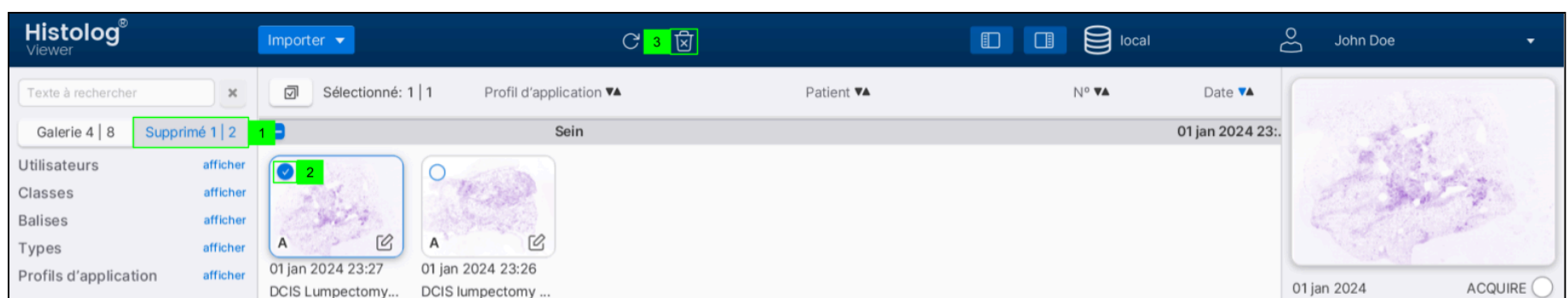
11.4. Restauration des images supprimées



À l'écran de la galerie :

1. Cliquer sur le bouton « Supprimé » pour afficher les images supprimées
2. Sélectionner l'image ou les images conformément à la section [Sélection des images](#)
3. Cliquer sur l'icône de restauration pour déplacer l'image ou les images sélectionnées hors du contenu « Supprimé » et dans la « Galerie ».

11.5. Suppression définitive des images



À l'écran de la galerie :

1. Cliquer sur le bouton « Supprimé » pour afficher les images supprimées
2. Sélectionner l'image ou les images conformément à la section [Sélection des images](#)
3. Cliquer sur l'icône Supprimer pour supprimer définitivement l'image ou les images sélectionnées.

11.6. Configuration de la disposition

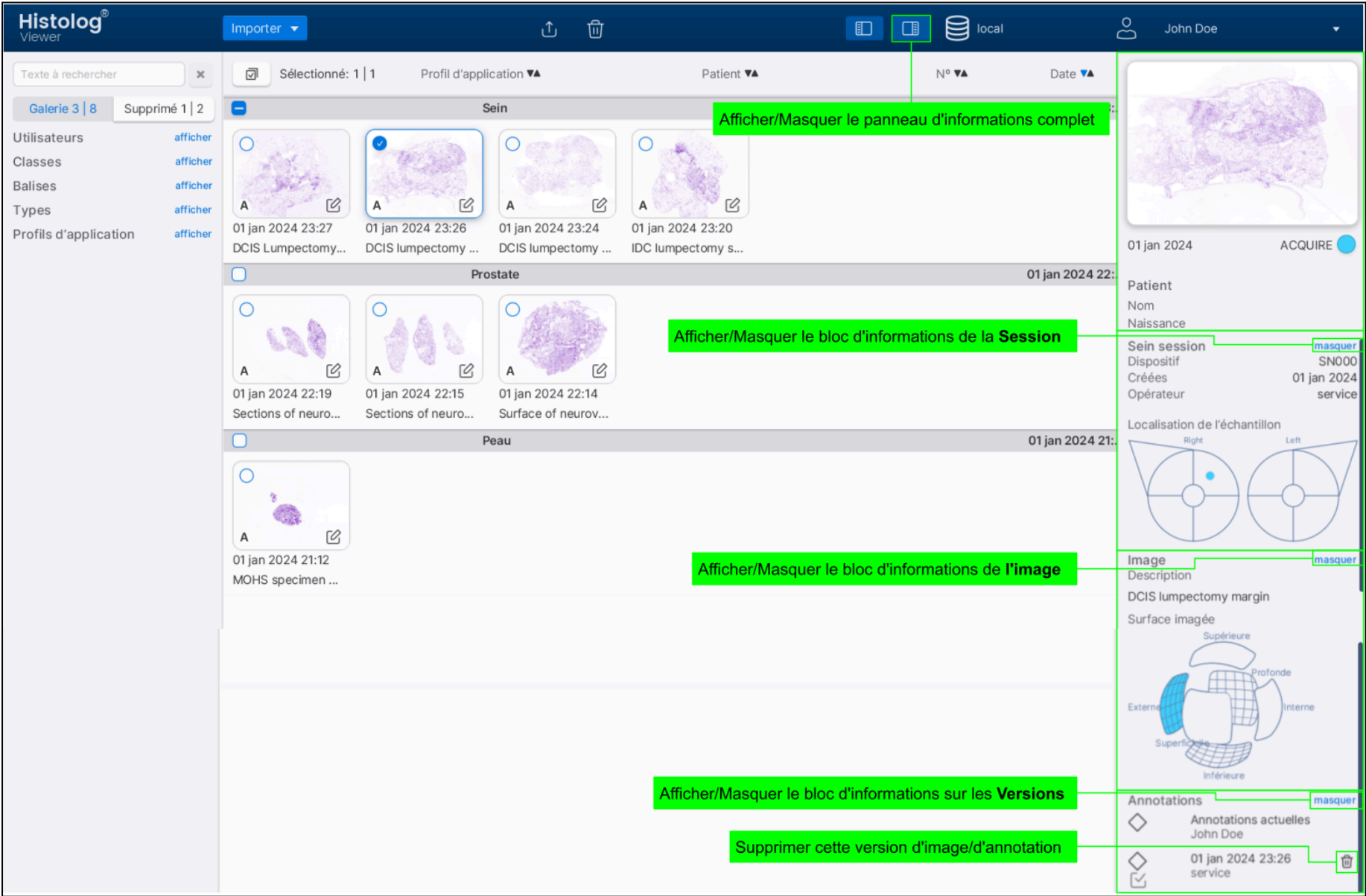
Les panneaux gauche et droit peuvent être affichés ou masqués individuellement.



Cliquer sur l'icône du panneau de gauche ou de droite pour afficher ou masquer le panneau.

11.7. Panneau d'information

Le panneau de droite est le panneau d'information. Il affiche les informations sur l'image sélectionnée.



12. Visualisation d'images

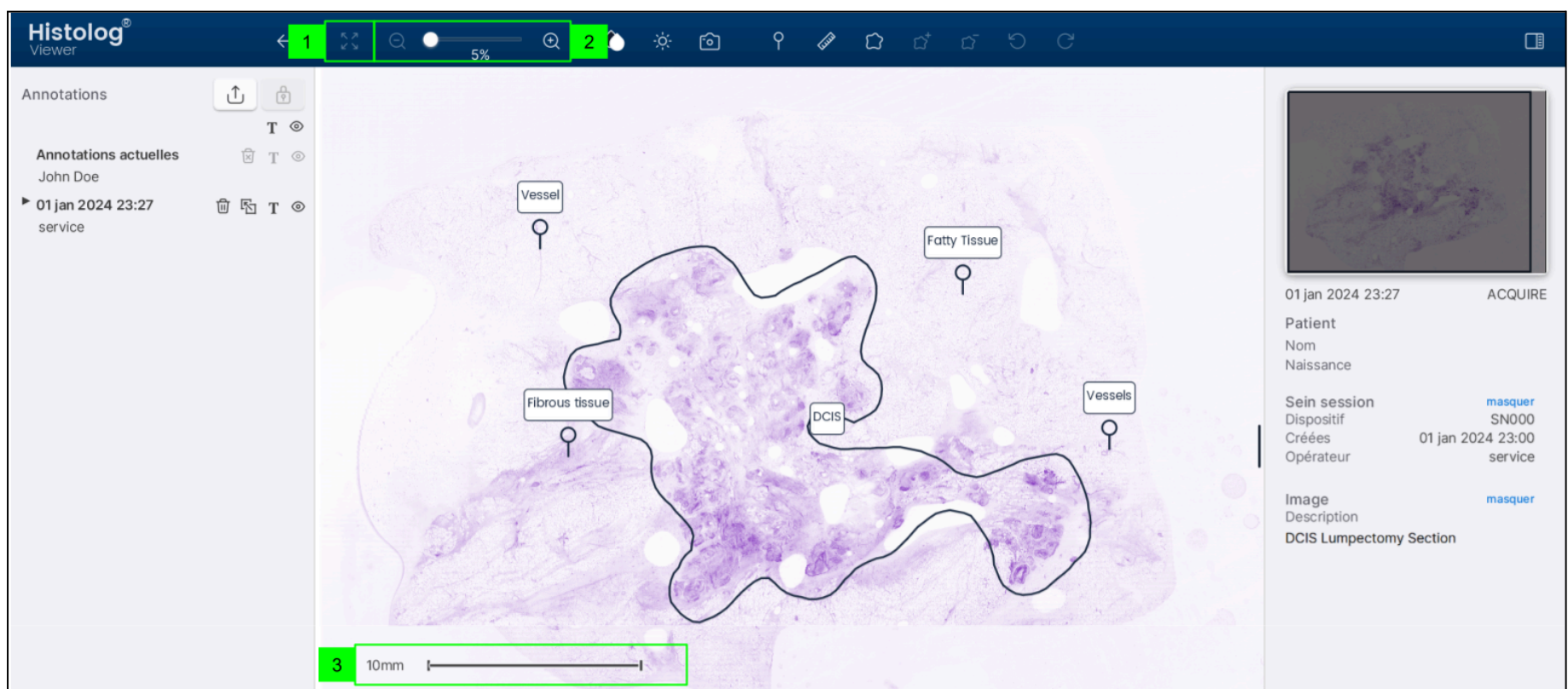
Ouvrir une image à visualiser en double-cliquant sur sa représentation miniature dans la galerie.

12.1. Panneau d'information et suivi de navigation

Le panneau de droite est le panneau d'information. Il affiche les informations associées à l'image.

La carte de navigation située dans le coin supérieur droit affiche, en miniature, l'intégralité de l'image et indique quelle portion de l'image complète est actuellement affichée dans la zone d'image. La carte de navigation affiche également les traces de navigation de l'utilisateur effectuées sur l'image. Les traces correspondent à deux niveaux de zoom : $25\% \leq \text{zoom} < 100\%$ et $100\% \leq \text{zoom}$. Le premier est utilisé pour examiner les images afin de localiser les zones d'intérêt. Le second est utilisé pour la visualisation détaillée des zones d'intérêt. Les traces correspondant à des niveaux de zoom $< 25\%$ ne sont pas affichées.

12.2. Navigation : Zoom et panoramique



Utiliser le bouton de défilement de la souris pour effectuer un zoom, ou utiliser un double-clic pour agrandir/réduire l'image, ou utiliser les icônes de zoom (2).

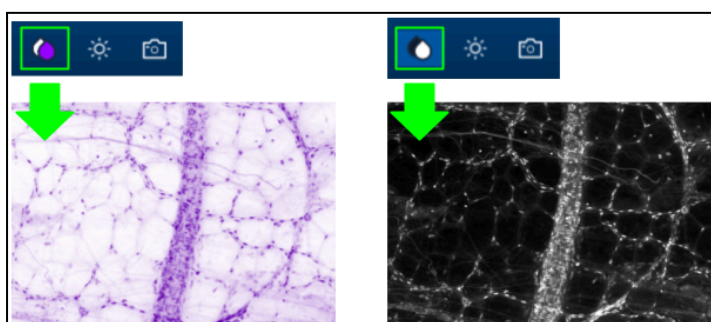
Adapter l'image à l'écran en cliquant sur l'icône « Ajuster à l'écran » (1).

Une barre d'échelle (3) s'affiche en bas à gauche de l'image.

12.3. Carte de couleurs, réglage du contraste

12.3.1. Carte de couleurs

Les images peuvent être affichées en couleur ou en niveaux de gris.

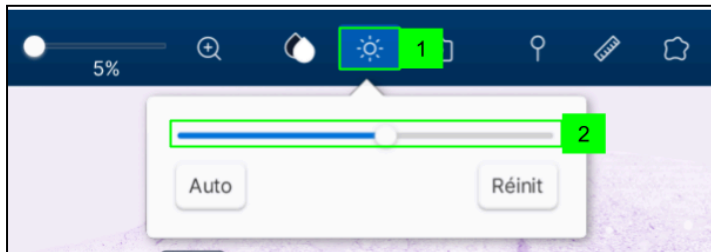


Cliquer sur l'icône de carte de couleurs pour modifier le mode couleur.

12.3.2. Réglage du contraste

Le contraste d'une image peut être réglé manuellement ou automatiquement.

Réglage manuel

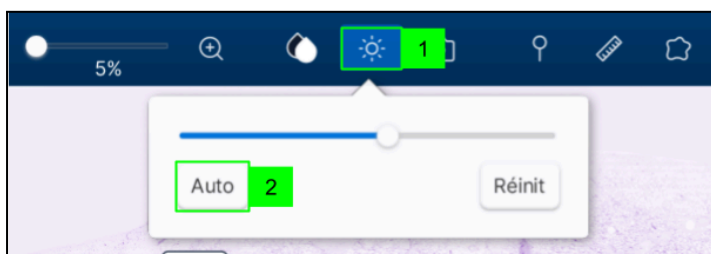


1. Cliquer sur l'icône de réglage du contraste
2. Ajuster le contraste à l'aide de la barre de curseur

REMARQUE : réinitialiser tous les réglages en cliquant sur le bouton « Réinit. »

Réglage automatique

Le réglage automatique ajustera le contraste par rapport à la partie affichée de l'image.



1. Cliquer sur l'icône de réglage du contraste. Cela appliquera le réglage automatique.
2. Si vous appliquez un réglage manuel du contraste, en cliquant sur le bouton « Auto » le réglage automatique sera appliqué.
3. Le réglage automatique du contraste peut être effectué en cliquant sur le bouton de défilement de la souris.

REMARQUE : réinitialiser tous les réglages en cliquant sur le bouton « Réinit. ».

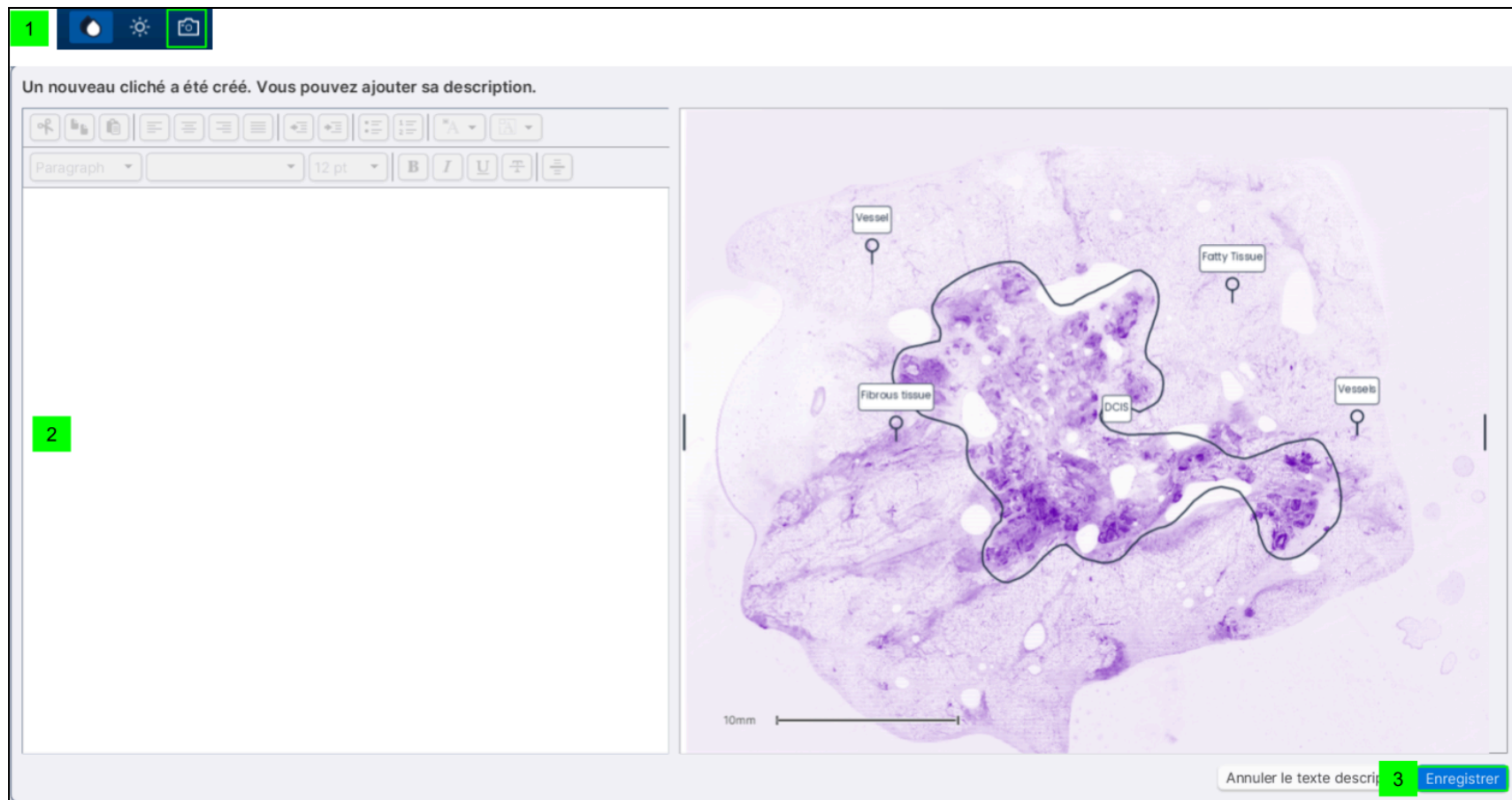
12.4. Configurer la disposition

Le panneau de droite peut être affiché ou masqué.



Cliquer sur l'icône du panneau de droite pour afficher ou masquer le panneau.

12.5. Cliché



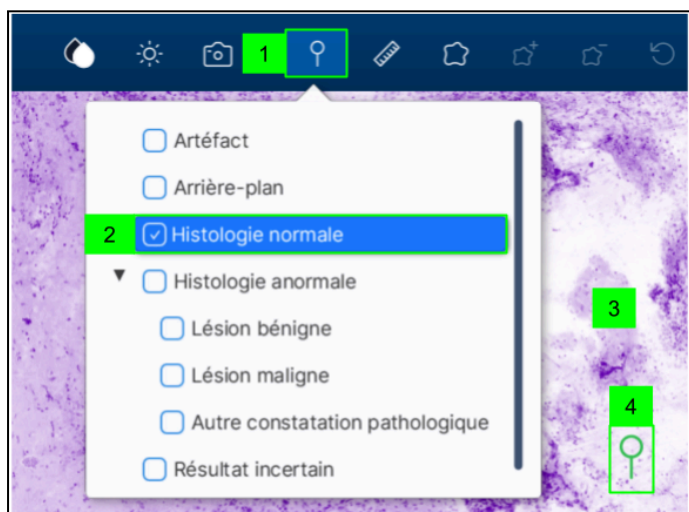
1. Cliquer sur l'icône de cliché pour prendre un cliché de la partie de l'image affichée
2. Ajouter une description au cliché en utilisant les fonctions de modification du texte
3. Enregistrer le cliché.

13. Annotation d'images

Les images peuvent être annotées de plusieurs manières avec l'Histolog[®] Viewer. Ces annotations peuvent être enregistrées de façon permanente pour éviter des modifications involontaires et donc être partagées en toute sécurité avec d'autres professionnels de santé.

13.1. Ajout d'annotations

13.1.1. Point



1. Cliquer sur l'icône de point
2. Facultatif : sélectionner une classe d'annotation

REMARQUE : si aucune classe n'est sélectionnée, l'annotation s'affiche comme non classée.

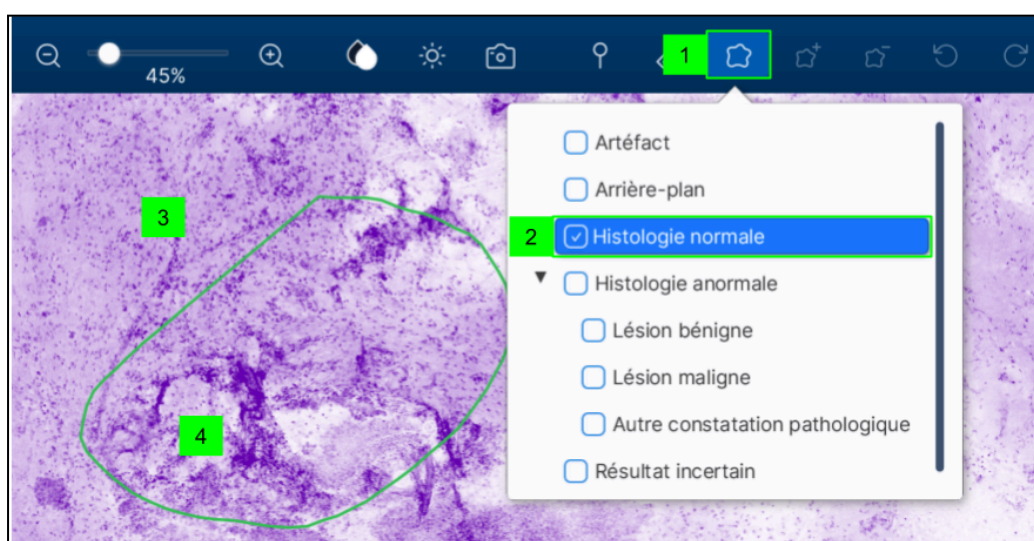
3. Cliquer hors de la fenêtre de la classe d'annotation pour la fermer
4. Cliquer sur la partie de l'image pour placer le point
5. Facultatif : déplacer l'annotation de point en cliquant sur sa tête circulaire et en maintenant le bouton de la souris tout en la déplaçant à l'emplacement souhaité dans l'image.

REMARQUE : cliquer à nouveau sur l'icône de point pour arrêter d'ajouter de nouveaux points.

13.1.2. Forme libre

L'outil Forme libre permet d'entourer et de classer les régions d'intérêt dans les images.

Nouvelle forme libre



1. Cliquer sur l'icône de forme libre
2. Facultatif : Sélectionner une classe d'annotation

REMARQUE : si aucune classe n'est sélectionnée, l'annotation s'affiche comme non classée.

3. Cliquer hors de la fenêtre de la classe d'annotation pour la fermer
4. Dessiner une forme libre en maintenant le bouton de clic de la souris enfoncé.

REMARQUE : cliquer à nouveau sur l'icône de forme libre pour arrêter de dessiner des formes libres.

Modifier une forme libre

Une forme libre peut être modifiée par :

Ajout d'un nouveau segment



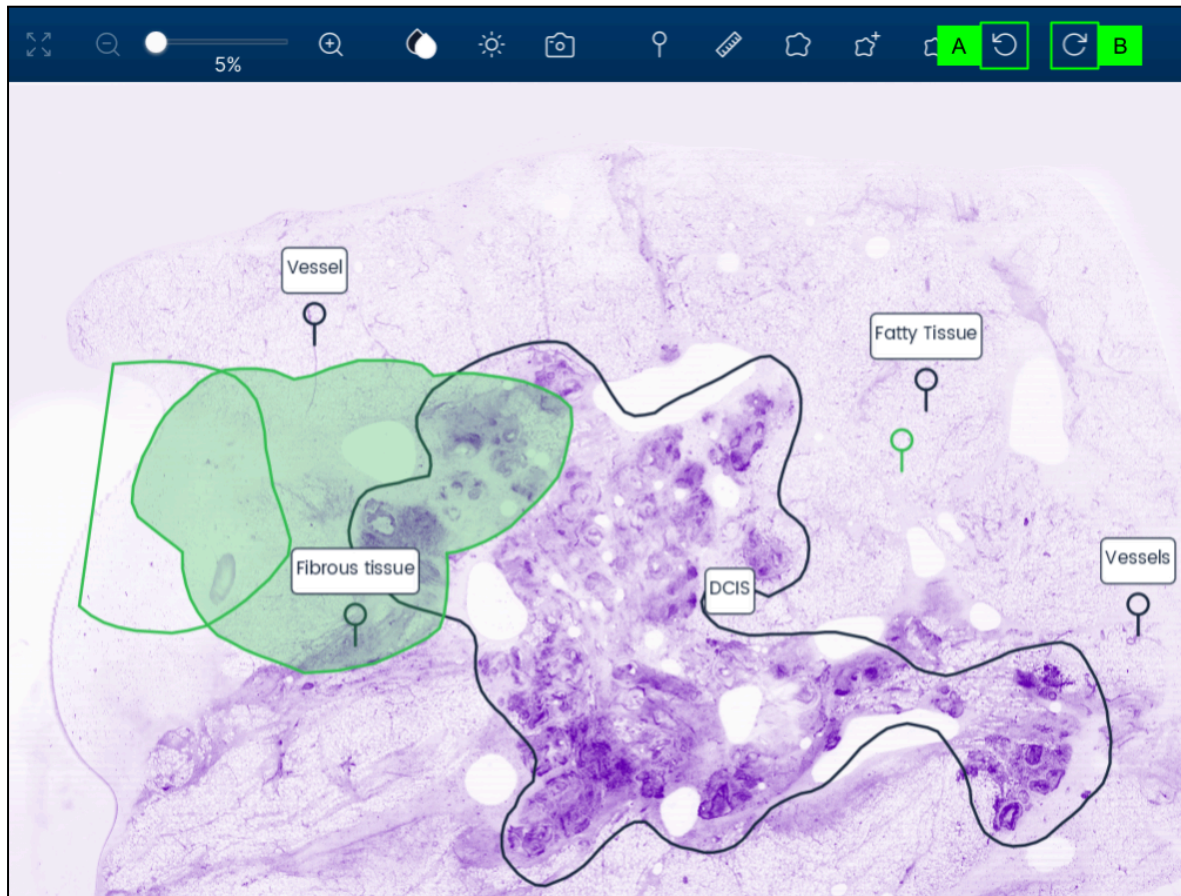
1. Cliquer sur l'icône de forme libre +
2. Dessiner le segment à ajouter.

Suppression d'un segment



1. Cliquer sur l'icône de forme libre -
2. Dessiner le segment à supprimer.

Annuler ou répéter la dernière action



Annuler (A) ou répéter (B) la dernière action en cliquant sur l'icône correspondante.

13.1.3. Mesure

L'outil de mesure permet de mesurer les distances et de conserver ces mesures comme annotations. Les mesures sont fournies à titre indicatif uniquement.

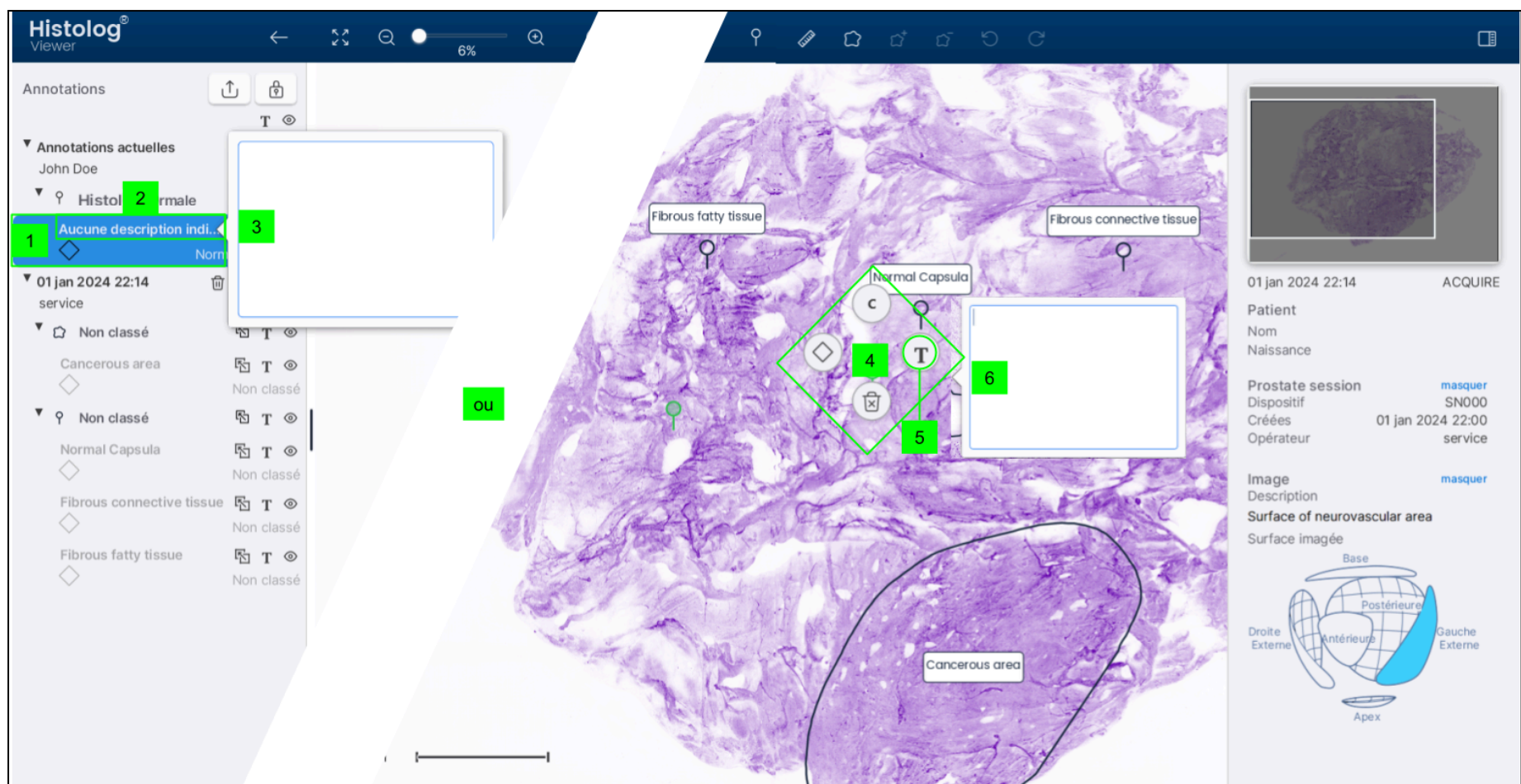


1. Cliquer sur l'icône de mesure
2. Cliquer et maintenir enfoncé le bouton de clic pour mesurer.

REMARQUE : cliquer à nouveau sur l'icône de mesure pour arrêter la mesure.

13.2. Description textuelle

Une description textuelle peut être ajoutée à chaque annotation, individuellement.



1. Sélectionner l'annotation dans le panneau d'annotation (à gauche) pour la décrire
2. Cliquer sur le texte « Aucune description indiquée »
3. Écrire la description dans la zone de texte

Comme alternative,

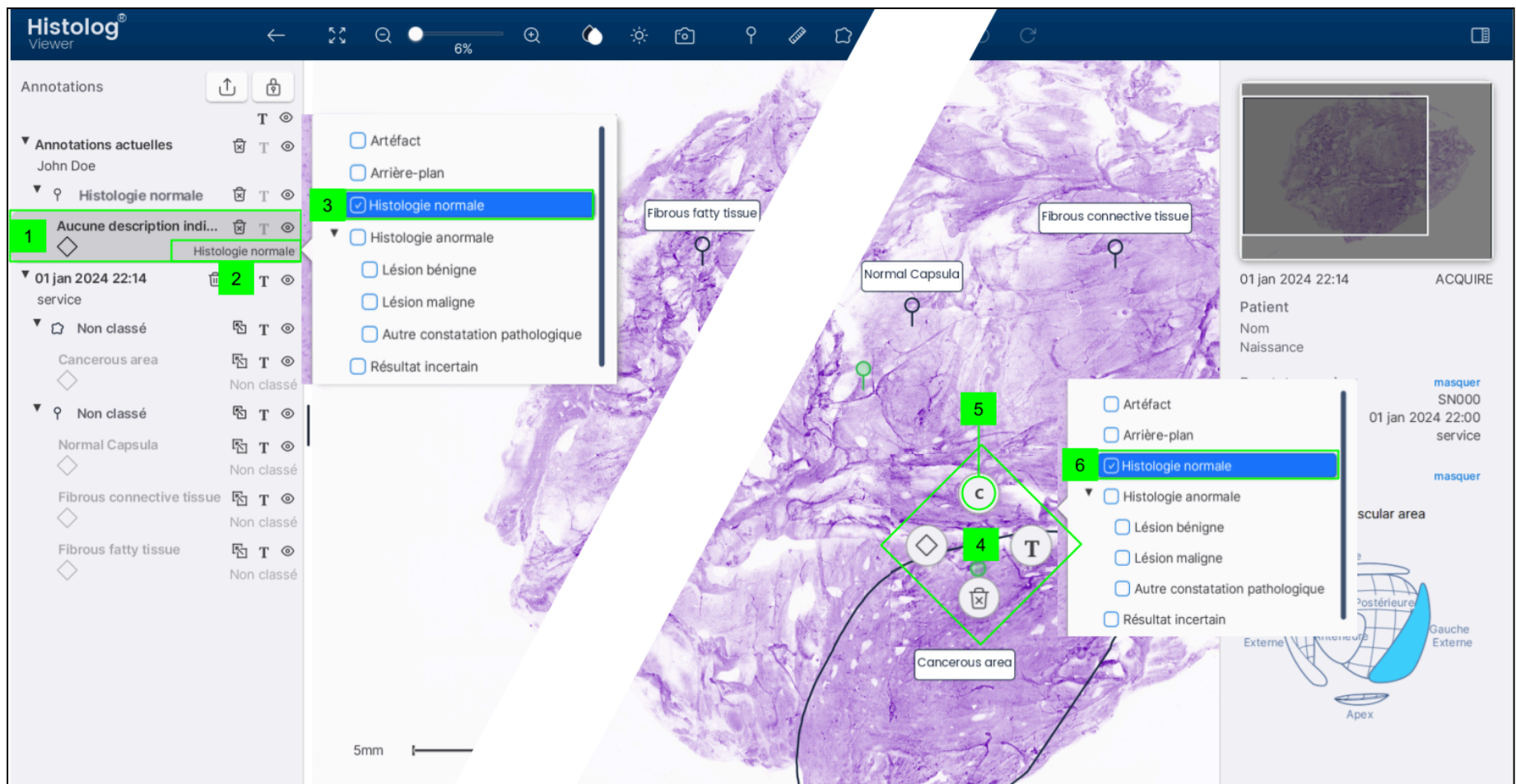
4. Cliquer avec le bouton droit de la souris sur une annotation située dans l'image pour faire apparaître le menu d'édition d'annotation
5. Cliquer sur l'icône de description textuelle
6. Écrire la description dans la zone de texte

13.3. Classes d'annotation

Une des classes prédéfinies peut être assignée aux annotations de point et de forme libre. Les options disponibles sont les suivantes :

1. Artefact (Artéfact)
2. Background (Fond)
3. Normal Histology (Histologie normale)
4. Abnormal Histology: (Histologie anormale :)
 - 4.1. Benign lesion (Lésion bénigne)
 - 4.2. Malignant lesion (Lésion maligne)
 - 4.3. Other pathological findings (Autres résultats pathologiques)
5. Uncertain findings (Résultats incertains)

REMARQUE : les annotations classées comme anormales seront affichées en rouge, celles normales en vert, celles incertaines en orange et les autres en noir.



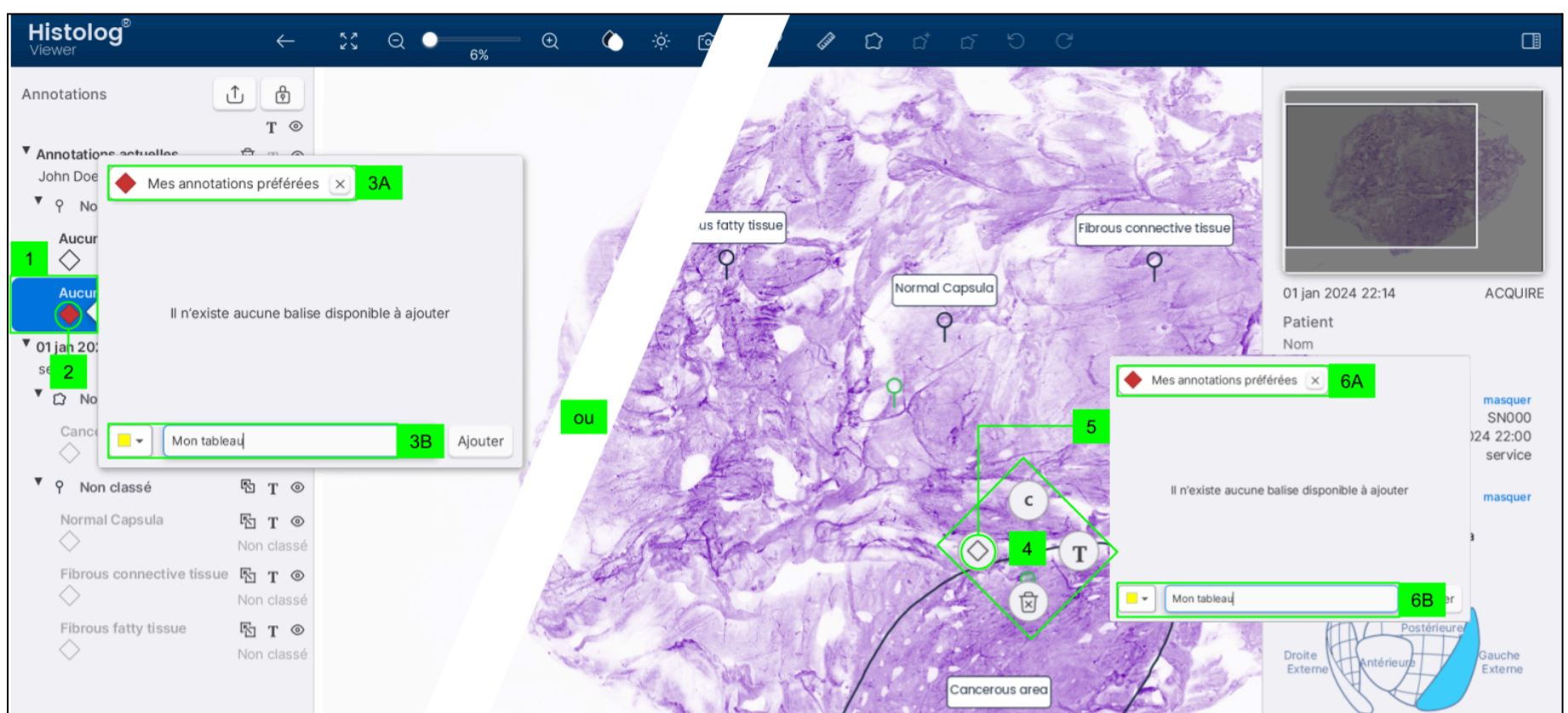
1. Sélectionner l'annotation à classer ou reclasser
2. Cliquer sur la classe d'annotations
3. Sélectionner la classe à assigner

Comme alternative,

4. Cliquer avec le bouton droit de la souris sur une annotation située dans l'image pour faire apparaître le menu d'édition d'annotation
5. Cliquer sur l'icône de classe
6. Sélectionner la classe à assigner

13.4. Balises

Des balises peuvent être créées et assignées à des annotations pour marquer certaines zones similaires, ou certaines zones particulières pour des examens ultérieurs, ou à toute autre fin en fonction de votre commodité.



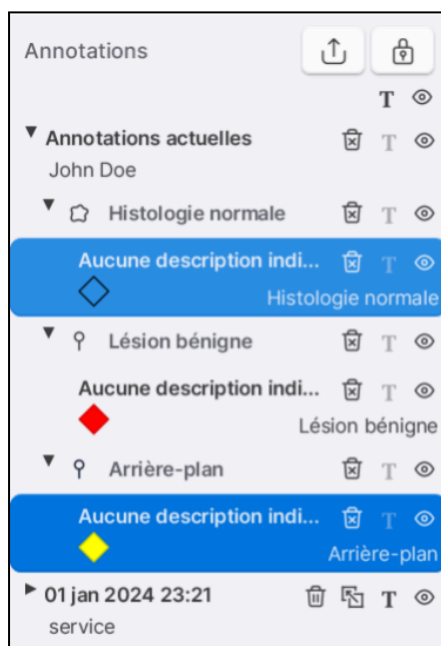
1. Sélectionner l'annotation à baliser
2. Cliquer sur l'icône de balise
3. Assigner une balise à une annotation en :
 - a. sélectionnant une balise existante ; ou en
 - b. créant une nouvelle balise

Comme alternative,

4. Cliquer avec le bouton droit de la souris sur une annotation située dans l'image pour faire apparaître le menu d'édition d'annotation
5. Cliquer sur l'icône de balise
6. Assigner une balise à une annotation en :
 - a. sélectionnant une balise existante ; ou en
 - b. créant une nouvelle balise

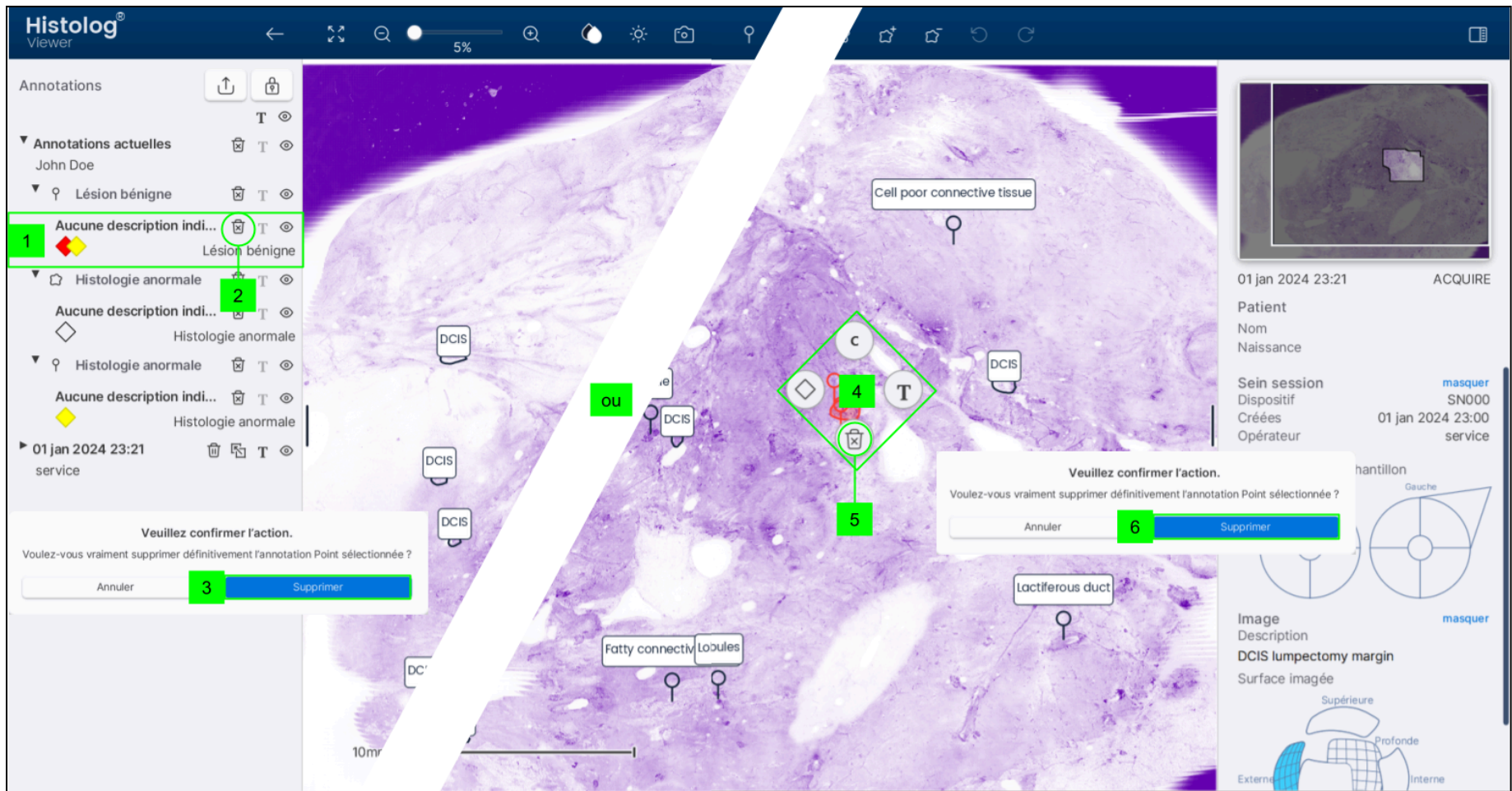
13.5. Sélection des annotations

La sélection de plusieurs annotations peut être utilisée pour effectuer des actions de groupe sur les annotations (comme la suppression ou le masquage).



- Pour sélectionner une annotation : Cliquer dessus dans l'image ou dans le panneau des annotations.
- Pour sélectionner plusieurs annotations individuelles : Appuyer sur « Ctrl » et cliquer sur les annotations à sélectionner dans le panneau des annotations.
- Pour sélectionner une liste d'annotations : Appuyer sur « Maj » et cliquer sur la première et la dernière annotation de la liste.

13.6. Suppression d'annotations



1. Sélectionner une ou plusieurs annotations à supprimer sur l'image ou dans le panneau des annotations conformément à la section [Sélection des annotations](#)
2. Cliquer sur l'icône Supprimer

REMARQUE : plusieurs annotations peuvent également être sélectionnées et supprimées simultanément.

3. Cliquer sur le bouton « Supprimer » pour confirmer la suppression

Vous pouvez également supprimer une seule annotation,

4. Cliquer avec le bouton droit de la souris sur une annotation située dans l'image pour faire apparaître le menu d'édition d'annotation
5. Cliquer sur l'icône Supprimer
6. Cliquer sur le bouton « Supprimer » pour confirmer la suppression

13.7. Affichage/masquage des annotations

Les annotations peuvent être affichées ou masquées.



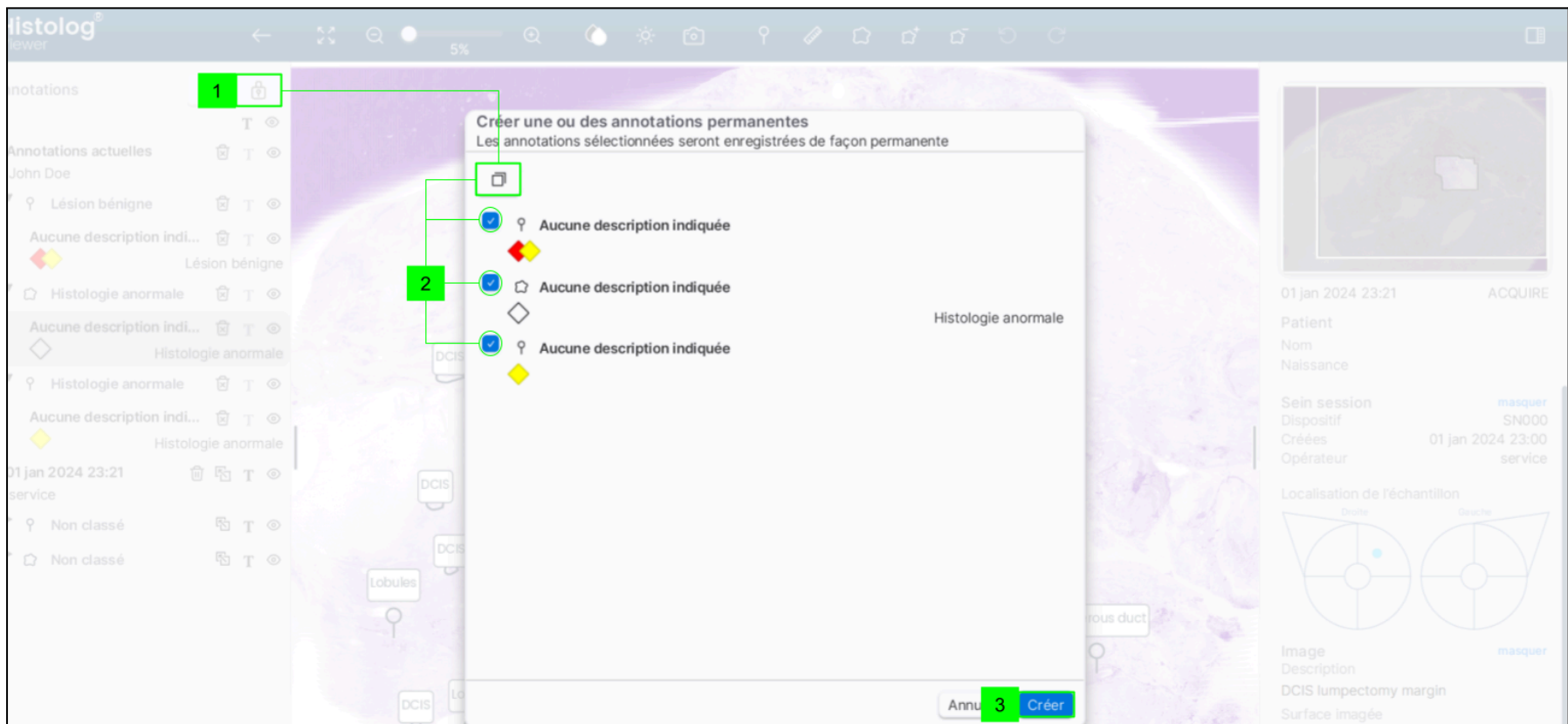
1. Sélectionner une ou plusieurs annotations ou versions permanentes à masquer ou à afficher

2. Cliquer sur l'icône Afficher/Masquer

13.8. Versions permanentes :

13.8.1. Créer une version permanente

Une version permanente peut être créée à partir des annotations actuelles. Les annotations d'une version permanente ne peuvent plus être modifiées.

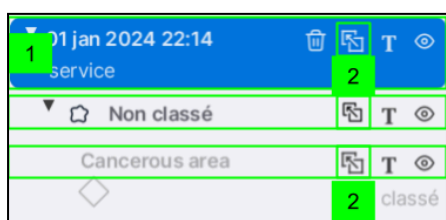


1. Cliquer sur l'icône de verrouillage pour créer une version permanente des annotations actuelles
2. Sélectionner les annotations à enregistrer de façon permanente à l'aide des cases à cocher (3) ou en choisissant l'icône « Tout cocher » (2).
3. Cliquer sur le bouton « Créer »

REMARQUE : Une version permanente de toutes les annotations actuelles sera automatiquement créée lors de l'exportation (consulter la section [Exportation d'images](#)).

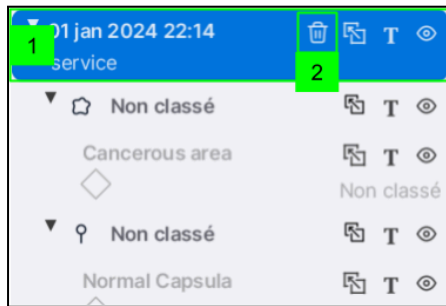
13.8.2. Clonage

Les annotations d'une version permanente ne peuvent pas être modifiées elles-mêmes, mais leur clone peut être modifié. Le clonage signifie qu'une copie de l'annotation permanente est effectuée dans la même image.



1. Cliquer sur l'annotation ou la version permanente à cloner
2. Cliquer sur l'icône de clonage

13.8.3. Suppression d'une version permanente



1. Cliquer sur la version à supprimer
2. Cliquer sur l'icône de corbeille
3. Confirmer l'action de suppression dans la fenêtre contextuelle

REMARQUE : la version permanente supprimée sera déplacée vers la corbeille. Les éléments de la corbeille peuvent donc être restaurés si nécessaire.

REMARQUE : la version permanente supprimée peut être supprimée définitivement en la supprimant dans la galerie de la corbeille.

14. Exportation d'images :

L'exportation peut être lancée à partir de la galerie d'images ou directement lors de la visualisation d'une image, comme décrit ci-dessous.

14.1. Formats d'exportation

Les images et leurs données associées (p. ex. les annotations) peuvent être exportées dans plusieurs formats. Les formats d'exportation disponibles sont :

	Image	Métadonnées *	Taille**	Remarques
JPEG	✓		15-40 Mo	Compression avec perte
TIFF (RVB)	✓		250-550 Mo	Compression sans perte Image colorée avec la carte de couleurs
TIFF (brut)	✓		824 Mo	Pas de compression Image en niveaux de gris 16 bits
Histolog [®]	✓	✓	875-900 Mo	Les données exportées peuvent être ouvertes avec un autre Histolog [®] Viewer.
Rapport PDF	✓	✓	2-5 Mo	Compression avec perte

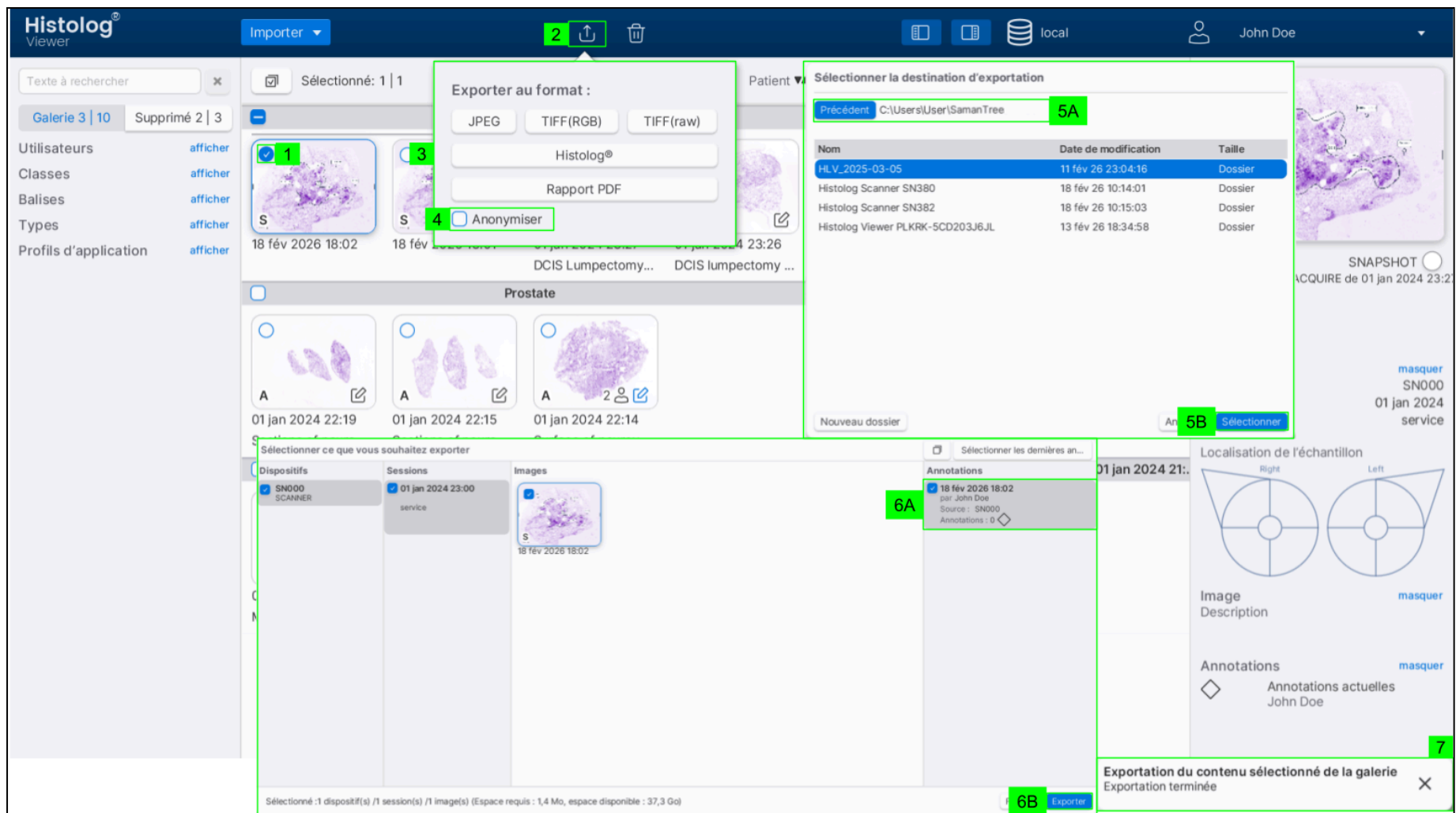
* comprend des informations sur le patient/la session ainsi que des informations sur l'image et des annotations, le cas échéant.
 ** taille typique pour une image Histolog[®] Scanner de type Acquisition.

14.2. Exporter une sélection d'images à partir de la galerie d'images

Utiliser cette option pour exporter une sélection d'images.

REMARQUE : le temps nécessaire pour exporter/importer les images de l'Histolog[®] Scanner dépend de facteurs externes tels que la bande passante du réseau ou du support de stockage USB utilisé.

⚠ MISE EN GARDE : s'assurer que la durée du flux de travail de vérification des images à distance (y compris l'exportation/importation) est acceptable avant d'utiliser l'Histolog[®] Viewer pour la première fois. Cela est particulièrement important lorsque l'Histolog[®] Viewer est utilisé comme principal moyen de (re)afficher les images de l'Histolog[®] Scanner pendant une intervention sur le patient (p. ex., en peropératoire).



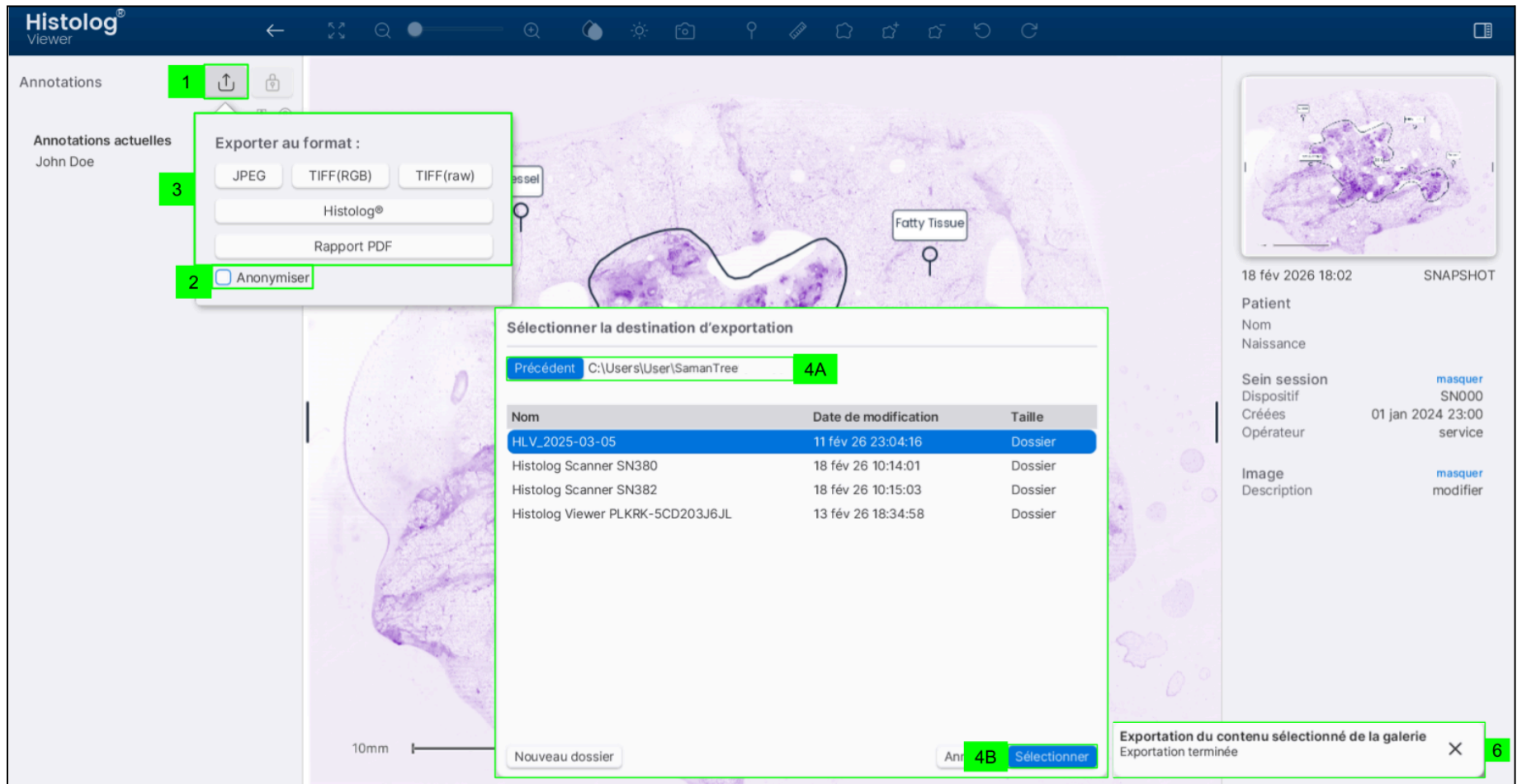
1. Dans la galerie d'images, sélectionner les images conformément à la section [Sélection des images](#)
2. Cliquer sur l'icône d'exportation
3. Sélectionner le format vers lequel exporter
4. Cliquer sur la case à cocher « Anonymiser » si les données exportées doivent être anonymisées

REMARQUE : la fonction d'anonymisation supprime toutes les données qui peuvent permettre de remonter jusqu'au patient.

5. L'Histolog® Viewer ouvre une boîte de dialogue pour explorer la structure du dossier sur votre ordinateur :
 - a. Dans la boîte de dialogue , sélectionner l'emplacement vers lequel exporter
 - b. Cliquer sur le bouton « Sélectionner »
6. Lors de l'exportation au format « Histolog® » :
 - a. Sélectionner la ou les versions à exporter dans la boîte de dialogue « Exporter »
 - b. Cliquer sur le bouton « Exporter »
7. Une fois la procédure d'exportation terminée, l'Histolog® Viewer affiche momentanément un message « Exportation terminée » dans le coin inférieur droit

14.3. Exporter l'image actuellement affichée

Utiliser cette option pour exporter l'image actuellement affichée dans l'Histolog[®] Viewer. Cette option ne permet d'exporter qu'une seule image.



Pour exporter l'image actuellement affichée :

1. Cliquer sur l'icône d'exportation
2. Cliquer sur la case à cocher « Anonymiser » si les données exportées doivent être anonymisées

REMARQUE : la fonction d'anonymisation supprime toutes les données qui peuvent permettre de remonter jusqu'au patient.

3. Sélectionner le format vers lequel exporter
4. L'Histolog[®] Viewer ouvre une boîte de dialogue pour explorer la structure du dossier sur votre ordinateur :
 - a. Dans la boîte de dialogue , sélectionner l'emplacement vers lequel exporter
 - b. Cliquer sur le bouton « Sélectionner »
5. Lors de l'exportation au format « Histolog[®] » :
 - a. Sélectionner la ou les versions à exporter dans la boîte de dialogue « Exporter »
 - b. Cliquer sur le bouton « Exporter »
6. Une fois la procédure d'exportation terminée, l'Histolog[®] Viewer affiche momentanément un message « Exportation terminée » dans le coin inférieur droit

15. Dépannage

REMARQUE : l’Histolog[®] Viewer ne prend en charge qu’une seule instance de lui-même à exécuter. Ne pas tenter d’exécuter plusieurs Histolog[®] Viewer en même temps sur le même système.

En cas de problème qui empêche d’effectuer des opérations, quitter l’application conformément à la section [Fermeture de l’Histolog[®] Viewer](#) et la redémarrer comme indiqué dans la section [Démarrage de l’Histolog[®] Viewer](#).

15.1. Contacter SamanTree Medical

Si le problème persiste, cesser d’utiliser l’Histolog[®] Viewer et [contacter SamanTree Medical](#) ou un représentant autorisé pour obtenir une assistance technique.

15.2. Exporter les fichiers log

Pour l’exportation des fichiers log, voir la section [7.8](#).

Sur demande de l’équipe d’assistance technique de SamanTree Medical, les fichiers log peuvent être récupérés à partir du dossier « logs » de votre système de fichiers informatiques.

Sur Microsoft Windows, le dossier « logs » se trouve à l’emplacement où le logiciel Histolog[®] Viewer a été installé.